## Script\_tarea.R

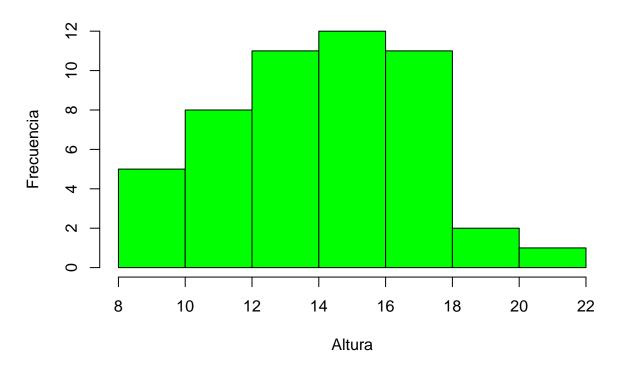
### Usuario

#### 2020-02-06

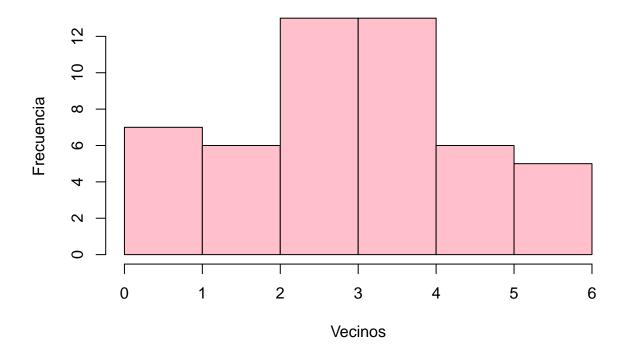
```
library(repmis)
conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")</pre>
## Downloading data from: https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1
## SHA-1 hash of the downloaded data file is:
## 2bdde4663f51aa4198b04a248715d0d93498e7ba
mean(conjunto$Altura)
## [1] 13.9432
mean(conjunto$Diametro)
## [1] 15.794
mean(conjunto$Vecinos)
## [1] 3.34
# Variable Altura ------
H.media <- subset(conjunto,</pre>
                 conjunto$Altura <= 13.9432)</pre>
H.16 <- subset(conjunto,
              conjunto$Altura < 16.5)</pre>
# Variable Vecinos -----
Vecinos.3 <- subset(conjunto,</pre>
                   conjunto$Vecinos <= 3)</pre>
Vecinos.4 <- subset(conjunto,</pre>
                   conjunto$Vecinos > 4)
# Variable diametro ------
DBH.media <- subset(conjunto,</pre>
                   conjunto$Diametro < 15.794)</pre>
DBH.16 <- subset(conjunto,</pre>
                conjunto$Diametro > 16)
# Variable Especie -----
```

```
Cedro.rojo <- subset(conjunto,</pre>
                     conjunto$Especie == "C" )
Diametro.crojo <-subset(Cedro.rojo,</pre>
                         Cedro.rojo$Diametro <= 16.9)</pre>
Altura.crojo <- subset(Cedro.rojo,
                        Cedro.rojo$Altura > 18.5)
Tsuga <- subset(conjunto,
                conjunto$Especie == "H")
Diametro.tsuga <- subset(Tsuga, Tsuga$Diametro <= 16.9)
Altura.tsuga <- subset(Tsuga, Tsuga$Altura > 18.5)
Douglasia <- subset(conjunto,</pre>
                    conjunto$Especie == "F")
HyF <- rbind(Tsuga, Douglasia)</pre>
ts.dou <- subset(conjunto, conjunto$Especie == "H" | conjunto$Especie == "F")
Diametro.dou <- subset(Douglasia, Douglasia$Diametro <= 16.9)</pre>
Altura.dou <- subset(Douglasia, Douglasia$Altura > 18.5)
# Histogramas -----
hist(conjunto$Altura, col = "green" , xlab ="Altura", ylab="Frecuencia" ,
 main="Histograma de altura")
```

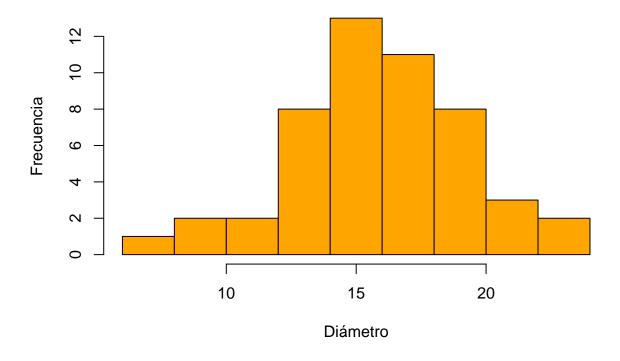
# Histograma de altura



# Histograma de vecinos

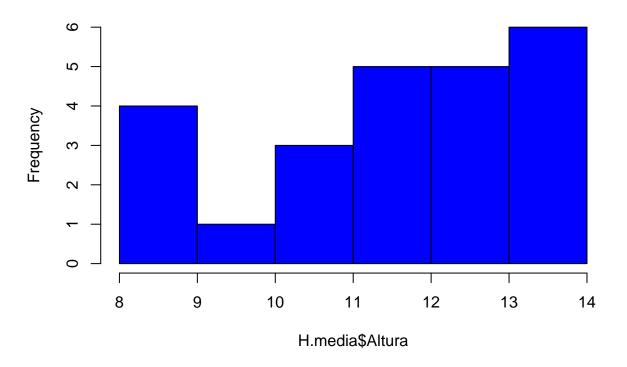


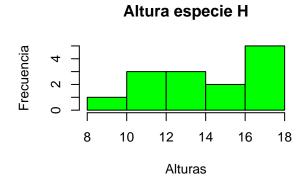
# Histograma de diámetro



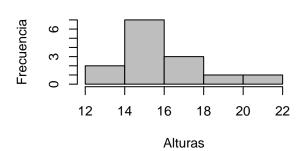
hist(H.media\$Altura, col="blue" , xlab=)

## Histogram of H.media\$Altura



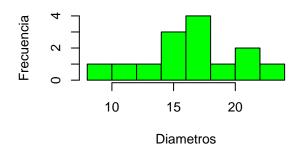


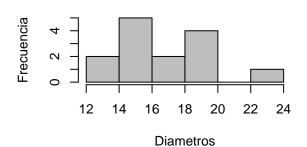
### Altura especie F



### Diametro especie H

### Diametro especie F





par(mfrow=c(1,1))

# Desviación estandar ---sd(conjunto\$Altura)

## [1] 2.907177
sd(conjunto\$Diametro)

## [1] 3.227017
sd(conjunto\$Vecinos)

## [1] 1.598596