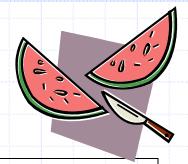


Outline

- ◈ 8.1 퀵 정렬
 - ◈ 8.2 무작위 퀵 정렬
 - ◈ 8.3 제자리 퀵 정렬
 - ◈ 8.4 합병 정렬과 퀵 정렬 비교
 - ◈ 8.5 응용문제



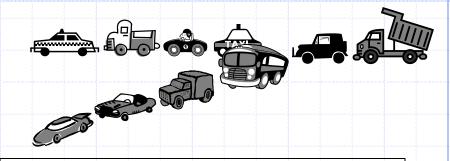
- ◆ 퀵 정렬(quick-sort):분할통치법에 기초한정렬 알고리즘
 - 1. **분할**(divide): 기준원소 p를(pivot, 보통은 마지막 원소)를 택하여 L을 다음 세 부분으로 분할
 - LT (p보다 작은 원소들)
 - ► EQ (p와 같은 원소들)
 - ◆ *GT* (*p*보다 큰 원소들)
 - 2. **재귀**(recur): *LT*와 *GT*를 정렬
 - 3. **통치**(conquer): *LT*, *EQ*, *GT*를 결합

```
Alg quickSort(L)
input list L with n elements
output sorted list L
```

```
1. if (L.size() > 1)
    k ← a position in L
    LT, EQ, GT ← partition(L, k)
    quickSort(LT)
    quickSort(GT)
    L ← merge(LT, EQ, GT)
2. return
```

리스트 분할

- 합 입력 리스트를 다음과 같이 분할
 - 1. **L**로부터 각 원소 e를 차례로 삭제
 - e를 **기준원소**p와의 비교 결과에 따라 부리스트LT, EQ, GT에 삽입
- 합입과 삭제를 리스트의 맨 앞이나 맨 뒤에서 수행하므로 **○**(1) 시간 소요
- 따라서, quick-sort의 분할
 단계는 O(n) 시간 소요



Alg partition(L, k)
input list L with n elements,
position k of pivot
output sublists LT, EQ, GT of the
elements of L, less than, equal to,
or greater than pivot, resp.

```
    p ← L.get(k)
    LT, EQ, GT ← empty list
    while (!L.isEmpty())
        e ← L.removeFirst()
        if (e < p)
            LT.addLast(e)
        elseif (e = p)
            EQ.addLast(e)
        else {e > p}
            GT.addLast(e)
    return LT, EQ, GT
```

{pivot}

기준원소 선택

- - **결정적**이며 쉬운 방법
 - 맨 앞 원소
 - ◆ 맨 뒤 원소
 - ◆ 중간 원소
 - 결정적이며 조금 복잡한 방법
 - 맨 앞, 중간, 맨 뒤 위치의 세 원소의 중앙값(median)
 - 0/4, 1/4, 2/4, 3/4, 4/4 위치 다섯 원소의 중앙값
 - 전체 원소의 중앙값
 - **무작위**한 방법
 - 무작위 방식으로 원소 선택
 - ◈ 기준원소 선택의 영향
 - 분할 결과
 - 퀵 정렬 수행 성능

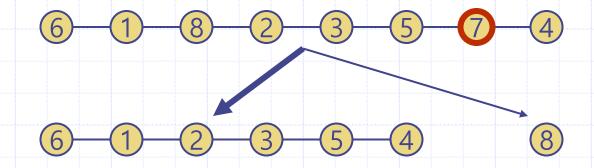
퀵 정렬 트리

- ◆ quick-sort의 실행을 이진트리로 보이기
 - 이진트리의 각 노드는 quick-sort의 **재귀호출**을 표현하며 다음을 저장
 - 실행 이전의 무순 리스트 및 기준원소
 - ▶ 실행 이후의 정렬 리스트
 - 루트는 **초기 호출**을 의미
 - 잎들은 크기 0 또는 1의 부리스트에 대한 호출을 의미
 - ◈ 실행예를 위한 입력 리스트

