

Script_tarea.R

Usuario

2020-02-05

```
library(repmis)
conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")

## Downloading data from: https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1
## SHA-1 hash of the downloaded data file is:
## 2bdde4663f51aa4198b04a248715d0d93498e7ba

# Medias -----

mean(conjunto$Altura)

## [1] 13.9432

mean(conjunto$Diametro)

## [1] 15.794

mean(conjunto$Vecinos)

## [1] 3.34

# Variable Altura -----

H.media <- subset(conjunto,
                  conjunto$Altura <= 13.9432)
H.16 <- subset(conjunto,
               conjunto$Altura < 16.5)

# Variable Vecinos -----

Vecinos.3 <- subset(conjunto,
                   conjunto$Vecinos <= 3)

Vecinos.4 <- subset(conjunto,
                   conjunto$Vecinos > 4)

# Variable diametro -----

DBH.media <- subset(conjunto,
                   conjunto$Diametro < 15.794)
DBH.16 <- subset(conjunto,
                 conjunto$Diametro > 16)

# Variable Especie -----
```

```

Cedro.rojo <- subset(conjunto,
                     conjunto$Especie == "C" )

Diametro.crojo <-subset(Cedro.rojo,
                       Cedro.rojo$Diametro <= 16.9)

Altura.crojo <- subset(Cedro.rojo,
                      Cedro.rojo$Altura > 18.5)

Tsuga <- subset(conjunto,
                conjunto$Especie == "H")

Diametro.tsuga <- subset(Tsuga, Tsuga$Diametro <= 16.9)

Altura.tsuga <- subset(Tsuga, Tsuga$Altura > 18.5)

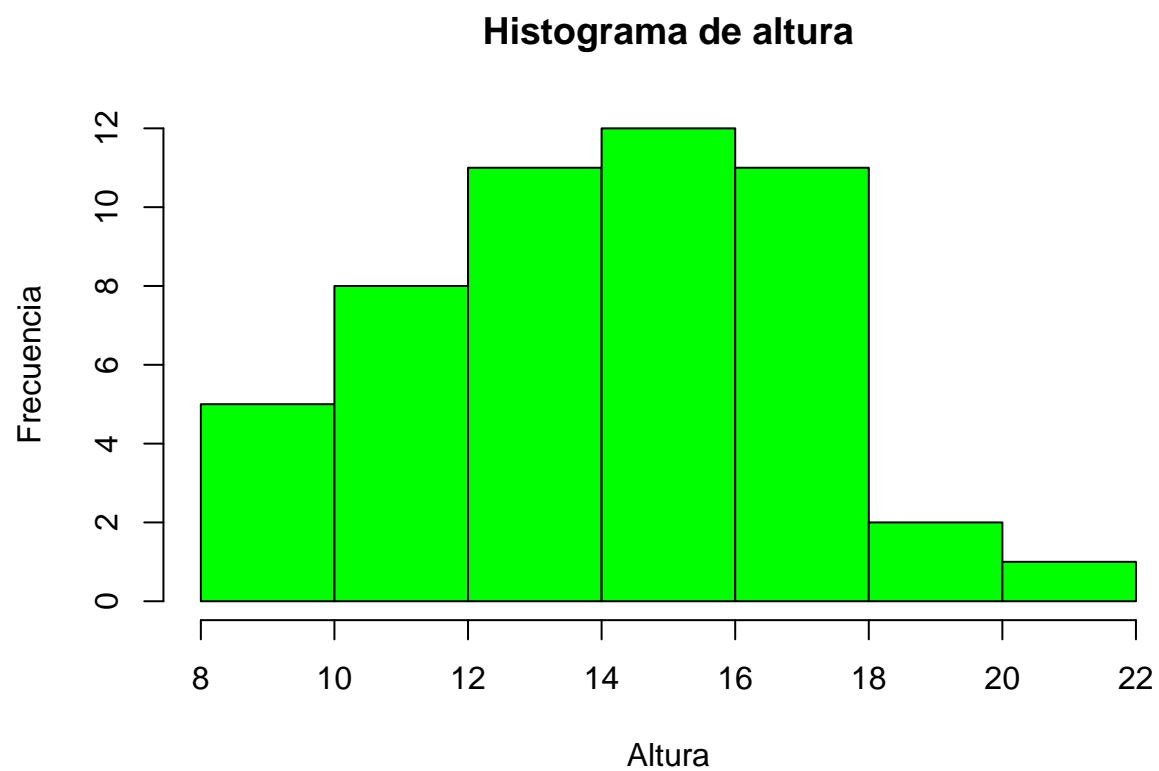
Douglasia <- subset(conjunto,
                    conjunto$Especie == "F")

Diametro.dou <- subset(Douglasia, Douglasia$Diametro <= 16.9)

Altura.dou <- subset(Douglasia, Douglasia$Altura > 18.5)

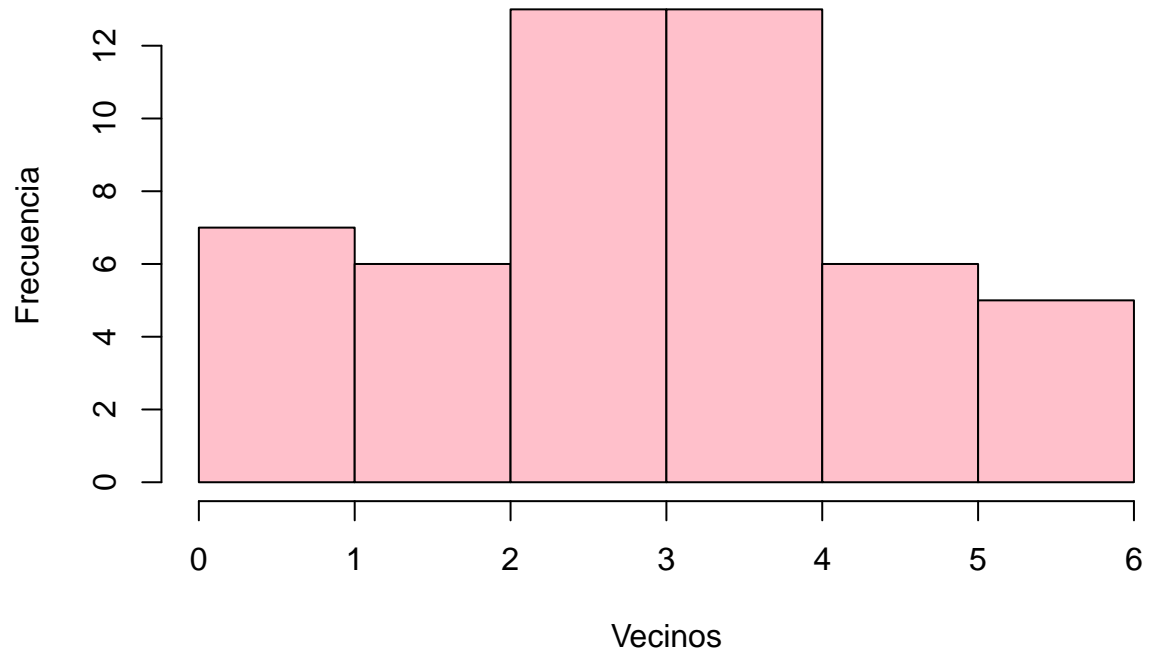
# Histogramas -----
hist(conjunto$Altura, col = "green" , xlab ="Altura", ylab="Frecuencia" ,
     main="Histograma de altura")

