微额借款用户人品预测大赛 解决方案

1. 解决方案概述

微额借款用户人品预测的数据不仅有带标签数据(1.5W),而且还有大量无标签数据(5W)两种类型,数据存在缺失值,类别不平衡,特征高维度等特点。本次大赛主要是为了能从用户行为数据分析'小额微贷'申请借款用户的信用状况,来判断其是否逾期。针对需要解决的问题和数据特征,我们主要从四个方面进行处理:数据预处理,特征工程,数据不平衡,以及半监督模型训练。

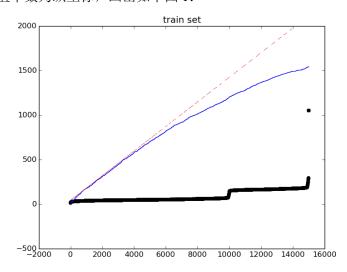
首先,由于数据中存在大量的缺失值,因此需要对缺失值数据进行预处理。比赛中,我们视缺失值为一种特征进行处理。统计了每个样本的缺失值个数,并进行排序,发现样本类别和缺失值个数呈规律性阶梯状关系。通过分析发现,当训练数据中缺失值个数大于某个阈值后,这部分样本会产生噪声数据,并产生过拟合现象,因此把这部分样本进行剔除。其次,生成排序特征,离散特征,计数特征,并采用基于学习模型的特征排序方法做了特征选择。在训练模型时,对模型参数加入了小范围的随机扰动,从而得到多个具有一定差异性的模型,以便对模型进行融合。然后,针对类别不平衡问题,不仅采用了传统的代价敏感学习方法,而且通过半监督方法利用无标签数据进行学习。最后,我们提出了一种暴力半监督模型,该模型相当于是一个预处理过程。与传统半监督模型不同,该模型不考虑具体打标的准确性,只考虑能否利用无标签样本的分布来改善分类器性能,其可以替换为任何分类器,更换任意评估指标,都起到了提高相应性能的作用。

通过以上处理,我们得到了单模型,多模型融合,迭代半监督,以及暴力半监督等四个模型,通过实验测试证明,暴力半监督模型更能有效的预测人品,并在竞赛中取得了线上得分 0.7341 的成绩。

2. 数据预处理

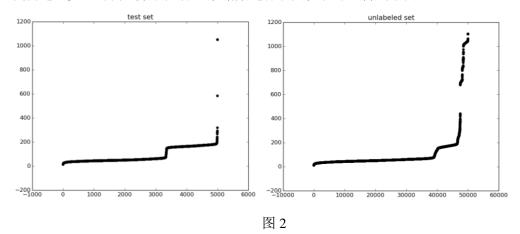
主要是缺失值的处理。赛题数据中大部分样本都有缺失值,且缺失值个数较多,有的样本甚至有上千个缺失值。常用的缺失值处理方法是缺失值填充(用同类别数据的特征均值,中值等),但由于测试集也同样有大量的缺失值,因此没有采用该方法。既然训练集和测试集都有这种特点,不如就把缺失值当成一种特征来处理。

我们统计了训练集中每个样本的缺失值个数,并且按照缺失值个数从小到大排序,以序号为横坐标,缺失值个数为纵坐标,画出如下图 1:

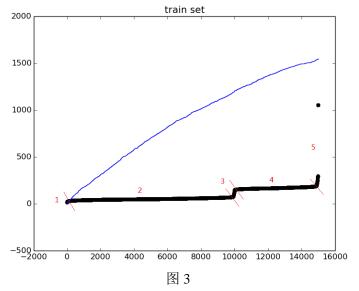


黑色曲线是缺失值散点图。蓝色的曲线是累计的负样本个数,可以发现它并不是一条严格的直线,说明样本类别与缺失值个数具有一定相关性。

我们进一步地对测试集和无标签数据集进行缺失值统计,得到下图:

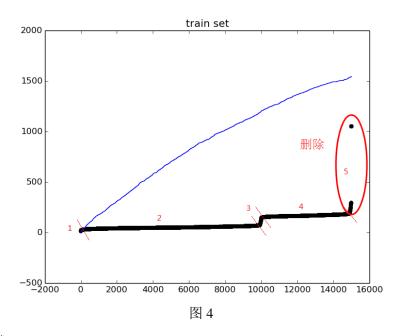


由此可知,图 1 和图 2 都呈现出了规律性的阶梯状,尤其是训练集和测试集的缺失值个数分布非常一致。所以进一步地将缺失值离散为 5 个区间,得到一个表征缺失值个数的离散特征(取值 1~5),如下图 3 所示:



我们为什么要这么做呢?起初分析画出这条曲线时,如获珍宝,猜测这种阶梯状可能是由不同的用户群数据导致的,比如说上面的阶梯对应着男性用户,下面的阶梯对应女性用户;或者上面的阶梯对应着老用户,下面的阶梯对应新用户等等。总之,我们脑洞大开,不管这种阶梯状是什么原因造成的,我们先把它作为一项特征,让模型自己去学习。

进一步地,我们删除了训练数据中缺失值个数大于 194 个的数据(即缺失值个数的离散值为 5 对应的样本),如下图 4 所示。这部分样本包含了太多的缺失值,使模型的学习变得困难,甚至会引入噪声,造成过拟合,所以去掉这部分数据后,线上的 auc 提高了 0.002,这是一个不小的提升。



3. 特征工程

坊间戏言"特征没做好,参数调到老",机器学习大牛 Andrew Ng 也说过"'Applied machine learning'is basically feature engineering",可见特征工程的重要性,我们在这部分投入了大量的时间和精力。

3.1 排序特征

对原始特征中 1045 维 numeric 类型的特征从小到大进行排序,得到 1045 维排序特征。排序特征对异常数据都有较强的鲁棒性,使得模型更加稳定,降低过拟合的风险。

