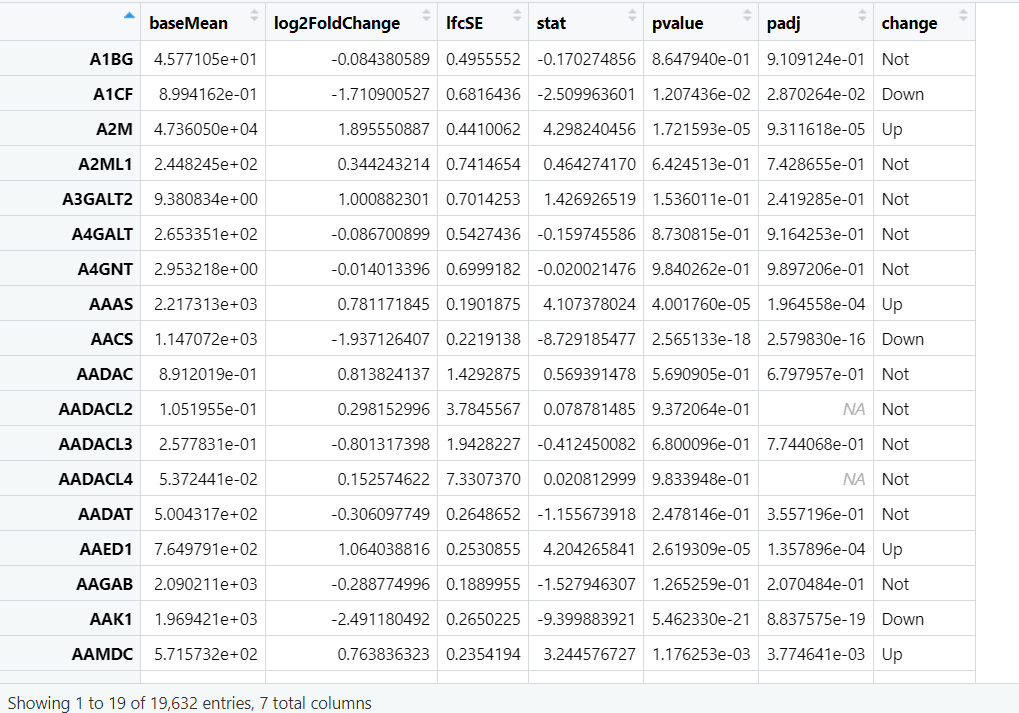
**实践六：R与转录组分析**

**（所有练习代码存入脚本函数并作出注释）**

**1. 文件mRNA\_exprSet.csv中ID后2位为01的是肿瘤组织样本，ID后2位为11的是正常组织样本，使用DESeq2进行肿瘤组和正常组的差异分析。**

****