

第3章

列表

[3-1] 考查列表结构的查找操作。

- a) 试针对教材 72 页代码 3.5 中的 `List::find()` ,以及 78 页代码 3.17 中的 `List::search()` ,就其在最好、最坏和平均情况下的效率做一分析对比 ;

【解答】

二者的效率完全一致: 在最好情况下, 均只需 $O(1)$ 时间; 在最坏情况下, 均需要 $O(n)$ 时间; 平均而言, 二者均需 $O(n)$ 时间。

- b) 有序性对于列表查找操作效率的提高有多大作用 ?

【解答】

由上可见, 即便附加了有序性的条件, 列表的查找效率也不能有实质的提高。究其原因在于, 列表结构是通过位置来访问其中的元素——即“循位置访问”(call-by-position), 这与向量的“循秩访问”(call-by-rank)迥然不同。

[3-2] 考查如教材 73 页代码 3.7 和 74 页代码 3.8 所示的列表节点插入算法 `ListNode::insertAsPred()` 和 `ListNode::insertAsSucc()`。

- a) 在什么情况下, 新插入的节点既是首节点也是末节点 ?

【解答】

若将某元素插入当时为空的列表, 则插入之后列表仅含单个节点(列表规模为1), 该节点将同时扮演首节点和末节点的角色。

- b) 此时, 这两种算法是否依然适用? 为什么? 试通过实验验证你的结论。

【解答】

教材所给的算法实现, 在以上特殊情况下依然可行, 能够顺利地插入操作。

之所以能够如此, 是得益于这里在内部统一设置的哨兵节点(sentinel node)。如此插入的新节点, 在列表内部居于头节点和尾节点之间。

[3-3] 考查如教材 75 页代码 3.11 所示的 `List::remove()` 算法。

- 当待删除的节点既是首节点也是末节点(即列表仅含单个节点)时, 该算法是否依然适用? 为什么?

【解答】

教材所给的算法实现, 在以上特殊情况下依然可行, 能够顺利地删除操作。

之所以能够如此, 也是得益于内部的哨兵节点。当最后一个节点被删除之后, 头节点和尾节点在列表内部彼此相邻, 互为前驱和后继。

[3-4] 考查如教材 76 页代码 3.14 所示的 `List::deduplicate()` 算法。

a) 给出其中循环体所具有的不变性，并通过数学归纳予以证明；

【解答】

这里的不变性是：在迭代过程中的任意时刻，当前节点 `p` 的所有前驱互不相同。

算法启动之初，`p` 没有前驱，以上命题自然成立。

以下假定在当前迭代之后，不变性依然成立，考查随后的下一步迭代。

在此步迭代过程中，首先转至下一节点 `p`，并通过 `find()` 接口，在其前驱中查找与之雷同者。既然此前不变性是满足的，则与 `p` 雷同的元素至多仅有一个。这个雷同元素 `q` 若果真存在，则必然会被找到，并随即通过 `remove(q)` 接口被剔除。于是无论如何，以上不变性必然再次成立。

因此根据数学归纳原理，这一不变性将始终保持，直至算法结束。那时，`p` 即是列表的尾哨兵元素，其余元素均为它的前驱，由不变性可知它们必然互异。由此可见，该算法是正确的。

b) 试举例说明，该算法在最好情况下仅需 $O(n)$ 时间；

【解答】

当所有元素均彼此雷同时，即属于该算法的最好情况。此时，`deduplicate()` 算法依然需要执行 $O(n)$ 步迭代，但可以证明每一步只需 $O(1)$ 时间。

实际上，根据以上所指出的不变性，当前节点 `p` 始终只有 1 个前驱（并且与之雷同）。因此，每步迭代中的 `find()` 操作仅需常数时间。

由此也可顺便得出最坏情况——所有元素彼此互异。在此种情况下，当前节点 `p` 的前驱数目（亦即各次 `find()` 操作所对应的时间）将随着迭代的推进线性地递增，平均为 $O(n)$ ，算法总体的时间复杂度为 $O(n^2)$ 。

c) 试改进该算法，使其时间复杂度降至 $O(n \log n)$ ；

【解答】

最简明的一种改进方法是：首先调用 `sort()` 接口，借助高效的算法在 $O(n \log n)$ 时间内将其转换为有序列表；进而调用 `uniquify()` 接口，在 $O(n)$ 时间内剔除所有雷同元素。

d) $O(n \log n)$ 的效率是否还有改进的余地？为什么？

【解答】

就最坏情况下复杂度的意义而言，以上方法已属最优。

为证明这一结论，只需构造一个从元素唯一性（Element Uniqueness）问题，到列表排序问题的线性归约。请读者仿照此前第2章习题[2-12]，自行给出具体的构造方法。

