

# Script\_1.R

Usuario

2020-02-05

```
library(repmis)
conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")

## Downloading data from: https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1
## SHA-1 hash of the downloaded data file is:
## 2bdde4663f51aa4198b04a248715d0d93498e7ba

# Media -----
mean(conjunto$Altura)

## [1] 13.9432
H.media <-subset(conjunto,
                 conjunto$Altura <= 13.9432)

H.16 <- subset(conjunto,
               conjunto$Altura < 16.5)

# Vecinos -----
mean(conjunto$Vecinos)

## [1] 3.34
Vecinos <-subset(conjunto,
                 conjunto$Vecinos <= 3)

vecinos <-subset(conjunto,
                 conjunto$Vecinos < 4)

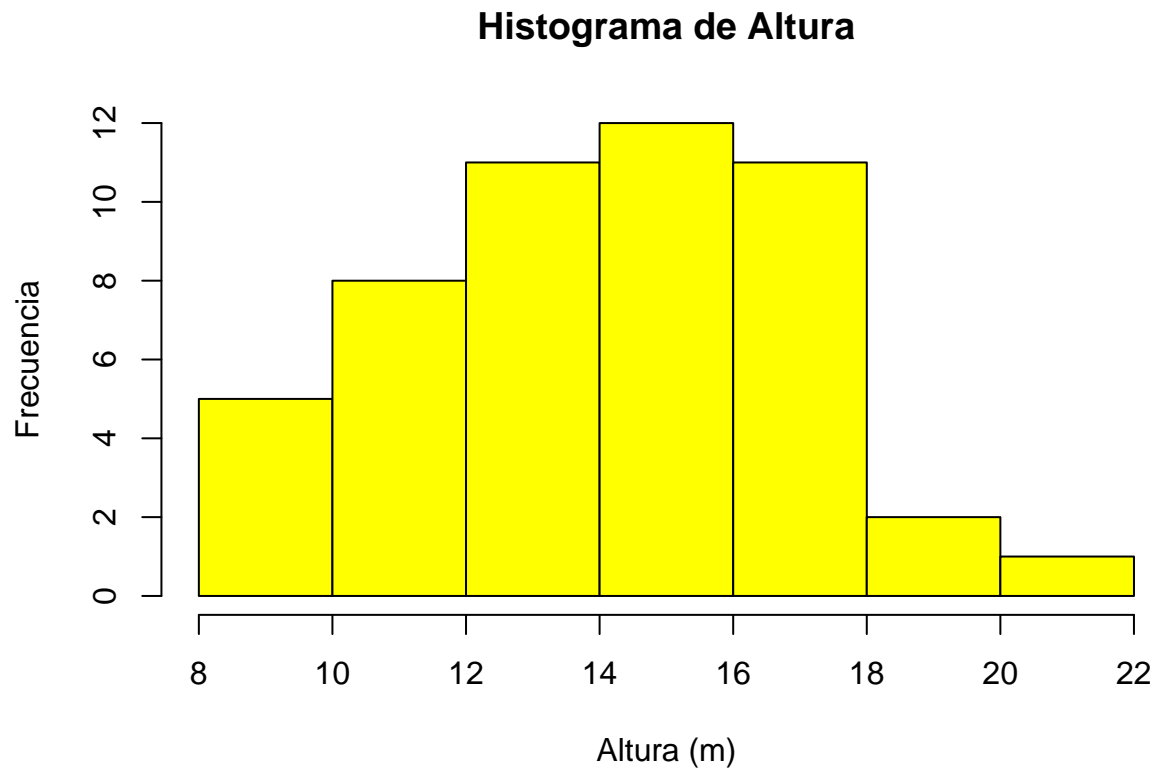
# Diametro -----
mean(conjunto$Diametro)

## [1] 15.794
DBH_media <-subset(conjunto, conjunto$Diametro < 15.794)
DBH_16 <-subset(conjunto, conjunto$Diametro > 16)

# Especie -----
Cedro_Rojo <- subset(conjunto, conjunto$Especie == "C")
Diam_cedro <- subset(Cedro_Rojo, Cedro_Rojo$diametro <= 16.9)
Altura_cedro <- subset(Cedro_Rojo, Cedro_Rojo$Altura > 18.5)
```