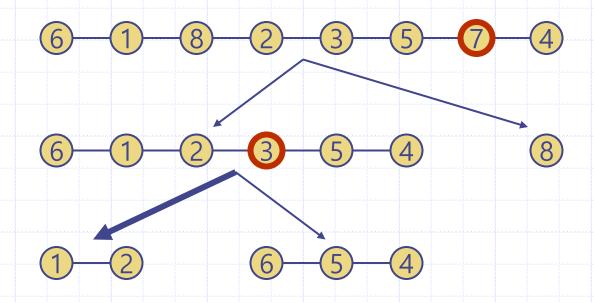


퀵 정렬 수행 예◆ 초기 호출, 분할, 재귀 호출



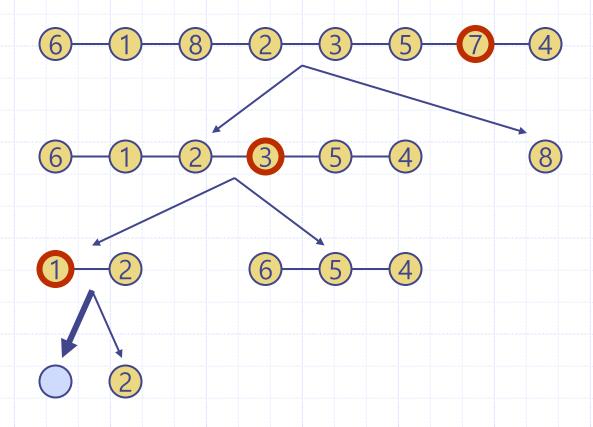


◈ 분할, 재귀호출



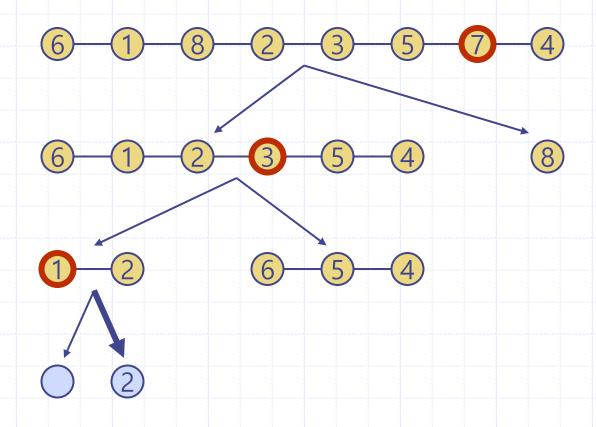
Algorithms

◈ 분할, 재귀 호출, 베이스 케이스



Algorithms

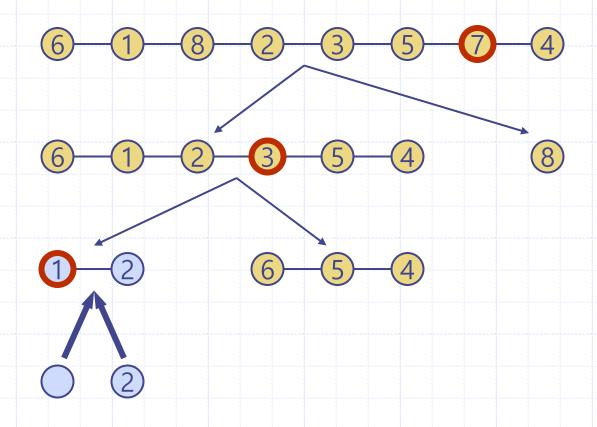
◈ 재귀 호출, 베이스 케이스



Algorithms

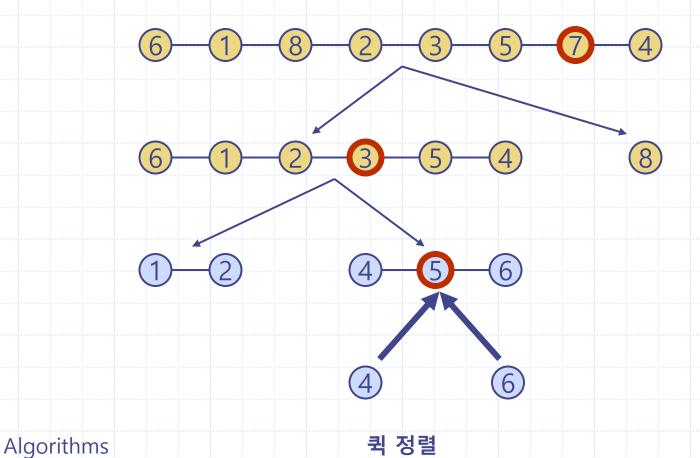
리 정렬 수행 예 (conti.) ● 결합





Algorithms

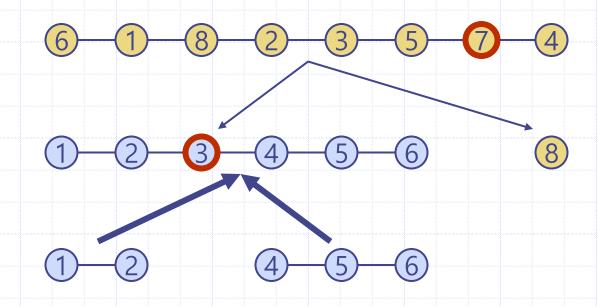
◈ 재귀 호출, 분할, ..., 결합



12

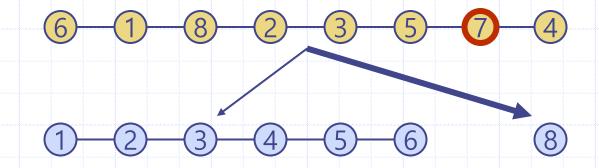
퀵정렬수행예 (conti.) ● 결합





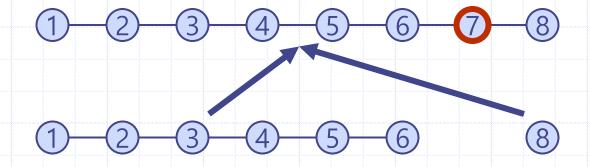
Algorithms

◈ 재귀 호출, 베이스 케이스