[3-5] 试基于列表的遍历接口 `traverse()` 实现以下操作（假定数据对象类型支持算术运算）：

a) `increase()`：所有元素数值加一；

【解答】

一种可行的实现方式，如代码 x3.1 所示。



```

1 template <typename T> struct Increase //函数对象：递增一个T类对象
2 { virtual void operator() ( T& e ) { e++; } }; //假设T可直接递增或已重载++
3
4 template <typename T> void increase ( List<T> & L ) //统一递增列表中的各元素
5 { L.traverse ( Increase<T>() ); } //以Increase<T>()为基本操作进行遍历

```

代码x3.1 基于遍历实现列表的increase()功能

与教材代码2.16中向量increase()接口的实现方式同理，这里也是将同一名为Increase()的函数对象作为基本操作，并通过遍历接口对列表的所有元素逐一处理。

b) half()：所有元素数值减半。

【解答】

一种可行的实现方式，如代码x3.2所示。



```

1 template <typename T> struct Half //函数对象：减半一个T类对象
2 { virtual void operator() ( T& e ) { e /= 2; } }; //假设T可直接减半
3
4 template <typename T> void half ( List<T> & L ) //统一减半列表中的各元素
5 { L.traverse ( Half<T>() ); } //以Half<T>()为基本操作进行遍历

```

代码x3.2 基于遍历实现列表的half()功能

与以上Increase的实现方式相仿，这里的关键依然在于定义一个名为Half的函数对象。

[3-6] 对数据结构的操作，往往都集中于数据元素的一个较小子集。因此对列表而言，若能将每次被访问的节点及时转移至查找长度更短的前端，则整体效率必将大为提高。这种能够自适应调整的列表，即所谓的自调整列表 (self-adjusting list)。

试通过改造本章的 List 模板类，实现自适应列表结构。

【解答】

读者可以按照以下操作准则，独立完成改进：

- 1) 新元素总是作为首节点被插入；
- 2) 已有的元素一旦接受访问，也随即将其转移至最前端（作为首元素）。

通常的应用环境都具有较强甚至极强的数据局部性 (data locality) ——在其生命期的某一区间内，对列表结构的访问往往集中甚至限定于某一特定的元素子集。引入以上策略之后，子集中元素所对应的节点，很快会“自适应地”集中至列表的前端。在此后相当长的一段时间内，其余的元素几乎可以忽略。于是，在此期间此类列表的访问效率，将主要取决于该子集（而非整个全集）的规模，因此上述改进的实际效果非常好（参见教材8.1.1节）。

[3-7] 自学 C++ STL 中 list 容器的使用方法，阅读对应的源代码。

【解答】

请读者独立完成阅读任务。

[3-8] 考查插入排序算法。

a) 仿照教材 80 页代码 3.19, 针对向量实现插入排序算法 `Vector::insertionSort()`;

【解答】

请读者独立完成算法的设计与实现任务。

b) 你实现的插入排序算法是稳定的吗? 为什么?

【解答】

请读者根据具体的实现方法, 给出分析及结论。

[3-9] 考查选择排序算法。

a) 仿照教材 81 页代码 3.20, 试针对向量结构实现选择排序算法 `Vector::selectionSort()`;

【解答】

一种可行的实现方式, 如代码x3.3所示。

```
1 template <typename T> //向量选择排序
2 void Vector<T>::selectionSort ( Rank lo, Rank hi ) { //assert: 0 < lo <= hi <= size
3     while ( lo < --hi )
4         swap ( _elem[max ( lo, hi ) ], _elem[hi] ); //将[hi]与[lo, hi]中的最大者交换
5 }
6
7 template <typename T>
8 Rank Vector<T>::max ( Rank lo, Rank hi ) { //在[lo, hi]内找出最大者
9     Rank mx = hi;
10    while ( lo < hi-- ) //逆向扫描
11        if ( _elem[hi] > _elem[mx] ) //且严格比较
12            mx = hi; //故能在mx有多个时保证后者优先, 进而保证selectionSort稳定
13    return mx;
14 }
```

代码x3.3 向量的选择排序算法

b) 你实现的选择排序算法是稳定的吗? 为什么?

