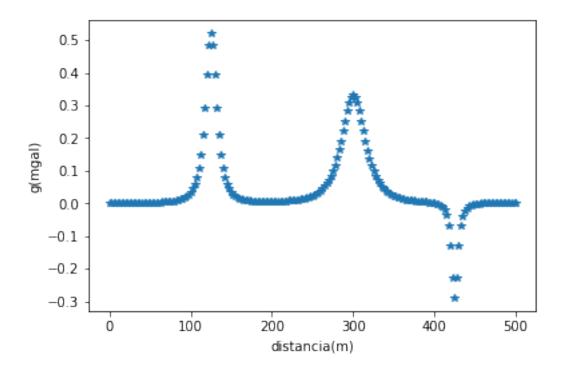
Implementacion

May 29, 2019

0.1 1. Código para obtener la anomalía sintética de los tres cilindros

```
In [7]: import numpy as np
        from matplotlib import pyplot as plt
        from mpl_toolkits import mplot3d
In [8]: #p =np.array([1500,10,11,125,1000,20,22.5,300,-1000,5,6,425])
        p =np.array([1000,20,22.5,300,-1000,5,6,425,1500,10,11,125])
        x=np.linspace(0,500,201)
        #p =np.array([1500,10,11,125])
        #p =np.array([1000,20,22.5,300])
        #p =np.array([-1000,5,6,425])
        gamma=6.6673e-5
        gcalc = np.zeros((201,))
        sintetica = np.zeros(len(x))
        for i in np.arange(len(x)):
            k=0
            for j in np.arange(3):
                sintetica[i] = sintetica[i] + 2*np.pi*gamma*np.power(p[1+k],2)*p[0+k]*p[2+k]/
                k=k+4
        plt.plot(x,sintetica,'*')
        #plt.plot(anomalia[0:100])
        plt.xlabel("distancia(m)")
        plt.ylabel("g(mgal)")
Out[8]: Text(0,0.5,'g(mgal)')
```



0.2 2. Aplicación de PSO a la anomalía sintética de los tres cilindros

A continuación se brinda un breve resumen de las variables y subrutinas en las que consiste el programa:

0.2.1 Variable tipo objeto "swarm"

Para hacer más fácil la implementación de PSO a nuestro problema, se generó una variable tipo objeto denominada "swarm", la cual almacena lo siguiente: entero:

```
n= tamaño de la poblacion
```

dim = numero de parametros a optimizar

modsize = tamaño del modelo (numero de datos de la anomalia)

reales:

minerr = error mínimo encontrado hasta ahora en todo el enjambre

matrices:

pob(n,dim) = posiciones de cada una de las partículas

bestpob(n,dim)=almacena la mejor posición de cada poblador hasta el momento

vel(n,dim)= almacena la velocidad actual de cada poblador en cada dirección posible

rango(n,2)= Almacena el rango de búsqueda de cada parámetro, rango(i,1)= Límite inferior

Rango(i,2)=limite superior

modcalc(n,modsize)=almacena la anomalía generada por cada poblador

vectores:

gbest(dim)=almacena el mejor modelo global

parterr(n)=almacena el error minimo que ha encontrado cada poblador hasta el momento

0.2.2 Subrutina pini_obj

Esta función inicializa todas las variables necesarias para ejecutar el algoritmo, genera un enjambre con las características definidas por el usuario (tamaño del enjambre y # de parámetros). Inicializa el vector de Velocidades el cual es necesario para poder mover las partículas. parametros de entrada:

n = numero de partículas que se desea tenga el enjambre n
range= vector en el que se indican los valores máximos y minimos de búsqueda para cada
parámetro, debe de ser de diemsnion (dim,2): dim=# de parámetros
range(i,1)=Valor minimo aceptable para el parametro i
range(i,2)=Valor minimo aceptable para el parametro i
sw= Variable tipo enjambre donde se almacenará toda la información de los modelos
parametros de salida:

n=numero de particulas

dim = parametros por particula

pob=arreglo que almacena la posición de cada poblador de dimensiones (n,dim)

bestpob = Arreglo que almacena la mejor posición para cada poblador, dimensiones (n,dim)

vel = Arreglo que almacena la velocidad en cada dimension para cada poblador, dimensiones (son rango = arreglo que almacena los límites superior en inferior para cada parámetro, dimensiones

```
gbest = Vector que almacena el mejor modelo (parámetros de los cilindros) global ,dimensiones

parterr = Arreglo que almacena el error minimo para cada partícula, dimensiones (n)

minerr = Valor que almacena el error actual del mejor modelo hasta el momento
```

0.2.3 Subrutina swarmerr

Se trata de una subrutina de calculo del error.

