

Script_1.R

Usuario

2020-02-05

```
library(repmis)
conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")

## Downloading data from: https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1
## SHA-1 hash of the downloaded data file is:
## 2bdde4663f51aa4198b04a248715d0d93498e7ba

# media -----

mean(conjunto$Altura)

## [1] 13.9432

# altura -----

H.media <-subset(conjunto,
                 conjunto$Altura <= 13.9432)

H.16 <- subset(conjunto,
               conjunto$Altura < 16.5)

# vecinos -----

vecinos_3 <-subset(conjunto,
                  conjunto$Vecinos <= 3)
vecinos_4 <-subset(conjunto,
                  conjunto$Vecinos < 4)

# diametro -----

mean(conjunto$Diametro)

## [1] 15.794

DBH_media <- subset(conjunto,
                    conjunto$Diametro < 15.794)
DBH_16 <- subset(conjunto,
                 conjunto$Diametro > 16)

# especie -----
```

```

cedro_rojo <- subset(conjunto,
                     conjunto$Especie == "C")
Diam_cedro <- subset(cedro_rojo,
                     cedro_rojo$Diametro <= 16.9)
Altura_cedro <- subset(cedro_rojo,
                      cedro_rojo$Altura > 18.5)

Tsuga_heterofilia <- subset(conjunto,
                             conjunto$Especie == "H")
diam_tsuga <- subset(Tsuga_heterofilia,
                     Tsuga_heterofilia$Diametro <= 16.9)
Altura_tsuga <- subset(Tsuga_heterofilia,
                      Tsuga_heterofilia$Altura > 18.5)

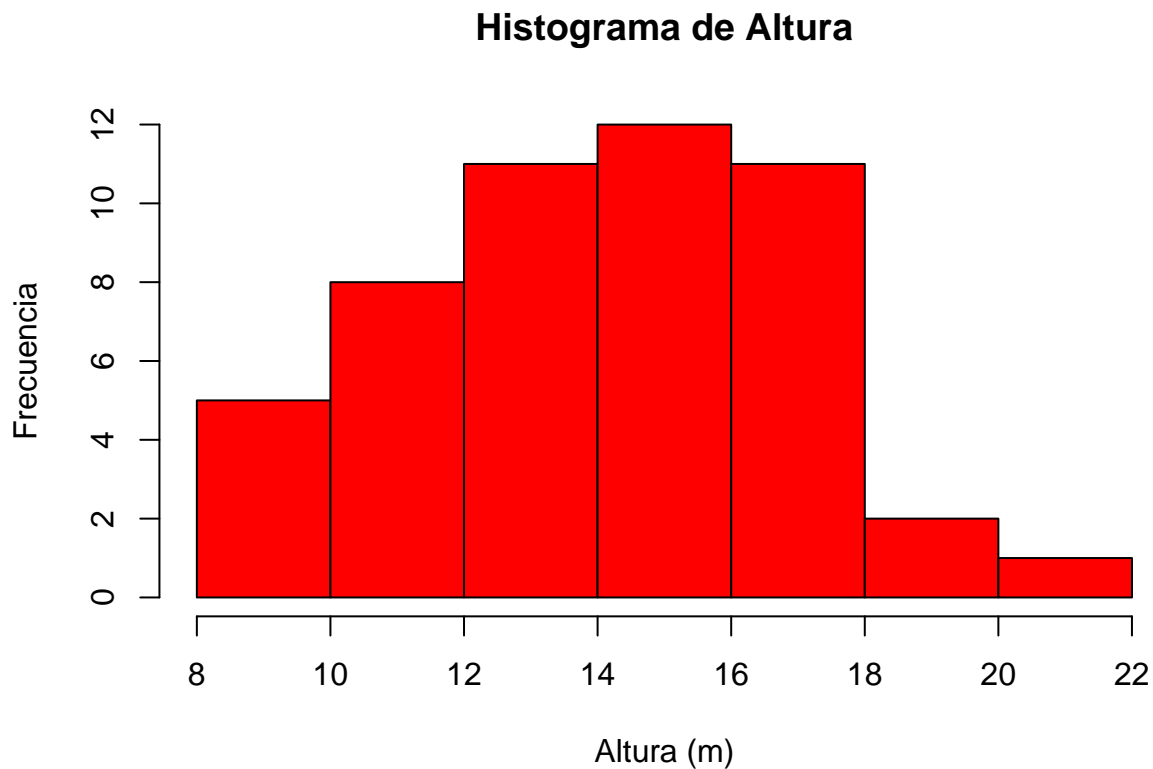
Douglasia_verde <- subset(conjunto, conjunto$Especie == "F")

diam_douglasia <- subset(Douglasia_verde, Douglasia_verde$Diametro <= 16.9)

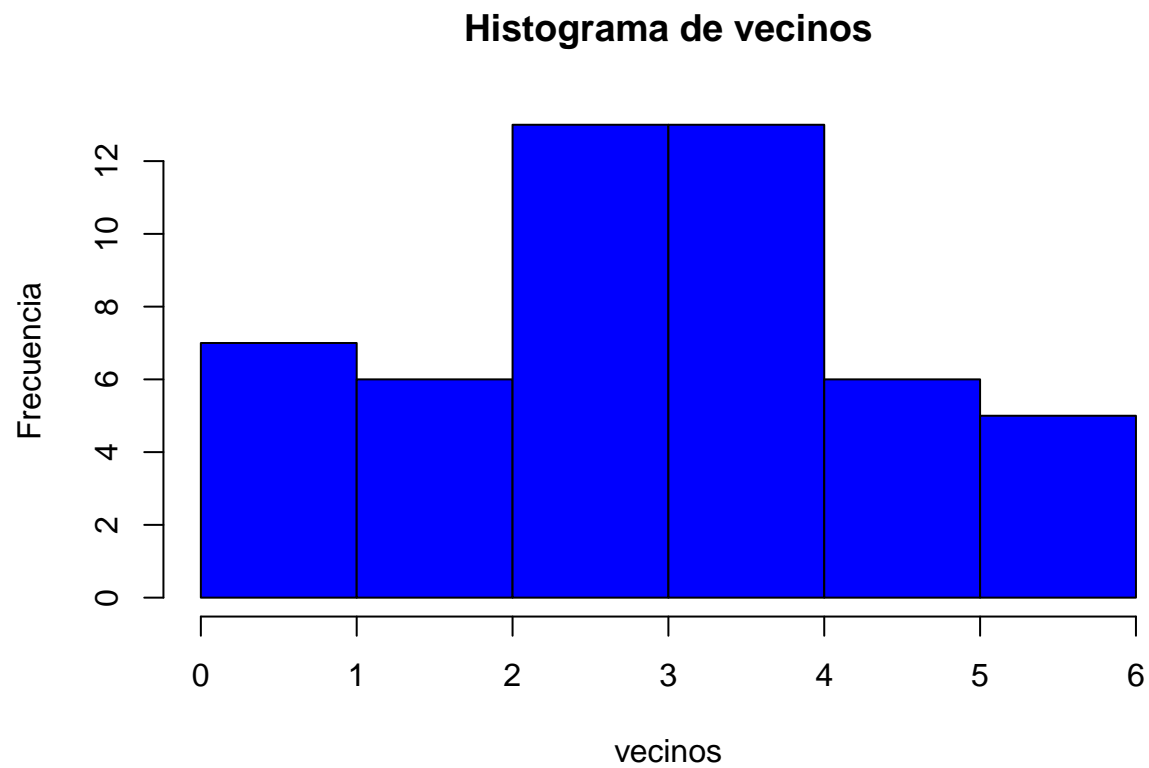
Altura_douglasia <- subset(Douglasia_verde, Douglasia_verde$Altura > 18.5)

# histograma -----
hist(conjunto$Altura, col= "red", xlab = "Altura (m)",
     ylab = "Frecuencia", main = "Histograma de Altura")