쾩정렬수행예 (conti.) ● 결합





Algorithms 퀵 정렬 15

최악실행시간

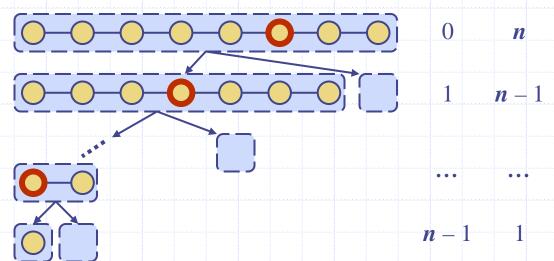


- quick-sort의 **최악**은 기준원소가 항상 유일한 최소이거나 최대 원소일 경우
- ◈ 이 경우 LT와 GT 가운데 하나는 크기가 n-1이며, 다른 쪽은 크기가 0
- ◈ 실행시간은 다음 합에 비례

$$n + (n - 1) + ... + 2 + 1$$

depth time

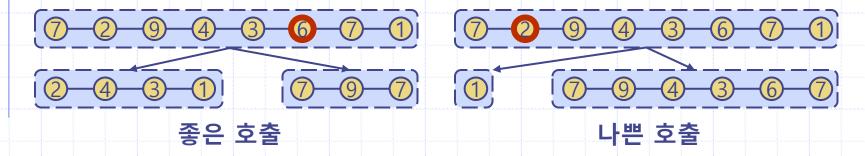
♥ 따라서, quick-sort의
 최악실행시간:
 O(n²)



기대실행시간



- ◈ 크기 s의 리스트에 대한 quick-sort의 재귀 호출을 고려하면,
 - 좋은 호출: LT와 GT의 크기가 모두 (3/4)s 보다 작다
 - **나쁜 호출:** *LT*와 *GT*의 가운데 하나의 크기가 (3/4)s 보다 크다



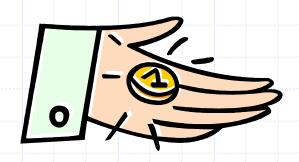
- ◆ 호출이 좋을 확률은 ½ (예: 동전던지기)
 - 가능한 기준원소의 ½은 좋은 호출을 부른다