【解答】

是稳定的。

这里在未排序子向量中查找最大元素时, 总是自后向前地逆向扫描; 相应地, 唯有遇到严格更大的元素时, 才更新最大元素的记录。如此, 即便最大元素有重复的多个, 每次都必定会选中其中最靠后者 (并进而将其转移至已排序子向量)。于是, 每一组重复的元素, 都将按照其在原向量中的相对位置依次转移, 从而最终保持它们之间的相对位置。



[3-10] 假定序列中 n 个元素的数值为独立均匀地随机分布，试证明：

a) 列表的插入排序算法平均需做约 $n^2/4 = O(n^2)$ 次元素比较操作；

【解答】

首先，平均意义下的比较操作次数，也就是概率意义下比较操作的期望次数。

该算法共需执行 $O(n)$ 步迭代，故根据期望值的线性律（linearity of expectation），比较操作总次数的期望值，应该等于各步迭代中比较操作次数的期望值之和。

该算法中的比较操作，主要消耗于对有序子列表的 `search()` 查找过程。

由 3.4.2 节的分析结论，`search()` 接口具有线性的平均复杂度。这就意味着，各步迭代内的 `search()` 过程所涉及的比较操作次数，应从 0 到 $n - 1$ 按算术级数线性递增，故其总和应为：

$$\sum_{k=0}^{n-1} (k/2) = n \cdot (n - 1) / 4 = O(n^2)$$

b) 向量的插入排序算法平均需做约 $n^2/4 = O(n^2)$ 次元素移动操作；

【解答】

与列表不同，向量的插入排序中 `search()` 查找接口可以采用二分查找之类的算法，从而使其复杂度从线性降低至 $O(\log n)$ 。

然而另一方面，在确定适当位置之后为将新元素插入已排序的子序列，尽管列表只需 $O(1)$ 时间，但向量在最坏情况下我们不得移动 $O(n)$ 个节点，而且平均而言亦是如此。故与 a) 同理，总体而言，平均共需执行 $O(n^2)$ 次元素移动操作。

由这个例子，可清楚地看出两种数据访问方式各自的长处：循序访问的方式更适宜于静态的查找操作，但在频繁动态修改的场合却显得效率低下；循位置访问的方式更适宜于动态修改，却不能高效地支持静态查找。

向量结构与列表结构所呈现的这种对称性，既非常有趣，更耐人寻味。

c) 序列的插入排序算法过程中平均有 $\text{expected-}O(\log n)$ 个元素无需移动。

【解答】

同样地，既然该算法由多步迭代构成，故其间无需移动的元素期望数目，就应该等于各步迭代中，待插入元素无需移动的概率总和。

根据该算法的原理，对于任意 $k \in [0, n)$ ，在第 k 步迭代启动之初，当前元素 $A[k]$ 的 k 个前驱应该业已构成一个有序的子序列 $A[0, k)$ 。不难看出，若 $A[k]$ 无需移动即使得 $A[0, k]$ 仍为有序子序列，则其充要条件是， $A[k]$ 在 $A[0, k]$ 中为最大元素。

既然假定所有元素都符合独立且均匀的随机分布，故作为前 $k + 1$ 个输入元素中的普通一员， $A[k]$ 在其中为最大元素的概率应与其它元素均等，都是 $1/(k + 1)$ 。于是，这一概率的总和即为：

$$\sum_{k=0}^{n-1} 1/(k + 1) = \sum_{k=1}^n 1/k = \Theta(\log n)$$

[3-11] 序列中元素 $A[i]$ 和 $A[j]$ 若满足 $i < j$ 且 $A[i] > A[j]$ ，则称之为一个逆序对 (inversion)。

考查如教材 80 页代码 3.19 所示的插入排序算法 `List::insertionSort()`，试证明：

a) 若所有逆序对的间距均不超过 k ，则运行时间为 $O(kn)$ ；

【解答】

算法进入到 $A[j]$ 所对应的那步迭代时，该元素（在输入序列中）的所有前驱应该业已构成一个有序子序列 $A[0, j)$ 。既然其中至多只有 k 个元素与 $A[j]$ 构成逆序对，故查找过程 `search()` 至多扫描其中的 k 个元素，即可确定适当的插入位置，对应的时间不超过 $O(k)$ 。

