作业

计算机科学与技术系 52 班杨定澄 学号: 2015011274 E-mail:892431401@qq.com

1 第一题

可以在 HMM.py 中看到程序。

(1)

先看第一问,假设 n 代表显状态数目(ABCD,共 4 个),m 代表隐状态数目(3+2,共 5 个。初始节点为 0,终止节点为 4)。我们要根据已知的样本学习 A 矩阵与 B 矩阵,其中 A_{ij} 代表第 i 个隐状态到第 j 个隐状态的转移概率, B_{ij} 表示第 i 个隐状态发射出第 j 个显状态的概率。接着套用书上的 Baum-Welch 算法。

但是这时我们遇到了第一个问题,书上的算法是基于给定一个样本输出 O,来学习一个参数 θ ,使得 $P(\theta|O)$ 最大的,这里有一组样本。我分别在两个模型中各取一个样本进行学习。

接着考虑我们要学习的是哪些量,因为有的量是固定的,比如 $A_{i0}=0, A_{44}=1$ 。

所以一开始我的做法是, 隐状态 0,1,2,3 等概率的转移到隐状态 1,2,3,4, 然后每个隐状态对显状态的发射概率是等概率的, 接着让他学习。学习结果如下

```
模型一:
[0, 0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
[0.0, 0.22222036314967125, 0.22222036314967125, 0.22222036314967125, 0.33333891055098636]
[0.0, 0.22222036314967125, 0.22222036314967125, 0.22222036314967125, 0.33333891055098636]
[0.0, 0.22222036314967125, 0.22222036314967125, 0.22222036314967125, 0.33333891055098636]
[0, 0, 0, 0, 0, 1]
[0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
[0.3333389105509864, 0.6666610824366223, 7.01239152542015e-09, 4.424316928682751e-180]
[0.3333389105509864, 0.6666610824366223, 7.01239152542015e-09, 4.424316928682751e-180]
[0.3333389105509864, 0.6666610824366223, 7.01239152542015e-09, 4.424316928682751e-180]
[0.4848940350515108e-88, 1.2553631437503425e-05, 0.4999937205547114, 0.4999937258138512]
```

对于每个模型,第一个矩阵是 A 矩阵,第二个矩阵是 B 矩阵。结果相当令人诧异,可以看出最后会很快的跑到隐状态的终止节点,让他生成剩下的串。一般会有某个字符几乎百分之百的由终止节点隐状态生成。比如模型一训练的样本是 AABBCCDD,就变成了 AABB 由前 4 个隐状态生成,后面的 CCDD 几乎百分之百的由终止状态生成。

产生这种现象的原因之一,可能还是在于串长不够长、隐状态数大于显状态数,导致了某个字符几乎完全由某组隐状态生成的分工现象。

题目要求是串从起始状态出发,终止状态结束。为了让终止状态的 "终止"意义更大,我觉得要求只有第一个字符由起始节点生成、只有最后 一个字符由终止节点生成更加合适,所以我将程序改了一下,强制要求只 有最后一个字符才能由终止状态生成。

要想做到这一点,我们可以修改 forward-backward 算法,也就是在 dp 的时候要求只有最后一个字符才能走到隐状态上去。如此一来,学习的结果就会变成我想要的结果了。

接着在两组样本中各取第一个样本进行训练,却又遇到了一个问题。

```
[0, 0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
[0.0, 0.2777777777777778, 0.27777777777778, 0.277777777778, 0.1666666666666666663]
[0.0, 0.2777777777777777, 0.27777777777777, 0.27777777777, 0.166666666666666666]
[0, 0, 0, 0, 1]
[0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
[0.1666666666666666, 0.333333333333333333, 0.3333333333334, 0.1666666666666666]
[0.\ 16666666666666666,\ 0.\ 33333333333333337,\ 0.\ 3333333333333334,\ 0.\ 16666666666666663]
[0.16666666666666666, 0.33333333333333337, 0.3333333333334, 0.16666666666666666]]
[0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
模型二:
[0, 0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
0.0, 0.2777777777778, 0.2777777777778, 0.277777777778, 0.166666666666666666
[0.\ 0,\ 0.\ 2777777777777,\ 0.\ 277777777777,\ 0.\ 27777777777,\ 0.\ 1666666666666666666666]
[0. \ 0, \ 0.\ 277777777777777, \ 0.\ 2777777777777, \ 0.\ 2777777777, \ 0.\ 1666666666666666]
[0, 0, 0, 0, 1]
[0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
[0.\ 1666666666666663,\ 0.\ 333333333333333333,\ 0.\ 333333333333333,\ 0.\ 166666666666666666]
[0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
```

