프로그램 구조와 상수 값을 이용하는 바이 너리 실행 파일의 차이점 분석

Journal of KIISE 2008. 7 박희완, 최석우, 서선애, 한태숙

> 김영철 2016. 3. 18.

서론

- 바이너리 실행 파일의 차이점 분석
 - → 패치를 통해 변경된 부분 탐지
 - → 코드 도용 탐지

- 상향식 분석 방법
 - → 명령어 차이점 같은 세밀한 분석

- 하향식 분석 방법
 - → 프로그램 구조를 이용한 분석

서론

• 하향식 분석 방법 + 상수 값 요약

→ 하향식 분석법의 장점에 섬세함을 더함.

관련연구

• 명령어 기반 비교 방법 T. Sabin – 그래프 일치를 이용하여 비교하는 알고리즘 제안

DarunGrim - 기본 블록부터 비교를 시작하고 함수 단위 매칭으로 비교를 끝내는 상향식 분석 방법 사용

관련연구

- 구조 정보를 이용하는 비교 방법
 T. Dullien 코드의 구조 정보를 바탕으로 비교하는 방법 제안
 *구조 정보 : 함수 내의 CFG와 함수 호출에 대한 요약 정보
 - T. Dullien & R. Rolles
 - CFG 기반 비교 기법을 일반화, selector와 property 개념 도입

• 구조적인 비교 + 상수 단위 비교

 구조적인 비교 함수 단위 구조 비교 함수를 구성하는 기본 블록 단위 비교

상수 단위 비교
 구조적인 비교에서 섬세함이 떨어지는 것을 보완

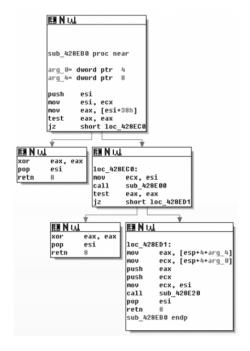
• 바이너리 구조 정보의 요약 1. 함수 요약하기

$$\alpha(f) = (i, j, k)$$

i: 함수에 포함된 기본 블록의 개수

j: 함수에 포함된 기본 블록 간의 연결선의 개수

k: 함수에 포함된 함수 호출의 개수



$$\alpha(f) = (5, 4, 2)$$

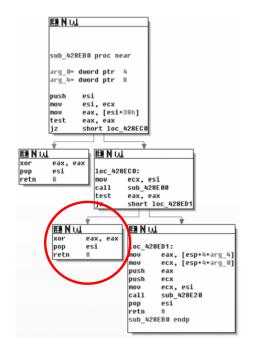
• 바이너리 구조 정보의 요약 2. 기본 블록 요약하기

$$\beta(n) = (i, j, k)$$

i: 함수 시작 지점 - 기본 블록까지의 최소 블록 개수

j: 기본 블록 - 함수 종료 지점까지의 최소 블록 개수

k: 기본 블록에서의 함수 호출 개수



$$\beta(n) = (3, 1, 0)$$

• 바이너리 구조 정보의 요약 2. 기본 블록 요약하기

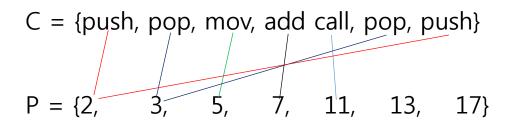
$$\gamma(n) = SPP(\{c_1, \dots, c_k\})$$

$$C = \{ {
m c_1, c_2, ..., c_n} \}$$
 모든 명령어 집합 $P = \{ 2,3,5, ... {
m p_n} \}$ 모든 소수 집합 $SPP(\{c_1,c_2,...,c_k\}) = \prod_{i=1}^k sp(c_i)$

sp: 명령어를 하나의 유일한 소수에 매핑하는 함수

• 바이너리 구조 정보의 요약 2. 기본 블록 요약하기

$$\gamma(n) = SPP(\{c_1, \dots, c_k\})$$



$$SPP\{C\} = 2 * 3 * 5 * 7 * 11 * 13 * 16 * 2 * 3$$

→ SPP값의 소인수 분해를 통해 원 본 명령어 집합을 구하는 것이 가능

• 상수 정보의 요약

$$\delta(f) = \{(v_1, n_1), (v_2, n_2), ..., (v_n, n_n)\}$$

Vn : 상수 값

ni: 블록 내에서 vn이 나타나는 개수

$$\delta(f) = \{(0x800, 2), (0x100, 1)\}$$

→ 함수 f내에서 0x800이 2번, 0x100이 1번 쓰임

• 바이너리 비교 알고리즘 1. 함수의 매칭 알고리즘

$$\begin{split} p(f_i) = g_j & \stackrel{\text{def}}{=} & (\forall k \neq i \colon \ \alpha(f_i) \neq \alpha(f_k)) \\ & \wedge (\forall l \neq j \colon \ \alpha(g_j) \neq \alpha(g_l)) & \stackrel{\text{알고리즘을 통해서 최대한 많}}{\sim} \\ & \wedge (\alpha(f_i) = \alpha(g_j)) & \wedge (\alpha(f_i) = \alpha(g_j)) & \stackrel{\text{constant}}{\sim} \\ \end{split}$$

• 바이너리 비교 알고리즘 1. 함수의 매칭 알고리즘

```
\begin{aligned} p_0 &= p. \\ p_{i+1}(f_a) &= \\ \begin{cases} p_i(f_a) & \text{if } f_a {\in} dom(p_i), \\ & (p_i(f_b) = g_d) \\ g_c & \text{if } \exists f_b {\in} dom(p_i) : \land (f_b {\rightarrow}_f f_a) \\ & \land (g_d {\rightarrow}_f g_c), \\ undefined \text{ otherwise.} \end{cases} \qquad dom(p_i) : 함수 pi의 정의역
```

• 일치율 계산 1. 구조적 일치율 계산

$$\alpha(f)=(i1,j1,k1)$$
 $\alpha(g)=(i2,j2,k2)$ 구조적 일치율 $=\frac{\alpha(f)\cdot\alpha(g)}{|\alpha(f)|\,|\alpha(g)|}$
$$=\frac{i_1i_2+j_1j_2+k_1k_2}{\sqrt{i_1^2+j_1^2+k_1^2}\,\sqrt{i_2^2+j_2^2+k_2^2}}$$

$$\alpha(f) = (1, 2, 3)$$
 $\alpha(g) = (2, 4, 6)$

이 경우, 구조적 일치율은 1이지만, 함수 매칭 알고리즘에서 매칭되지 않음

• 일치율 계산 1. 상수 일치율 계산