Esta función calcula el error de cada modelo y lo compara con el error global y local actualizando los modelos y valores de error en caso de ser necesario.

Parametros de entrada: sw tipo enjambre con modelos previamente calculados

func = Anomalía de la cual se busca encontrar los parámetros

Parametros de salida:

sw Con valores de modelos y error actualizados

0.2.4 Subrutina P_move_fobj

Es una función que realiza el movimiento de partículas.

Mueve cada partícula del enjambre según las ecuaciones propuestas por Eberheart para el PSO

```
 \begin{aligned} &v(i,d)=w*(v(i,d))+beta*(gb(d)-x(i,d))+alpha*(pbest(i,d)-x(i,d))\\ &x(i,d)=x(i,d)+v(i,d) \end{aligned}
```

Parametros de entrada:

sw tipo enjambre con valores ya inicializados

w = Peso inercial

alpha y beta = Parámetros de aprendizaje

Parametros de salida:

p_move(dim,n)= Posiciones nuevas para cada partícula en el espacio "dim"-dimensional

0.2.5 Input del programa

```
self.pob = pob
                self.bestpob = bestpob
                self.vel = vel
                self.rango = rango
                self.modcalc = modcalc
                \#self.Tfobj = Tfobj
                #self.modcalc = modcalc
                self.gbest = gbest
                self.parterr = parterr
                \#self.fobj = fobj
                #self.we = we
In [10]: def pini_obj(n,range_m):
             \#n = n pob
             #range_m=rango
             dim = range_m.shape[0]
             modsize = len(anomalia)
             minerr = 999999
             pob = np.random.random((n,dim))
             bestpob = np.zeros((n,dim))
             vel = np.zeros((n,dim))
             rango = range_m
             modcalc =np.zeros((n,modsize)) #modsize num datos de anomalia
             #Tfobj = Tfobj
             #Tmodcalc = Tmodcalc
             gbest = np.zeros((dim,))
             parterr = np.full((n,),np.inf)
             sw = swarm(n,dim,minerr,pob,bestpob,vel,rango,modcalc,gbest,parterr)
             sw.dim= dim
             sw.n=n
             sw.pob=pob
             sw.bestpob=bestpob
             sw.vel=vel
             sw.gbest=gbest
             sw.parterr = parterr
             sw.modcalc= modcalc
             sw.modsize=modsize
             #fobj = fobj
             #we = we
             np.random.random((n,dim))
             sw.rango = range_m
             for j in np.arange(dim):
                 dimr = sw.rango[j,1]-sw.rango[j,0]
```

```
for i in np.arange(n):
                     sw.pob[i,j] = sw.pob[i,j]*dimr + sw.rango[j,0]
             sw.bestpob = sw.pob
             sw.parterr = np.full((n,),np.inf)
             sw.minerr = np.inf
             print("se han generado n pobladores de dimensiones dim : ",n,dim)
             return sw
In [11]: def swarmerr(sw,func):
         #func=anomalia
             for i in np.arange(sw.n):
             #se quarda la anomalía calculada en una nueva variable
                 f2 = sw.modcalc[i,:] #modelo calculado
             #se calcula el error l2 entre el modelo i y la anomalía
                 errtemp = errn(func,f2,2)
             #se evalúa el error local y se actualiza la memoria de ser necesario
                 if(errtemp<sw.parterr[i]):</pre>
                     sw.parterr[i]=errtemp
                     sw.bestpob[i,:] = sw.pob[i,:]
             #se evalúa el error global y se actualiza la memoria de ser necesario
                 if(errtemp<sw.minerr):</pre>
                     sw.minerr = errtemp
                     sw.gbest=sw.pob[i,:]
In [12]: def errn(obs,calc,norm):
             #obs=anomalia
             #calc=sw.modcalc[i,:]
             \#norm=2
             n=len(obs)
             i = len(calc)
             if(n!=i):
                 print("tamanos distintos")
             else:
                 suma = 0.0
                 suma2 = 0.0
                 for i in np.arange(n):
                     suma = suma + np.abs(obs[i]-calc[i])**norm
                     suma2 = suma2 + obs[i]**norm
             errn = suma**(1.0/norm)/suma2
             return errn
In [13]: def P_move_fobj(sw,w,alpha,beta):
         #w=we
             n=sw.n
```

```
dim = sw.dim
randaux=np.random.random((n,dim,3))
for i in np.arange(n):
    for j in np.arange(dim):
        temp = sw.pob[i,j]
        sw.vel[i,j]= sw.vel[i,j]*w + alpha*randaux[i,j,0]*(sw.gbest[j]-sw.pob[i,j]
        sw.vel[i,j]= sw.vel[i,j] + beta*randaux[i,j,1]*(sw.bestpob[i,j]-sw.pob[i,j]
        sw.pob[i,j]=sw.pob[i,j]+ sw.vel[i,j]
        dimrange = sw.rango[j,1] - sw.rango[j,0]
        if(sw.pob[i,j] < sw.rango[j,0]) or (sw.pob[i,j]>sw.rango[j,1]):
        sw.pob[i,j] = temp
        sw.vel[i,j] = -sw.vel[i,j]
```