实际上，每一步迭代均具有如上性质，故累计运行时间不超过 $O(kn)$ 。

在教材 12.3 节对希尔排序高效性的论证中，这一结论将至关重要。

b) 特别地，当 k 为常数时，插入排序可在线性时间内完成；

【解答】

这也就是 a) 中结论的一个自然推论。

c) 若共有 I 个逆序对，则关键码比较的次数不超过 $O(I)$ ；

【解答】

这里定义的每一逆序对，均涉及两个元素。为便于分析，这里约定将其计入后者的“账”上。因此，所有元素的逆序前驱的数目总和，应恰好等于 I 。

将 a) 中的分析方法作一般化推广，即不难看出：每个元素所涉及比较操作的次数，应恰好等于其逆序前驱的数目；整个算法过程中所执行的比较操作的总数，应恰好等于所有元素的逆序前驱的数目总和，亦即 I 。

d) 若共有 I 个逆序对，则运行时间为 $O(n + I)$ 。

【解答】

由以上分析，算法过程中消耗于比较操作的时间可由 $O(I)$ 界定，而消耗于移动操作的时间可由 $O(n)$ 界定，二者累计即为 $O(n + I)$ 。

既然此处实际的运行时间更多地取决于逆序对的数目，而不仅仅是输入序列的长度，故插入排序亦属于所谓输入敏感的 (input sensitive) 算法。

实际上更为精确地，每步迭代中的查找都是以失败告终——或者找到不大于当前元素者，或者抵达 $A[-1]$ 越界。若将这两类操作也归入比较操作的范畴，则还有一个 $O(n)$ 项。好在就渐进意义而言，这一因素可以忽略。

[3-12] 如教材 80 页代码 3.19 所示，考查插入排序算法 `List::insertionSort()`。

a) 若输入列表为 $\{ 61, 60, 59, \dots, 5, 4, 3, 2, 0, 1, 2 \}$ ，则共需要做多少次关键码比较？

【解答】

这里的关键在于，如何统计出查找过程 `search()`（教材 78 页代码 3.17）在该算法各步迭代中所执行的比较操作次数。

具体如表x3.1所示，列表结构中的头、尾哨兵，分别等效于元素 $-\infty$ 和 $+\infty$ ；已排序的子序列，用阴影表示；在当前迭代步经查找并归入排序子序列的元素，用方框注明。

就此例而言，共计63个元素，故对应于63步迭代，依次从0至62编号，各对应于一行。

表x3.1 列表{ 61, 60, 59, ..., 5, 4, 3, 2, 0, 1, 2 }的插入排序过程

迭代 编号	列表元素														比较 次数
0	$-\infty$	61	60	59	58	...	5	4	3	2	0	1	2	$+\infty$	1
1	$-\infty$	60	61	59	58	...	5	4	3	2	0	1	2	$+\infty$	2
2	$-\infty$	59	60	61	58	...	5	4	3	2	0	1	2	$+\infty$	3
3	$-\infty$	58	59	60	61	...	5	4	3	2	0	1	2	$+\infty$	4
...	$-\infty$							$+\infty$...
56	$-\infty$	5	6	7	8	...	61	4	3	2	0	1	2	$+\infty$	57
57	$-\infty$	4	5	6	7	...	60	61	3	2	0	1	2	$+\infty$	58
58	$-\infty$	3	4	5	6	...	59	60	61	2	0	1	2	$+\infty$	59
59	$-\infty$	2	3	4	5	...	58	59	60	61	0	1	2	$+\infty$	60
60	$-\infty$	0	2	3	4	...	57	58	59	60	61	1	2	$+\infty$	61
61	$-\infty$	0	1	2	3	...	56	57	58	59	60	61	2	$+\infty$	61
62	$-\infty$	0	1	2	2	...	55	56	57	58	59	60	61	$+\infty$	60