```



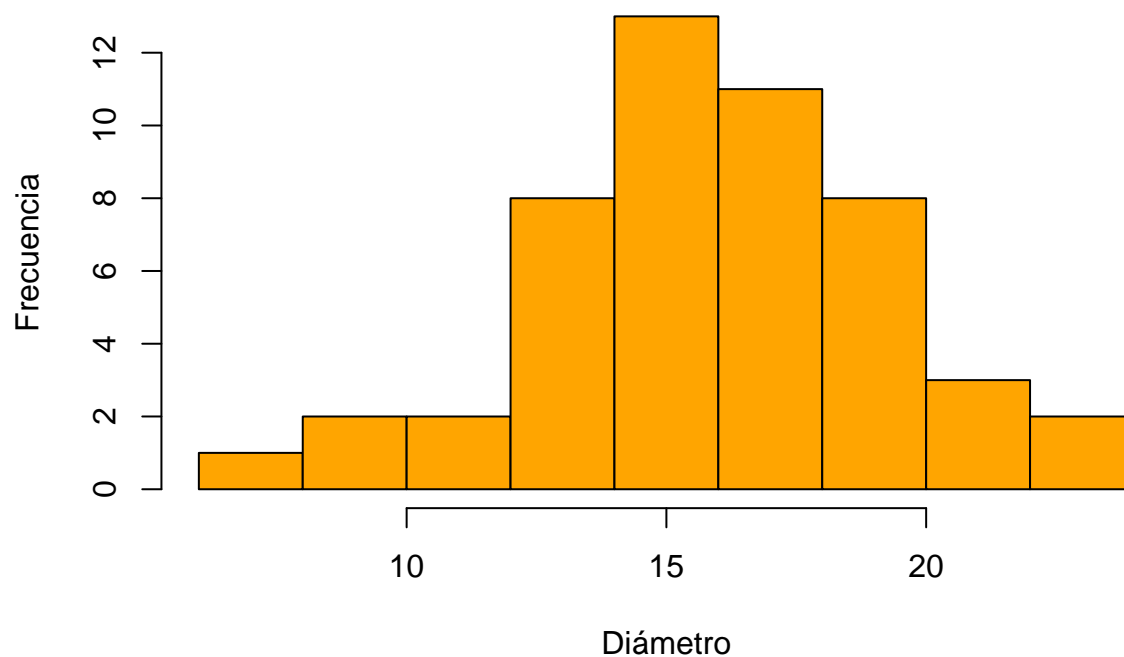
```
hist(conjunto$Vecinos, col="pink" , xlab ="Vecinos" , ylab="Frecuencia" ,  
      main="Histograma de vecinos")
```

Histograma de vecinos



```
hist(conjunto$Diámetro, col="orange" , xlab = "Diámetro", ylab="Frecuencia" ,  
      main="Histograma de diámetro")
```

Histograma de diámetro



```
# Desviación estandar -----
```

```
sd(conjunto$Altura)
```

```
## [1] 2.907177
```

```
sd(conjunto$Diametro)
```

```
## [1] 3.227017
```

```
sd(conjunto$Vecinos)
```

```
## [1] 1.598596
```