Algorithms

무작위 퀵 정렬

- ◆ quick-sort의 결정적 버전에서는, 기준원소로서 리스트로부터의 특정한 원소, 즉 마지막 원소를 선택하였다

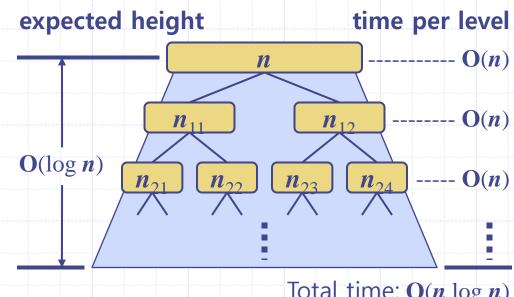




무작위 퀵 정렬의 기대실행시간



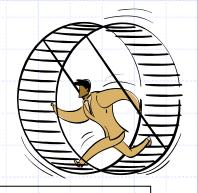
- ◈ 깊이 i의 노드에 대해 다음을 기대할 수 있다
 - *i*/2개의 조상: **좋은 호출**
 - 현재 호출을 위한 입력 리스트의 크기: 최대 (3/4)^{i/2}n
- ◈ 따라서,
 - 깊이 2log_{4/3}n의 노드에 대해*, 기대 입력 크기: 1
 - 퀵 정렬 트리의 기대 높이: **O**(log *n*)
- ◈ 같은 깊이의 노드들에 대해 수행되는 작업량: $\mathbf{O}(n)$
- ◈ 따라서, quicksort² 기대실행시간: O(n $\log n$



Total time: $O(n \log n)$

제자리 퀵 정렬

- ◆ quick-sort를 **제자리**에서 수행되도록 구현 가능
 - ▶ 분할 단계에서, 입력 리스트의 원소들을 재배치하기 위해
 다체(replace) 작업을 사용 즉,
 - *LT* (*a* 보다 아래의, 기준원소보다 작은 원소들)
 - *EQ* (*a*와 *b* 사이의, 기준원소와 같은 원소들)
 - *GT* (*b* 보다 위의, 기준원소보다 큰 원소들)



Alg inPlaceQuickSort(L, l, r)
input list L, position l, r
output list L with elements of
position from l to r rearranged in
increasing order

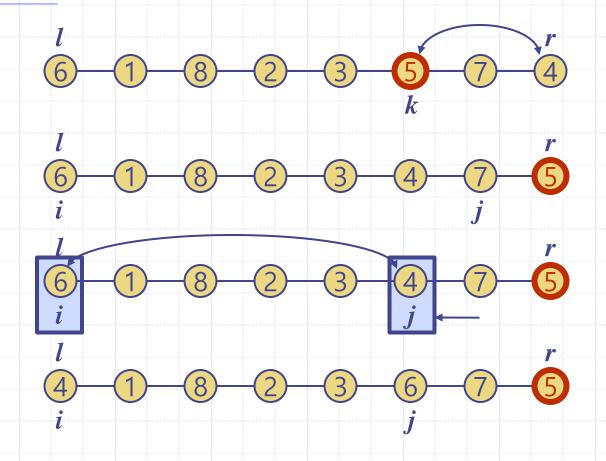
- 1. if $(l \ge r)$ return
- 2. $k \leftarrow a$ position between l and r
- $3. a, b \leftarrow inPlacePartition(L, l, r, k)$
- 4. inPlaceQuickSort(L, l, a 1)
- 5. inPlaceQuickSort(L, b + 1, r)
- ▼ 재귀호출은 *LT*와 *GT*부리스트 대해 수행

제자리 분할

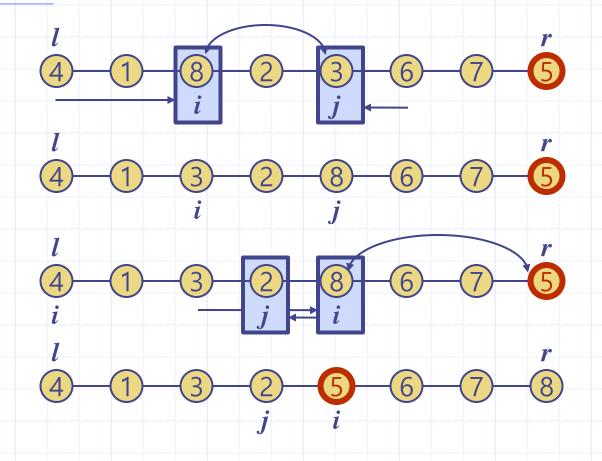
```
Alg inPlacePartition(A, l, r, k)
                                              5. while (i \le j)
   input array A[l..r] of distinct
                                                     while (i \le j \& A[i] \le p)
      elements, index l, r, k
                                                         i \leftarrow i + 1
   output final index of the pivot
                                                    while (j \ge i \& A[j] \ge p)
      resulting from partitioning
                                                        j \leftarrow j - 1
      A[l..r] into LT, pivot, GT
                                                    if (i < j)
                                                         A[i] \leftrightarrow A[j]
1. p \leftarrow A[k] {pivot}
                                              6. A[i] \leftrightarrow A[r] {replace pivot}
                                              7. return i {index of pivot}
2. A[k] \leftrightarrow A[r] {hide pivot}
3. i \leftarrow l
4.j \leftarrow r - 1
```

◆ 위의 inPlacePartition 버전은 입력 배열 A가 유일한 원소로만 이루어졌다고 전제함

제자리 분할 예



제자리 분할 예 (conti.)