由该表可以看出，第0步迭代经过一次（当前元素61与头哨兵 $-\infty$ 的）比较，即可确定其适当的插入位置——当然，此步的插入操作其实可以省略，但为简化控制逻辑，算法中不妨统一处理。实际上，从第0步至第60步迭代所插入的元素，在当时都是最小的，故每一查找过程search()都会终止于头哨兵 $-\infty$ ，而新元素都会被转移至最前端作为首元素。由此可见，这些迭代步所对应的比较次数，应从1至61逐步递增。

最后两步迭代原理一样，但过程与结果略有区别。第61步迭代中的查找过程search()需做61次比较，最后终止于节点0。第62步迭代中的查找过程search()需做60次比较，最后终止于节点2。请特别留意，最后一步迭代对两个雷同元素2的处理方式——既然search()算法是稳定的，故后一元素2应被插入于前一元素2之后。

累计以上各步迭代，比较操作的总次数应为：

$$(1 + 2 + 3 + \dots + 60 + 61) + 61 + 60 = 2012$$

利用此前“插入排序算法复杂度主要取决于逆序对总数”的结论，也可得到同一结果。诚如前言，我们不难验证：以上各步迭代中所做比较操作的次数，恰好就是（在输入序列中）与当前元素构成逆序对的前驱总数。具体地，对于前61个元素：

{ 61, 60, 59, ..., 3, 2, 0 }

而言，逆序前驱数依次为：

{ 0, 1, 2, ..., 58, 59, 60 }

而对于最后两个元素：

{ 1, 2 }

而言，逆序前驱数分别为：

{ 60, 59 }

因此，原输入序列所含逆序对的总数应为：

$$I = (0 + 1 + 2 + \dots + 59 + 60) + 60 + 59 = 1949$$

再计入每个元素所对应的最后一次失败的比较，该算法累计执行的比较操作次数应为：

$$I + n = 1949 + 63 = 2012$$

可见，两种方法殊途同归。

b) 试通过实测验证你的结论。

【解答】

只需在查找过程search()中，在执行比较操作的同时计数，查找返回时打印所记次数即可。

[3-13] 教材 81 页代码 3.20 中的 List::selectionSort()算法，通过 selectMax()在前端子序列中定位最大元素 max 之后，将其对应的节点整体取出，再后移并归至后端子序列之首。

这一过程中的 remove()和 insertB ()接口涉及节点存储空间的动态释放 (delete) 与申请 (new)，二者虽均属于 $O(1)$ 复杂度的基本操作，但根据实验统计，此类操作实际所需的时间较之一般的基本操作多出两个数量级。

其实，教材 80 页的图 3.6 已暗示了一个更好的实现方式：只需令 max 与前端子序列的末元素互换数据项即可。

a) 试按照这一思路，在代码 3.20 的基础上完成改进；

【解答】

只需将第7行改为：

```
swap( tail->pred->data, max->data );
```

b) 通过实际测试统计验证，新的版本的确比代码 3.20 更加高效。

【解答】

请读者根据自己的改进方法，独立完成。

[3-14] 考查经过以上改进之后的 List::selectionSort()算法。通过 selectMax()在前缀子序列中定位的最大元素 max，有可能恰好就是 tail 的前驱——自然，此时“二者”的交换是多余的。针对这一“问题”，你或许会考虑做些“优化”，比如将第 7 行进一步改为：

```
if ( tail->pred != max ) swap( tail->pred->data, max->data );
```

a) 以序列{ 1980, 1981, 1982, ..., 2011, 2012; 0, 1, 2, ..., 1978, 1979 }为例, 这种情况共发生多少次?

