

Tarea-_01.R

Usuario

2020-02-06

```
library(repmis)
conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")

## Downloading data from: https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1
## SHA-1 hash of the downloaded data file is:
## 2bdde4663f51aa4198b04a248715d0d93498e7ba

mean(conjunto$Altura)

## [1] 13.9432

H.media <- subset(conjunto, conjunto$Altura <= mean(conjunto$Altura))
H.16 <- subset(conjunto, conjunto$Altura < 16.5)

vecinos.3 <- subset(conjunto, conjunto$Vecinos <= 3)
Vecino.4 <- subset(conjunto, conjunto$Vecinos > 4)

DBH.media <- subset(conjunto, conjunto$Diametro < mean(conjunto$Diametro))
DBH.16 <- subset(conjunto, conjunto$Diametro > 16)

# Especie -----

cedro_rojo <- subset(conjunto, conjunto$Especie == "C")
Tsuga_heterofila <- subset(conjunto, conjunto$Especie == "H")
Douglasia_verde <- subset(conjunto, conjunto$Especie == "F")

HyF <- rbind(Tsuga_heterofila, Douglasia_verde)

# Cuantas observaciones son menores o iguales a 16.9 cm de diametro

sum(conjunto$Diametro <= 16.9 )

## [1] 31

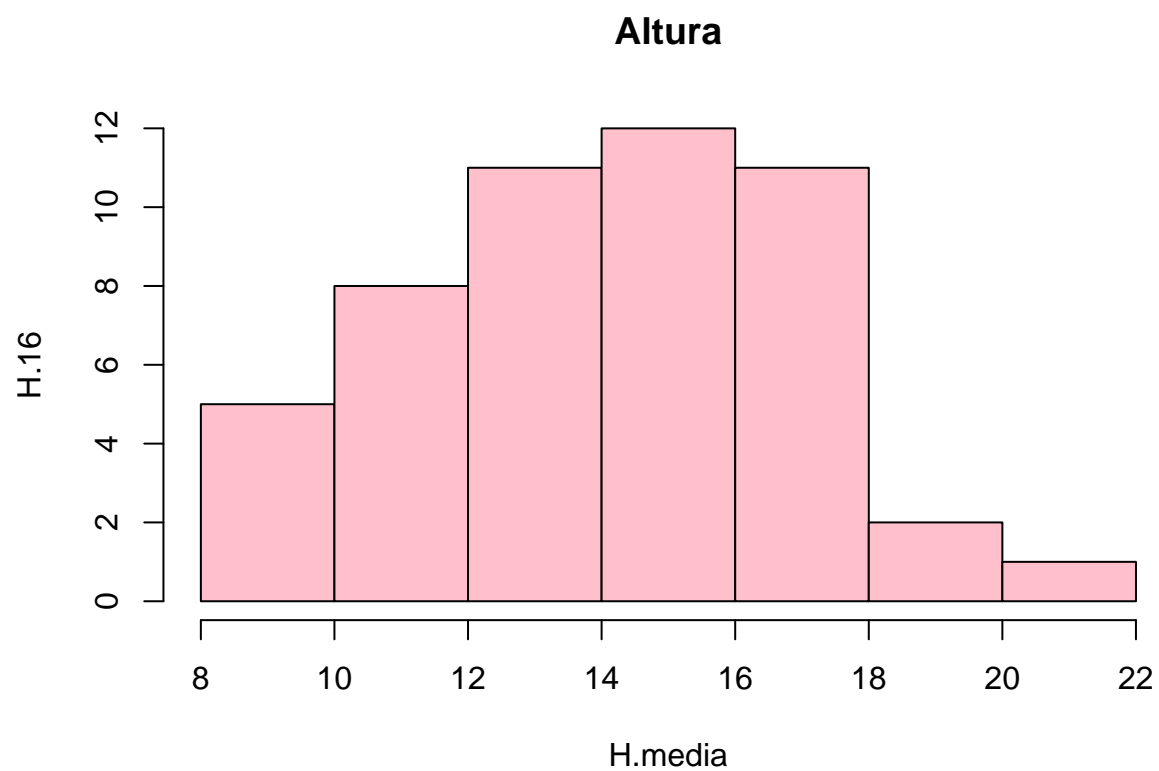
# Cuantas observaciones son mayores a 18.5 m de altura

sum(conjunto$Altura > 18.5)

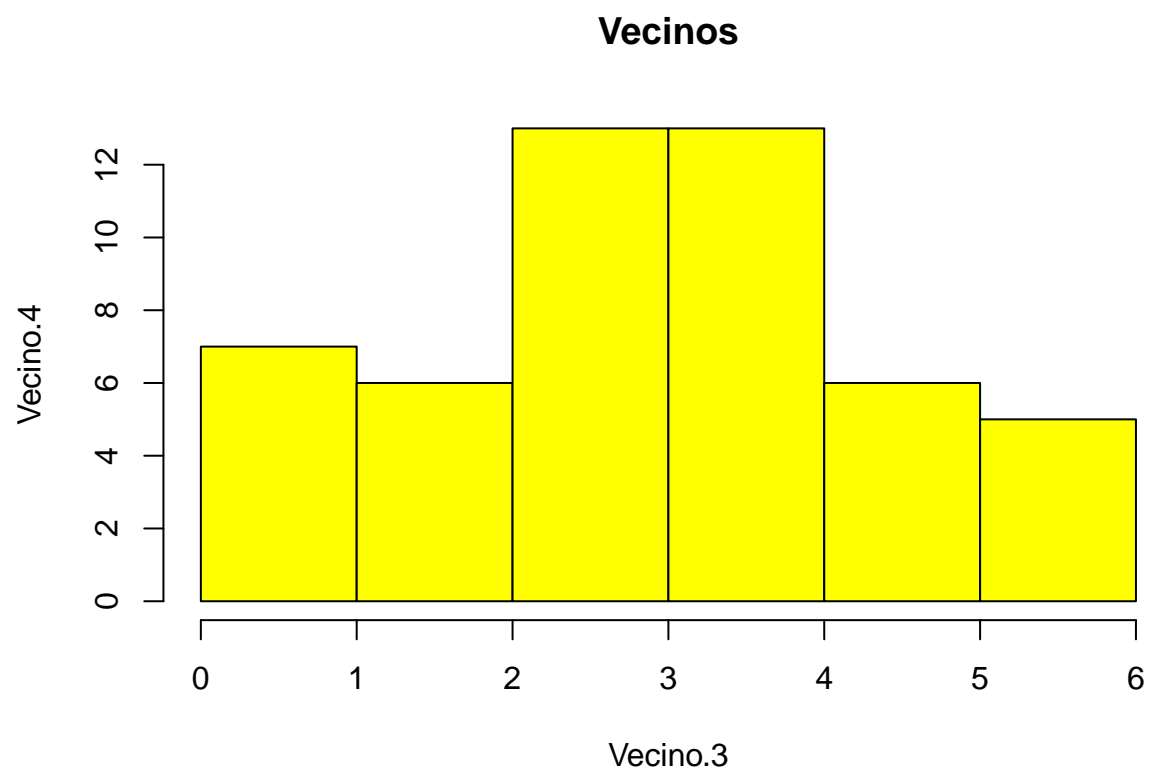
## [1] 2

# Histogramas -----

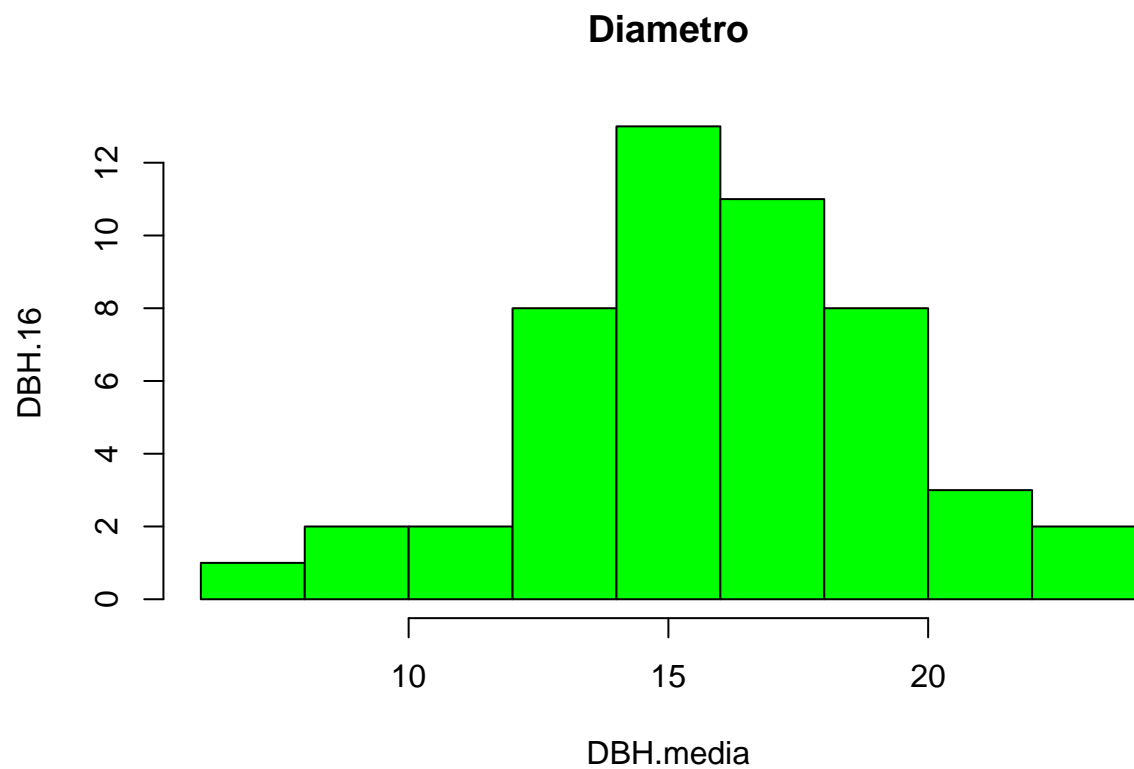
hist(conjunto$Altura, col = "pink", xlab = "H.media", ylab = "H.16", main = "Altura")
```



```
hist(conjunto$Vecinos, col = "yellow", xlab = "Vecino.3", ylab = "Vecino.4", main = "Vecinos")
```