0.3 Programa principal:

```
In [14]: #PARAMETROS DEL PROGRAMA
         alpha = 1.5
         beta = 1.2
         we = 0.5
         gamma=6.6673e-5
         n_pob = 100
         itera = 1000
         prm = 10**(-20)
         tol= 0.001
         anomalia = sintetica
         n = len(anomalia)
         dobs=np.zeros((n,2))
         matdcalc=np.zeros((n,2))
         dobs[:,0] = x
         dobs[:,1] = anomalia
         #Límites para el dominio de búsqueda de densidad, radio y profundidad
         rango=np.array([[1400,1600],[0,20],[0,20],[100,200],[900,1100],
                 [10,30],[10,30],[220,320],[-1200,0],[0,10],[0,10],[300,500]]) #los rangos no
In [16]: sw=pini_obj(n_pob,rango)
         d_c = anomalia
         #aqui comienza el verdadero PSO
         minerr=1
         #archivo en el cual se escribira el error l2 obtenido en cada iteración:
         file=open("salida.dat","w")
```

se han generado n pobladores de dimensiones dim : 100 12

```
In [256]: #ciclo que controla el número de iteraciones según una tolerancia o bien numero máxi.
          while minerr> tol and l<itera:</pre>
          #se copia la posición de cada partícula a una variable para hacer el cálculo de la a
              m = sw.pob
              sw.modcalc=np.zeros((n_pob,n)) #es necesario reiniciar la variable cada iteració
          #se calcula la anomalia por cada modelo, se podría paralelizar
              for w in np.arange(n_pob):
                  for i in np.arange(n):
                      k=0
                      for j in np.arange(3):
                          sw.modcalc[w,i] = sw.modcalc[w,i] + 2*np.pi*gamma*np.power(m[w,1+k],2
                          k=k+4
          #Se evalua el error l2 de cada partícula respecto a la función objetivo
              swarmerr(sw,d_c)
          #Una vez calculado el error, se mueven las partículas de posición de acuerdo a los p
              P_move_fobj(sw,we,alpha,beta)
              minerr = sw.minerr
              file.write("%i %7.5f\n" % (1, minerr))
          #se repite el ciclo hasta que se cumpla el número de iteraciones o la tolerancia, au
              1 = 1+1
          file.close()
1.0538780878908136
0.7056395059082072
0.6167700744650183
0.5859352751656145
0.4443691413509355
0.4237474115024679
0.4019585584158723
0.38123490128338416
0.3260051176162316
0.32151328779377925
0.29321694144739846
0.29321694144739846
0.29321694144739846
0.29321694144739846
0.29321694144739846
0.29321694144739846
0.29321694144739846
0.29321694144739846
0.29321694144739846
0.29321694144739846
0.29321694144739846
```

KeyboardInterrupt:

In [257]: sw.gbest

Los parámetros de los tres cilindros que calculó la inversión son los siguientes:

A continuación se muestra la gráfica del error obtenida contra el número de iteraciones:

k=k+4