【解答】

我们首先引入循环节 (cycle) 的概念。

考查序列 $A[0, n)$ 以及与之对应的排序序列 $S[0, n)$ 。若存在

$$0 \leq \{ k_0, k_1, k_2, \dots, k_{d-1} \} < n$$

使得对于任意 $0 \leq i < d$, 都有

$$A[k_i] = S[k_{(i+1) \bmod d}]$$

则称对于序列 $A[0, n)$ 而言, $\{ k_0, k_1, k_2, \dots, k_{d-1} \}$ 构成 $[0, n)$ 的一个循环节。

以本题所给的序列为例, 不难验证有:

$$A[1980] = 1947 = S[1947]$$

$$A[1947] = 1914 = S[1914]$$

$$A[1914] = 1881 = S[1881]$$

...

$$A[66] = 33 = S[33]$$

$$A[33] = 0 = S[0]$$

$$A[0] = 1980 = S[1980]$$

因此相对于该序列, 以下即为一个循环节:

$$\{ 1980, 1947, 1914, \dots, 66, 33, 0 \}$$

这是一个等差数列, 公差为33, 总计的项数 (即该循环节的长度) 为:

$$d = (1980 - 0) / 33 + 1 = 61$$

不难理解, 每个元素都应属于某个循环节 (长度可能为1), 但不可能同时属于两个循环节。这就意味着, 按照上述定义, 任何序列都可以唯一地分解为若干个彼此独立的循环节。

接下来, 我们重新审视选择排序算法`List::selectionSort()`的每一步迭代, 假设被选出的最大元为 $A[m]$ 。不难看出, 将 m 转移至`tail`之前的效果, 等同于该元素所属的循环节长度减一; 而其它元素所属循环节的长度不变。当然, 若该循环节的长度减至0, 则意味着该循环节消失。

特别地, 若题中所建议的“优化”能够生效, 则此时的 $A[m]$ 就是排序序列中的 $S[m]$; 这就意味着, $A[m]$ 必然自成一个 (长度为1的) 循环节。反之, 一旦 $A[m]$ 所属循环节的长度缩减至1, 则“优化”也必然生效。由此可见, 该“优化”措施恰好对每个循环节生效一次; 而在整个算法过程中生效的总次数, 应恰好等于输入序列所含循环节的数目。

现在, 我们再回到本题。根据上述分析结论, 我们只需统计出题中所给序列中的循环节总数。

实际上就这一序列而言, $[0, 2012]$ 范围内每一个公差为33的等差数列, 均构成一个循环节。而且, 因为有:

$$2013 = 33 \times 61$$

所以与上面所指出的那个循环节一样, 每个循环节的长度均为61, 共计33个循环节。

更精细地考查代码可以发现, 在处理到最后一个循环节的最后一个元素 (当时的 $A[0] = 0$)

时，该算法会直接退出而不会继续选取最大元并做移动，故上述“优化”生效的实际次数为：

$$33 - 1 = 32$$

b) 试证明，在各元素等概率独立分布的情况下，这种情况发生的概率仅为 $\ln n/n \rightarrow 0$ ——也就是说，就渐进意义而言，上述“优化”得不偿失。

【解答】

继续考查列表的选择排序算法后不难发现，在 $A[m]$ 所属循环节消失之前的瞬间， $A[m]$ 应为 $A[0, m]$ 中的最大元。鉴于此前的 $A[0, m]$ 一直符合独立且均匀的随机分布，故发生这一事件的概率应与区间 $[0, m]$ 的长度成反比。

进一步地，再次根据期望值的线性律（linearity of expectation），在 n 次循环中发生这种情况的期望次数，应等于各步迭代中发生这一事件的概率总和，亦即：

$$1/n + 1/(n-1) + 1/(n-2) + \dots + 1/3 + 1/2 + 1/1 = \Theta(\ln n)$$

[3-15] 在如教材 82 页代码 3.21 所示的 `List::selectMax()` 算法中，若将判断条件由

```
! lt( (cur = cur->succ)->data, max->data )
```

改为

```
lt( max->data, (cur = cur->succ)->data )
```

则如代码 3.20 所示的 `selectionSort()` 算法的输出有何变化？试举一例。

【解答】

教材所给的算法，是按从前（左）向后（右）的次序扫描各元素，再将选出来的当前最大元后移，并归入已排序的后缀子序列。就其语义而言，题中的两个逻辑表达式都旨在指示“当前的最大元记录需要更新”，故都能保证正确地挑选出最大元。然而在有多个雷同的最大元时，二者之间却又存在着细微而本质的差异。