可以看出, 训练的结果几乎一模一样。

观察发现,我们训练的两个样本分别是 AABBCCDD,DDCCBBAA, 事实上他们只是被置换了一下而已,其实是很像的两个串。

更关键的是,我的初始值设定的是均匀分布(即都是 0.25),这么一来 算法对这两个串的运行结果都会是一样的。

事实上,如果两个训练模型的初始值设定一样,对这两个串训练出来 的结果也都会是一样的。

为此,我们可以修改初始值,比如第一个样本不是均匀分布而是 [0.1,0.2,0.3,0.4],第二个正好相反,是 [0.4,0.3,0.2,0.1],这样子设定初始 值得到的训练结果就有所不同了。

```
[0, 0.1, 0.2, 0.3, 0.4]
0.0, 0.138888888888889, 0.27777777777778, 0.41666666666666667, 0.16666666666666666
0.0, 0.138888888888889, 0.27777777777778, 0.4166666666666666, 0.16666666666666666
0.0, 0.13888888888888, 0.277777777777778, 0.41666666666666666, 0.166666666666669]
[0, 0, 0, 0, 1]
[0.1, 0.2, 0.3, 0.4]
[0.1666666666666669, 0.3333333333333333333333333333333337, 0.166666666666666663]
0. 16666666666666, 0. 3333333333333333, 0. 33333333333337, 0. 166666666666666666666
[0.1666666666666666], 0.33333333333333326, 0.333333333333333, 0.16666666666666669]
[0.1, 0.2, 0.3, 0.4]
模型二:
[0.0, 0.4, 0.3, 0.2, 0.1]
0.\ 0,\ 0.\ 37037037037037037035,\ 0.\ 2777777777777777,\ 0.\ 18518518518518517,\ 0.\ 16666666666666669]
0.\ 0,\ 0.\ 3703703703703704,\ 0.\ 277777777777778,\ 0.\ 1851851851851852,\ 0.\ 1666666666666669]
[0.\ 0,\ 0.\ 37037037037037035,\ 0.\ 277777777777777,\ 0.\ 18518518518518517,\ 0.\ 16666666666666669]
[0, 0, 0, 0, 1]
[0.4, 0.3, 0.2, 0.1]
[0.166666666666666, 0.3333333333333333326, 0.333333333333337, 0.166666666666666666]
0. 1666666666666666, 0. 3333333333333337, 0. 3333333333333, 0. 16666666666666663
[0, 4, 0, 3, 0, 2, 0, 1]
```

而如果选择的样本不这么相似,比如第二组样本使用的是 DDABCBA,则训练出来的结果就会有更明显的不同。

```
0, 0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
[0.\ 0,\ 0.\ 2777777777778,\ 0.\ 2777777777778,\ 0.\ 277777777778,\ 0.\ 1666666666666663]
[0.\ 0,\ 0.\ 277777777777,\ 0.\ 27777777777,\ 0.\ 27777777777,\ 0.\ 16666666666666666]
[0, 0, 0, 0, 1]
[0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
[0.1666666666666666, 0.333333333333333337, 0.333333333333334, 0.166666666666666666666]
0. 16666666666666666, 0. 3333333333333337, 0. 33333333333334, 0. 1666666666666666
[0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
[0, 0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
0.0, 0.2666666666666667, 0.266666666666667, 0.2666666666666667, 0.2
[0.0, 0.2666666666666667, 0.266666666666667, 0.2666666666666667, 0.2]
[0, 0, 0, 0, 1]
[0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
[0.20000000000000004, 0.4, 0.20000000000000004, 0.2]
[0. 20000000000000004, 0. 4, 0. 20000000000000004, 0. 2]
[0.20000000000000004, 0.4, 0.2000000000000004, 0.2]
[0.25, 0.25, 0.25, 0.25]
```

从中可以看出,初始值的选定是相当重要的,两个比较相似的串,如果初始值一样,很容易收敛到同一个解,从而得到相同的模型,这是我们极力要避免的。

一个最简单的避免方法是初始值随机选定。

(2)

解决了第一问后,后两问就相当简单了。

隐马尔可夫模型的三大核心问题里,后两问其实都是估值问题,而估值问题可以说是学习问题的一个步骤,所以几乎不用写什么新代码。

第一个模型学习样本 AABBCCDD,第二个模型学习样本 DDABC-BA,生成给定的四个串概率和分类如下:

1. 2059083522441819e-05 1. 6121856000000026e-05 模型二 6. 029541761220907e-06 8. 060928000000013e-06 模型二 2. 9458618319107867e-05 3. 5020800000000056e-05 模型二 5. 891723663821575e-05 0. 00010076160000000000