```

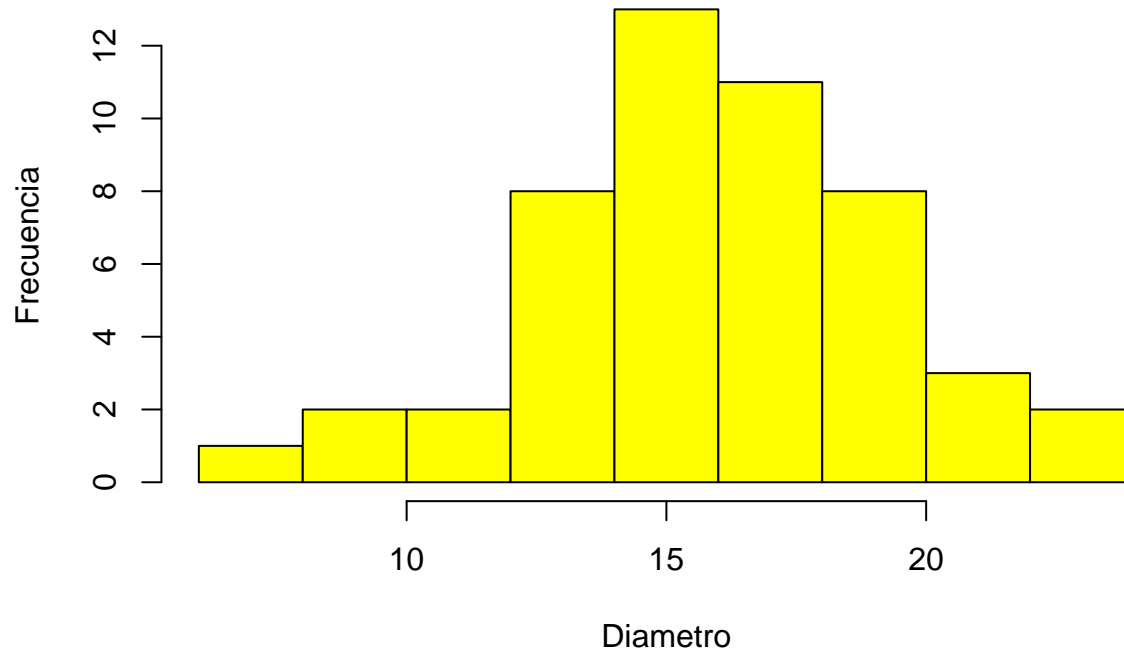


```
hist(conjunto$Vecinos, col= "blue", xlab = "vecinos",  
      ylab = "Frecuencia", main = "Histograma de vecinos")
```



```
hist(conjunto$Diametro, col= "yellow", xlab = "Diametro",  
      ylab = "Frecuencia", main = "Histograma de Diametro")
```

Histograma de Diametro



```
# basics -----  
  
mean(conjunto$Altura)  
  
## [1] 13.9432  
  
sd(conjunto$Altura)  
  
## [1] 2.907177  
  
mean(conjunto$Vecinos)  
  
## [1] 3.34  
  
sd(conjunto$Vecinos)  
  
## [1] 1.598596  
  
mean(conjunto$Diametro)  
  
## [1] 15.794  
  
sd(conjunto$Diametro)  
  
## [1] 3.227017
```