## Script\_1.R

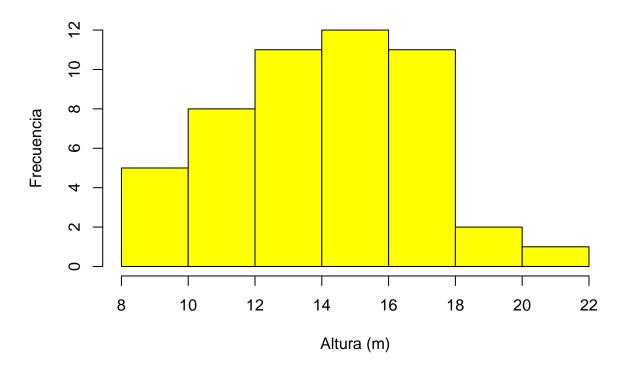
### Usuario

#### 2020-02-05

```
library(repmis)
conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")</pre>
## Downloading data from: https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1
## SHA-1 hash of the downloaded data file is:
## 2bdde4663f51aa4198b04a248715d0d93498e7ba
mean(conjunto$Altura)
## [1] 13.9432
H.media <-subset(conjunto,</pre>
                conjunto$Altura <= 13.9432)
H.16 <- subset(conjunto,
              conjunto$Altura < 16.5)</pre>
# Vecinos -----
mean(conjunto$Vecinos)
## [1] 3.34
Vecinos <-subset(conjunto,</pre>
                conjunto$Vecinos <= 3)</pre>
vecinos <-subset(conjunto,</pre>
                conjunto$Vecinos < 4)</pre>
# Diametro -----
mean(conjunto$Diametro)
## [1] 15.794
DBH_media <-subset(conjunto, conjunto$Diametro < 15.794)
DBH_16 <-subset(conjunto, conjunto$Diametro > 16)
# Especie -------
Cedro_Rojo <- subset(conjunto, conjunto$Especie == "C")</pre>
Diam_cedro <- subset(Cedro_Rojo, Cedro_Rojo$diametro <= 16.9)</pre>
Altura_cedro <- subset(Cedro_Rojo, Cedro_Rojo$Altura > 18.5)
```

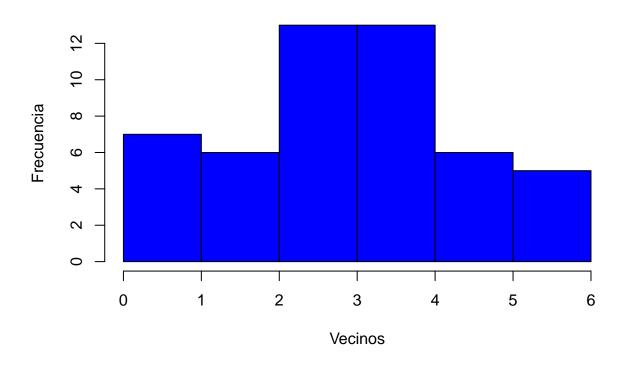
hist(conjunto\$Altura, col="yellow", xlab="Altura (m)", ylab= "Frecuencia", main = "Histograma de Altura

### Histograma de Altura



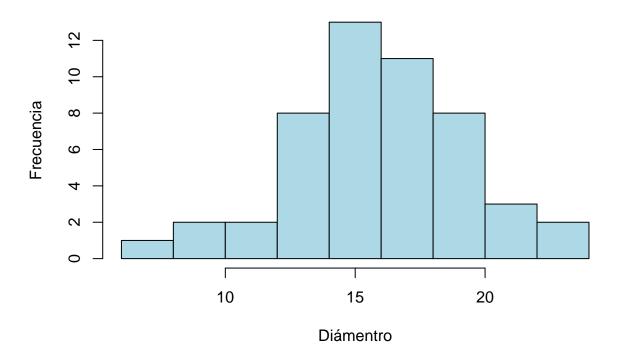
hist(conjunto\$Vecinos, col="blue", xlab="Vecinos", ylab="Frecuencia", main = "Histograma de Vecinos",)

# Histograma de Vecinos



hist(conjunto\$Diametro, col="lightblue", xlab = "Diámentro", ylab = "Frecuencia", main = "Histograma de

## Histograma de Diametro



```
# Basicos -----
mean(conjunto$Altura)

## [1] 13.9432

sd(conjunto$Vecinos)

## [1] 1.598596

mean(conjunto$Vecinos)

## [1] 1.598596

## [1] 1.598596

mean(conjunto$Diametro)

## [1] 15.794

sd(conjunto$Diametro)

## [1] 3.227017
```