Algorithms

합병정렬과 퀵정렬비교入

	합병 정렬	퀵 정렬
기법	분할통치법	분할통치법
실행시간	$\mathbf{O}(n \log n)$ 최악실행시간	$\mathbf{O}(n^2)$ 최악실행시간 $\mathbf{O}(n \log n)$ 기대실행시간
분할 vs. 결합	분할은 쉽고, 합병은 어렵다	분할은 어렵고, 합병은 쉽다
제자리 구현	제자리 합병이 어렵다	제자리 분할이 쉽다
실제 작업 순서	작은 것에서 점점 큰 부문제로 진행	큰 것에서 점점 작은 부문제로 진행

Algorithms 퀵 정렬 24

응용문제: 색 분리

♠ n개의 원소로 이루어진 리스트 L이 있다 - 여기서 원소는 각각 빨강 또는 파랑으로 색칠되어 있다

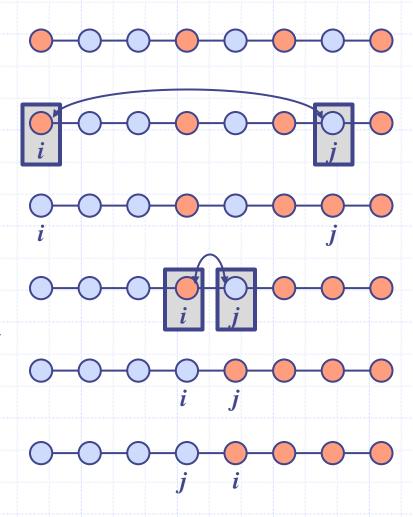


◈ L이 배열로 표현되었다고 전제하고, L의 모든 파랑원소들이 빨강 원소들의 앞에 오도록 재배치하는 제자리, O(n)-시간 메쏘드를 설명하라



해결: 색 분리

- ◆ 파랑과 빨강 원소에 대해 다음을 수행
 - 1. 배열의 왼쪽과 오른쪽 양쪽 끝에서 각각 포인터 출발
 - 2. 왼쪽 포인터가 **파랑** 원소를 가리키는 동안 첨자를 계속 **증가**
 - 3. 마찬가지로, 오른쪽 포인터가 **빨강** 원소를 가리키는 동안 첨자를 계속 **감소**
 - 4. 왼쪽 포인터가 빨강 원소에 이르고 오른쪽 포인터가 파랑 원소에 이르면, 두 원소를 **맞교환**
 - 5. 두 포인터가 만날 때까지 포인터를 계속 진행하면서 원소를 맞교환
 - 6. 두 포인터가 만난 시점에 배열 원소의 재배치 완료
- ◆ O(n) 시간 소요



응용문제: 신부와 반지

- ♠ n명의 신부 집합 B(rides)와 n개의 반지 집합 R(ings)가 있다 R에
 속한 반지 각각은 B에 속하는 신부들 중 단 한 명의 신부에게만
 크기가 딱 들어 맞는다
- ◈ 공교롭게도, B에 속한 신부들은 모두 닮았고, R에 속한 반지 역시 모두 닮았다 즉, 겉만 봐서는 신부 간에 손가락 굵기 차이를 구별하거나 반지 간에 크기 차이를 구별할 수 없다
- ◈ 오직 가능한 비교는, **신부-반지** 쌍 (b,r)를 택하여 (여기서 물론 $b \in B$, $r \in R$), 신부 b의 손가락이 반지 r의 크기보다 **큰지**, **작은지**, **딱 맞는지** 끼어 보는 수밖에 없다
- ◆ 모든 신부와 반지의 짝을 찾기 위한 효율적인 메쏘드 match를 설계하라
 - match(B, R): 각각 n개의 원소로 구성된 집합 B와 R의 원소들에 대한 매치 쌍들의 집합을 반환
- ◆ 신부-반지 끼어 보는 시도 회수를 기준으로 메쏘드의 실행시간을 구하라