5.891723003821575e=05 0.00010076160000000009 模型<u>一</u>

生成的四个串全都被分类到了第二类,这点令我感到惊讶。

直观上来看,第一个样本 AABBCCDD 未免过于规律,而 DDABCBA则显得更加像随机生成的,同时又有"相邻两个字符相同"的情况出现。

从概率数值上看,对于前三个,虽然都分给了第二类,但其实概率相 差的也不算太大。

如果第一个样本换成一个更加随机一点的,分类结果就不会这么一边倒了。(反之如果一个样本全部都是 A,那么基本上不会有什么串和他一类)

(3)

4.091474766542757e-06 5.6033280000000094e-06 模型二 P(w2|x)/P(w1|x)= 1.3695130288521242

可以对 $\frac{P(\omega 1)}{P(\omega_2)}$ 以 1.3695 为分界点,当比值恰好取在分界点上时后验概率可视为一样。

如果 $\frac{P(\omega 1)}{P(\omega_2)} > 1.3695$,倾向于分在第一类,否则倾向于分在第二类。

2 第二题

(1)

贝叶斯置信网络相当于是所有变量按照"依赖关系"形成一个有向无环图,我们假设对一个长度为T的串用一阶马尔科夫模型,那么我们把时刻t所在的隐状态设为一个变量。

如此一来,由于时刻 t 所在的隐状态只和时刻 t-1 所在的隐状态有关,故形成一个有向无环图。

即时刻 t 对应变量向时刻 t+1 对应变量连一条边。

贝叶斯置信网络的公式为 $P(x|e) \propto P(e^C|x)P(x|e^P)$,我们来思考 $P(x|e^P)$ 是什么。

根据贝叶斯置信网络

$$P(x|e^{P}) = \sum_{alli,j,\dots,k} P(x|P_{1i}, P_{2j}, \dots, P_{|P|k}) P(P_{1}|e_{p_{1}}) \dots P(P_{|P|k}|e_{P_{|P|k}})$$

 P_{mn} 表示的就是 P_m 取 n 的概率。

由于每个变量只有最多一个父亲(就是前一个时刻对应变量),所以应 用在马尔科夫过程就是

$$P(x|e^{P}) = \sum_{i} P(x|P_{1i})P(P_{1}|e_{p_{1}})$$

假设 x 集合只有一个变量 x_i ,我们会发现 $P(x_i = j | e^P)$ 表达就是只考虑 x_i 的父亲的情况下, $x_i = j$ 的概率。而这其实就是前向算法中的 α 数组。

前向算法中 $\alpha_i(t)$ 表示时刻 t 处于隐状态 i,意思就是时刻 t 对应的变量取值为 i 的概率,也就是 $P(x_t=i|e^P)$ 。

前向算法的转移式为 $\alpha_i(t) = \sum_j \alpha_j(t-1)a_{ij}b_{jk}v(t)$,其中 $\alpha_j(t-1)$ 就代表 $P(P_1|e_{p_1})$ 这一项, $a_{ij}b_{jk}v(t)$ 就代表 $P(x|P_{1i})$ 这一项。

而当 t=0 时,自然是 $P(x_0=\overline{\eta})=1$, $P(x_0=\overline{\eta})=1$, $P(x_0=\overline{\eta})=1$ 0。

所以前向算法得证。

后向算法其实是前向算法的逆过程,我们可以改改变量的含义。假设有 T 个时刻,就对应的有 T 个变量,第 i 个变量取值为 j 的意思是,我现在在时刻 i,处于隐状态 j,最后时刻 T 的时候我会处于终止状态。这样就得到了 T 个状态。

这么一来的话,每个状态就不是和前面的状态有关了,而是和后面的 状态有关,时刻 t 对应变量依赖于时刻 t+1 对应变量。

接着假设 x 集合只含有一个变量 x_i , $P(x|e^P)$ 就是 $\beta_i(t)$ 的含义了。 $P(P_1|e_{p_1})$ 对应的是 $\beta_i(t+1)$, $a_{ij}b_{jk}v(t+1)$ 代表 $P(x|P_{1i})$ 这一项

(2)

基本上如上问所说。

对于隐马尔可夫模型,假设一个时间为T的序列,总共有m个隐状态。

我们可以看做有恰好 T 个变量, x_i 表示时刻 i 所处的隐状态编号, $1 \le x_i \le m$ 。

对于 i > 0, x_i 依赖且仅依赖于 x_{i-1} 。 x_0 没有依赖的变量。

注意依赖关系构成一个有向无环图的形式, 所以也是一个贝叶斯置信 网络的应用。