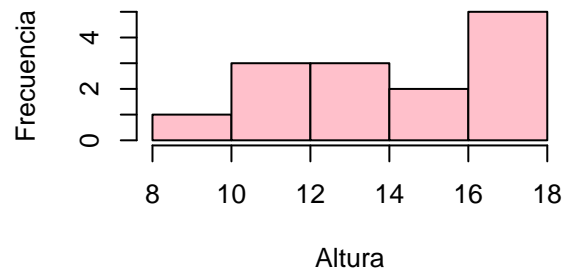
```
hist(conjunto$Diametro, col = "green", xlab = "DBH.media", ylab = "DBH.16", main = "Diametro")
```



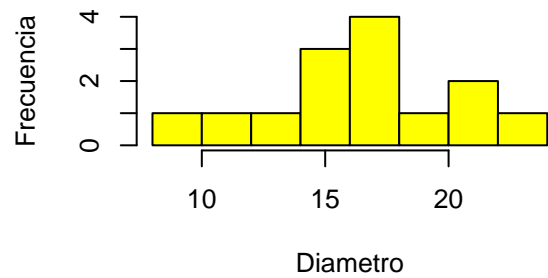
3 gráficas -----

```
par(mfrow=c(2,2))
hist(Tsuga_heterofila$Altura, main = "Altura especie H", col = "pink", xlab = "Altura", ylab = "Frecuen
hist(Tsuga_heterofila$Diametro, main = "Diametro especie H", col = "Yellow", xlab = "Diametro", ylab = "
hist(Douglasia_verde$Altura, main = "Altura especie F", col = "green", xlab = "Altura", ylab = "Frecuen
hist(Douglasia_verde$Diametro, main = "Diametro especie F", col = "orange", xlab = "Diametro", ylab = "I
```

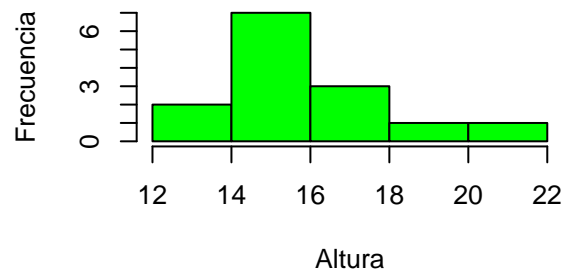
Altura especie H



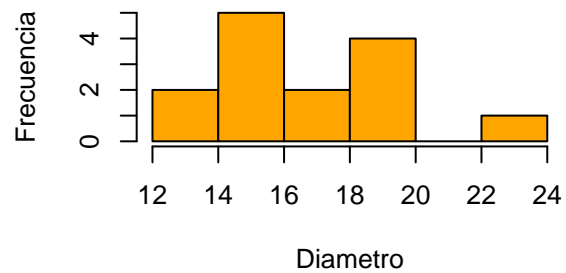
Diametro especie H



Altura especie F



Diametro especie F



```
par(mfrow=c(1,1))
```

```
mean(conjunto$Altura)
```

```
## [1] 13.9432
```

```
sd(conjunto$Altura)
```

```
## [1] 2.907177
```

```
mean(conjunto$Vecinos)
```

```
## [1] 3.34
```

```
sd(conjunto$Vecinos)
```

```
## [1] 1.598596
```

```
mean(conjunto$Diametro)
```

```
## [1] 15.794
```

```
sd(conjunto$Diametro)
```

```
## [1] 3.227017
```