해결

- 아무 신부 하나를 택하여 모든 반지와 비교 그러면서 반지 집합을 작은 반지와 큰 반지, 딱 맞는 반지로 나눈다
- ♥ 딱 맞는 반지를, 딱 맞는 신부를 제외한 모든 신부와 비교– 비교를 진행하면서 작은 신부와 큰 신부로 나눈다
- ◆ 이제 문제가 두 개의 부문제로 나뉘어졌다
 - 한 문제: 딱 맞는 쌍보다 **작은** 신부들과 반지들로 구성
 - 다른 문제: 딱 맞는 쌍보다 **큰** 신부들과 반지들로 구성
- 이와 같은 방식으로 반복한다면 quick-sort와 유사한 알고리즘을 얻게 된다
- ◈ 알고리즘의 분석 역시 quick-sort에서 했던 것처럼 기대실행시간을 분석할 수 있으며 그 결과는 $\mathbf{O}(n \log n)$ 이 된다

해결 (conti.)

```
Alg match(B, R)
    input set B, R
    output matchup set of pairs of elements from B and R
1. if (B.isEmpty())
        return an empty set
2. if (B.size() = 1)
        return a singleton set with element (B.get(1), R.get(1))
3. b \leftarrow an element in B
4. \textit{R}_{LT}, \textit{R}_{EQ}, \textit{R}_{GT} \leftarrow partition(\textit{R}, \textit{b})
5. r \leftarrow R_{EO}. get(1)
6. B_{LT}, \tilde{B_{GT}} \leftarrow partition(B - \{b\}, r)
7. M_{LT} \leftarrow match(B_{LT}, R_{LT})
8. M_{GT} \leftarrow match(B_{GT}, R_{GT})
9. M \leftarrow merge(M_{LT}, \{(b, r)\}, M_{GT})
10. return M
```

응용문제: 퀵 정렬 변형



- ▶ 오른 쪽의 quickSort(A, n) 함수는 크기 n의 배열 A에 무순으로 저장된 n개의 유일한 키들을 오름차순으로 퀵 정렬한다
- ▶ partition(A, I, r, k)는 A[k]를 기준원소로 삼아, 배열 A의 원소들을 기준원소보다 작은 원소들과 큰 원소들이 각각 배열 A의 왼 편과 오른 편에 위치하도록 이동시키고, 그사이에 기준원소를 위치시킨후, 기준원소의 위치(즉, 배열점자)를 반환한다

Alg quickSort(A, n) {driver} input array A of n distinct keys output sorted array A

- 1. rQuickSort(A, 0, n 1)
- 2. return

Alg rQuickSort(A, l, r) {recursive}
input array A of size n, index l, r
output array A with elements of
index from l to r rearranged in
increasing order

1. if (l < r) $k \leftarrow a \text{ position between } l \text{ and } r$ $m \leftarrow partition(A, l, r, k)$ rQuickSort(A, l, m - 1)rQuickSort(A, m + 1, r)

응용문제: 퀵 정렬 변형 (conti.)

- 퀵 정렬의 수행 원리 상, 무순의 초기 배열 A는 시간이 지남에 따라 거시적인 관점에서 점점 정렬된 상태로 옮겨가게 된다
- 이 점에 착안하여 정렬이 상당히 진행된 적당한 시점에 퀵 정렬을 중단하고 ("거의" 정렬된 입력에 대해서는 퀵 정렬보다 더 우수한 시간성능을 가지는)
 삽입 정렬로 전환하여 정렬을 완성할 수도 있다
- ◆ 그렇게 하기 위한 quickSort 또는 rQuickSort 알고리즘의 수정 내용을 작성하라
- ◈ 사용 가능
 - insertionSort(A, n): *n* 개의 유일한 키를 저장한 배열 *A*를 삽입 정렬

해결

- ▶ 퀵 정렬을 더 이상
 적용하지 않을 대상 원소
 수의 크기(**예:** Limit = 100)를 정하여 이를
 rQuickSort에 반영
 - ▼ rQuickSort 완료 후 거의 정렬된 상태의 배열을 insertionSort가 처리하도록 quickSort를 수정

```
Alg quickSort(A, n) {driver}
input array A of n distinct keys
output sorted array A
```

- 1. rQuickSort(A, 0, n 1)
- 2. insertionSort(A, n)
- 3. return

Alg rQuickSort(A, l, r) {recursive} input array A of size n, integer l, r output array A with elements of index from l to r rearranged in increasing order

```
1. if (r-l \ge Limit)

k \leftarrow a position between l and r

m \leftarrow partition(A, l, r, k)

rQuickSort(A, l, m - 1)

rQuickSort(A, m + 1, r)
```