按照前一逻辑表达式，在同时存在多个最大元时，算法总是会选出其中的最靠后（右）者。因此，原序列中雷同元素之间的相对次序，将在排序后的序列中得以延续。反之，若调整为后一逻辑表达式，则在同时存在多个最大元时，算法总是会选出其中的最靠前（左）者。如此，雷同元素在最终输出序列中的次序，将会完全颠倒。

比如，对于如下输入序列：

```
{ 5, 3a, 9, 3b, 3c, 2 }
```

若采用后一逻辑表达式，则对应的输出序列将是：

```
{ 2, 3c, 3b, 3a, 5, 9 }
```

而若采用前一逻辑表达式，则对应的输出序列将是：

```
{ 2, 3a, 3b, 3c, 5, 9 }
```

由上可见，就对雷同元素的处理方式而言，教材所给的算法实现更为精细和恰当，可以保证以 `selectMax()` 为基础的选择排序算法 `selectionSort()` 是稳定的。

[3-16] 考查如教材 83 页代码 3.23 所示的 `List::mergeSort()` 算法，试证明：

- a) 若为节省每次子列表的划分时间，而直接令 $m = \min(c, n/2)$ ，其中 c 为较小的常数（比如 5），则总体复杂度反而会上升至 $O(n^2)$ ；

【解答】

做如此调整之后，在切分出来的两个子列表中，必有其一的长度不超过 c ，而另一个的长度不小于 $n - c$ 。尽管如此可以在 $O(c)$ 时间内完成子任务的划分，但二路归并仍需 $O(n)$ 时间，因此其对应的递推方程应为：

$$T(n) = T(c) + T(n - c) + O(n)$$

解之可得：

$$T(n) = O(n^2)$$

- b) 特别地，当取 $c = 1$ 时，该算法等效地退化为插入排序。

【解答】

此时，参与二路归并的每一对子列表中，总有一个长度为 1。故就实际效果而言，原算法的二路递归将退化为单分支的线性递归，“归并”操作将等同于将单个元素插入至另一子列表中。因此，整个计算过程及效果均完全等同于插入排序。

[3-17] 考查基于 `List::merge()` 算法（教材 82 页代码 3.22）实现的 `List::mergeSort()` 算法（教材 83 页代码 3.23）。

该算法是稳定的吗？若是，请给出证明；否则，试举一实例。

【解答】

是稳定的。为证明这一点，只需证明雷同元素之间的相对次序在输出序列中依然保持。

不妨采用数学归纳法。假定在每一次二路归并过程中，上述命题对任何长度短于 L 的列表都成立。以下考查长度为 L 的列表。

考查 `List::merge()` 算法中两个子列表的当前节点 p （左）和 q （右）。根据这里的逻辑条件，只要 p 不大于 q ，都会将 p 取出并归入输出列表；即便 p 和 q 相等， p 也会先于 q 转入输出列表。也就是说，与 p 和 q 雷同的所有元素之间的相对次序将会得以延续。

[3-18] 试仿照教材 22 页代码 1.10 中向量的倒置算法，实现 `List::reverse()` 接口，将列表中元素的次序前后倒置。

【解答】

这里，由繁至简给出该算法的三种实现方式。

第一种实现方式如代码 x3.4 所示。

```
1 template <typename T> void List<T>::reverse() { //前后倒置
2     if ( _size < 2 ) return; //平凡情况
3     ListNodePosi(T) p; ListNodePosi(T) q;
```



```

4   for ( p = header, q = p->succ; p != trailer; p = q, q = p->succ )
5       p->pred = q; //自前向后,依次颠倒各节点的前驱指针
6   trailer->pred = NULL; //单独设置尾节点的前驱指针
7   for ( p = header, q = p->pred; p != trailer; p = q, q = p->pred )
8       q->succ = p; //自前向后,依次颠倒各节点的后继指针
9   header->succ = NULL; //单独设置头节点的后继指针
10  swap ( header, trailer ); //头、尾节点互换
11 }