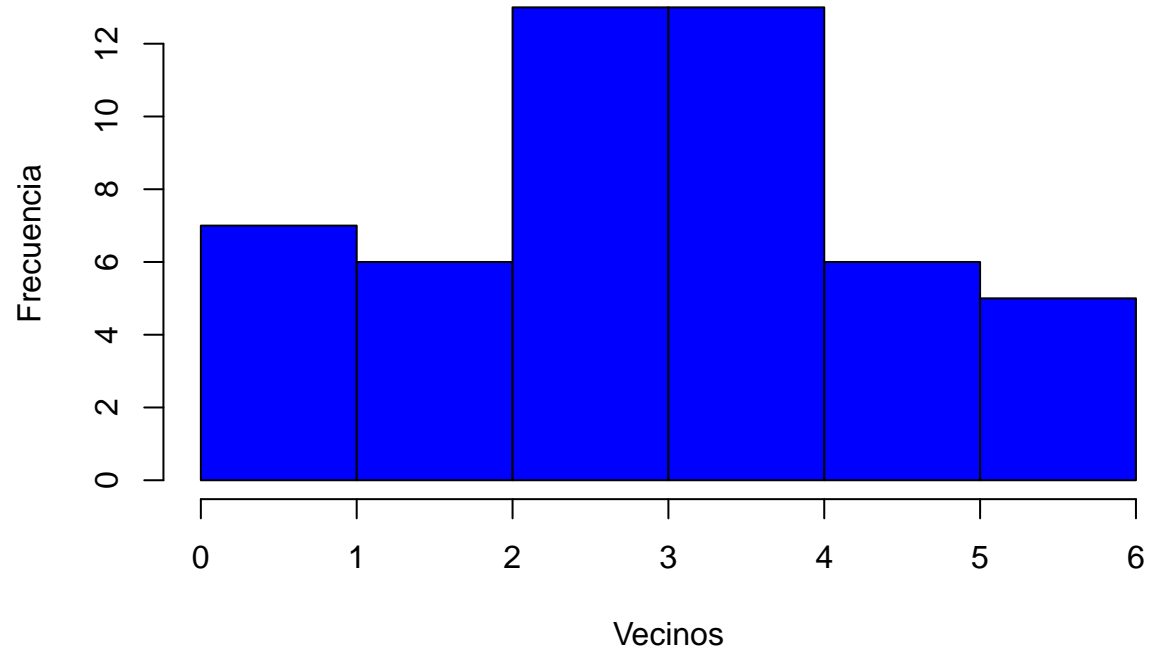
```
# Histogramas -----
```

```
hist(conjunto$Altura, col="yellow", xlab="Altura (m)", ylab= "Frecuencia", main = "Histograma de Altura")
```



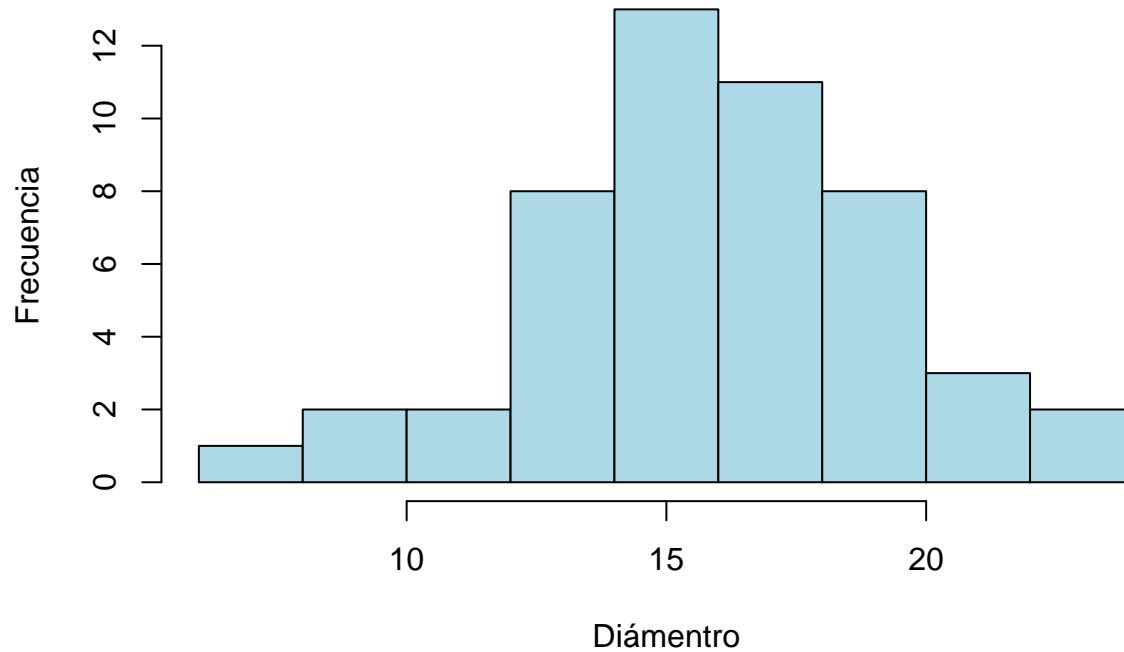
```
hist(conjunto$Vecinos, col="blue", xlab="Vecinos", ylab="Frecuencia", main = "Histograma de Vecinos",)
```

## Histograma de Vecinos



```
hist(conjunto$Diametro, col="lightblue", xlab = "Diámetro", ylab = "Frecuencia", main = "Histograma de
```

## Histograma de Diametro



```
# Basicos -----
```

```
mean(conjunto$Altura)
```

```
## [1] 13.9432
```

```
sd(conjunto$Vecinos)
```

```
## [1] 1.598596
```

```
mean(conjunto$Vecinos)
```

```
## [1] 3.34
```

```
sd(conjunto$Vecinos)
```

```
## [1] 1.598596
```

```
mean(conjunto$Diametro)
```

```
## [1] 15.794
```

```
sd(conjunto$Diametro)
```

```
## [1] 3.227017
```