```

代码x3.4 列表倒置算法的第一种实现

这里,借助两个指针逐一处理相邻的各对节点。首先通过一趟遍历,自前向后地依次颠倒各节点的前驱指针(使之指向当前的后继)。接下来再通过一趟遍历,自前向后地依次颠倒各节点的后继指针(使之指向此前的前驱)。当然,在两趟遍历之后,还需要单独地设置尾节点的前驱指针、头节点的后继指针。至此,所有节点的排列次序均已完全颠倒,故最后只需交换头、尾节点的指针,即可实现整体倒置的效果。

第二种实现方式如代码x3.5所示。

```

1 template <typename T> void List<T>::reverse() { //前后倒置
2     if ( _size < 2 ) return; //平凡情况
3     for ( ListNodePosi(T) p = header; p; p = p->pred ) //自前向后,依次
4         swap ( p->pred, p->succ ); //交换各节点的前驱、后继指针
5     swap ( header, trailer ); //头、尾节点互换
6 }

```

代码x3.5 列表倒置算法的第二种实现

这里仅需使用一个指针p。借助该指针,自前向后地对整个列表做一趟遍历,并令每个节点的前驱、后继指针互换。同样地,最后还需令头、尾节点的指针互换。

第三种实现方式如代码x3.6所示。

```

1 template <typename T> void List<T>::reverse() { //前后倒置
2     ListNodePosi(T) p = header; ListNodePosi(T) q = trailer; //头、尾节点
3     for ( int i = 1; i < _size; i += 2 ) // (从首、末节点开始)由外而内,捉对地
4         swap ( ( p = p->succ )->data, ( q = q->pred )->data ); //交换对称节点的数据项
5 }

```

代码x3.6 列表倒置算法的第三种实现

这一实现方式的思路与策略,与教材代码1.10中的倒置算法如出一辙。具体地,这里通过一轮迭代,从首、末节点开始由外而内,捉对地交换各对称节点的数据项。

指针p和q始终指向一对位置对称的节点。请注意,尽管其初值分别为头、尾哨兵节点,但进入迭代之后,它们所指向的都是对外可见的有效节点。



无论以上何种实现，计算过程无非都是一或两趟遍历迭代，每一步迭代都只涉及常数次基本操作，因此整体的时间复杂度均为 $O(n)$ 。另外，除了列表本身，这些实现方式均只需常数的辅助空间，故也都属于就地算法。

综合而言，最后一种实现方式的形式更为简明，但若基础数据类型T本身较为复杂，则节点data项的直接交换可能导致耗时的构造、析构运算。而前两种实现方式虽形式略嫌复杂，但因为仅涉及指针赋值，故在基础类型T较为复杂的场合将更为高效。

[3-19] Josephus 环游戏的规则如下：

一个刚出锅的山芋，在围成一圈的 n 个孩子间传递。大家一起数数，每数一次，当前拿着山芋的孩子就把山芋转交给紧邻其右的孩子。一旦数到事先约定的某个数 k ，拿着山芋的孩子即退出，并从该位置起重新数数。如此反复，最后剩下的那个孩子就是幸运者。

a) 试实现算法 `josephus(int n, int k)`，输出孩子们出列的次序，并确定最终的幸运者；

【解答】

在本章所实现列表结构的基础上做扩展，使之成为所谓的循环列表（Circular list）。也就是说，首节点的前驱取作末节点，末节点的后继取作首节点。于是，无论是通过前驱还是后继引用，都可以反复地遍历整个列表。

初始时，将 n 个孩子组织为一个循环列表。此后借助后继引用，不难找到下一出列的孩子；其出列的动作，及对应于删除与之对应的节点。如此不断反复。

b) 该算法的时间、空间复杂度各是多少？

【解答】

整个算法所需的空间主要消耗于循环列表，其最大规模不过 $O(n)$ 。因为这里无需使用前驱引用，故实际上空间消耗还可进一步减少，但渐进地依然是 $O(n)$ 。

算法的执行时间，主要消耗于对游戏过程的模拟。每个孩子出列之前，都需沿着后继引用前进 k 步，故累计需要 $O(n \cdot k)$ 时间。

当然，在 $n < k$ 时，可以通过取“ $k \% n$ ”，进一步加快模拟过程。如此，时间复杂度应为：

$$O(n \cdot \text{mod}(k, n)) = O(n^2)。$$