3.2 离散特征

特征离散化有两种划分方式:一种是等值划分(按照值域均分),另一种是等量划分(按照样本数均分)。我们对 numeric 类型的特征采用了等量划分的离散化方式: 先将每一维特征按照数值大小排序,然后均匀地划分为 10 个区间,即离散化为 1~10。

3.3 计数特征

3.4 类别特征编码

赛题数据含有 93 维类别特征,很多算法(如逻辑回归, SVM)只能处理数值型特征,这种情况下需要对类别特征进行编码,我们采用了 One-Hot 编码,得到了 01 特征,解决了分类器不能处理类别特征的问题。

3.5 交叉特征

交叉特征是我们团队前期的想法之一,但是在实现过程中,发现即使两两交叉也会生成50W 个特征(因为不明特征含义,只能交叉全部数值特征),后来我们采用在生成特征的同时,对特征进行评估,保留生成特征的topk,但是时间复杂度过高,就放弃这个想法了,后来实验室另一个队实现了该想法,线上也有明显提升。

4. 特征选择

前面我们头脑风暴,基于原始特征生成了排序特征,离散特征,以及一些计数特征。全

部加起来有 3000 多维,这么多维特征一方面可能会导致维数灾难,另一方面很容易导致过 拟合,因此需要做降维处理,常见的降维方法有 PCA,t-SNE(计算复杂度很高)。我们尝试了 PCA,效果并不好,猜测原因是大多数特征含有缺失值且缺失值个数太多,而 PCA 前 提假设数据呈高斯分布,赛题数据很可能不满足。

除了采用降维算法之外,也可以用特征选择来降低特征维度。特征选择的方法很多:最大信息系数(MIC)、皮尔森相关系数(衡量变量间的线性相关性)、正则化方法(L1,L2)、基于模型的特征排序方法。比较高效的是最后一种方法,即基于学习模型的特征排序方法,这种方法有一个好处:模型学习的过程和特征选择的过程是同时进行的,因此我们采用这种方法。

基于决策树的算法(如 random forest, boosted tree)在模型训练完成后可以输出特征的重要性,在这个比赛中我们用了 xgboost 来做特征选择, xgboost 是 boosted tree 的一种实现,效率和精度都很高,在各类数据挖掘竞赛中被广泛使用。

5. 模型设计与分析

比赛是一个不断尝试和思考的过程,数据处理、特征工程、特征选择、模型训练也是一个不断迭代更新的过程,如下表 1 记录了我们是怎么一步一步做到现在的成绩的,后面我们将对每个模型进行详细的说明。

衣Ⅰ			
模型	方法	版本	线上得分
M1	Xgboost	Py_717	0.717
	Xgboost	R_7199	0.7199
	Xgboost	Java_7218	0.7218
	SVM	SVM_6938	0.6938
M2	Bagging of Xgboost (feature selected)	Py_725	0.725
M3	0.15*Py_717+0.25*SVM_69+0.6*Py_725	M_7273	0.7273
	0.15*R_7199+0.2*SVM_69+0.65*Py_725	M_7275	0.7275
	0.8* M_7275+0.2* Java_7218	M_7279	0.7279
M4	Iteration(M_7279(unlabeled))	I_M73	0.73
M5	Lb_rank(10_label(Py_717))	Final_Model	0.7341

表 1

5.1 模型 M1

如下图 5 所示,这部分包括 4 个单模型。

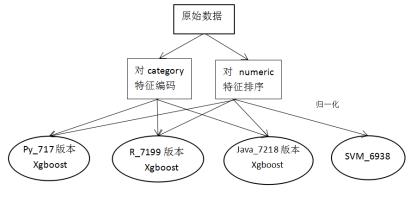


图 5

xgboost.

使用原始数据并且将 category 特征进行编码,转换成哑变量特征(01 特征),numeric 特征不变。基于此训练得到了 3 个 xgboost(不同队员做的,参数具有差异性,从而有利于后面的模型融合):

Python 版本的 xgboost 线上得分 0.717 (代码为分享在论坛的 top10 代码) R 版本的 xgboost 线上得分 0.7199 Java 版本的 xgboost 线上得分 0.7218

> SVM.

使用排序特征,训练前对特征做归一化,线上得分0.6938。

5.2 模型 M2

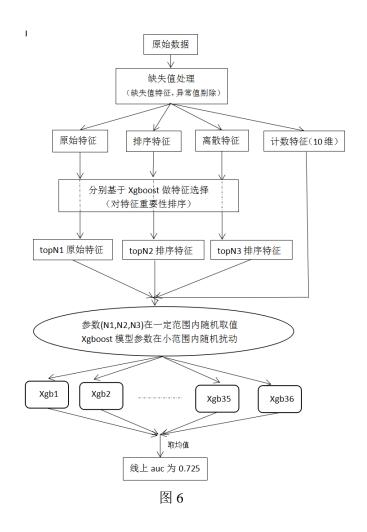
在基于原始特征得到排序特征、离散特征、计数特征之后,我们分别对这几种特征进行特征选择,特征选择的方法前面已有介绍,基于 xgboost 来做,训练 xgboost 的过程就是对特征重要性进行排序的过程。

得到特征的重要性之后,我们可以保留最重要的 top N1 个原始特征, top N2 个排序特征, top N3 个离散特征。(计数特征由于只有 10 维, 所以不做特征选择)。

参数 (N1,N2,N3)可以通过实验来确定最优的取值。但是这样很浪费时间,所以我们采用了 bagging 的思想,训练了 36 个 xgboost 模型再求其平均,每个 xgboost 的 N1 取值为 random(300,500),即 N1 的取值是在 300~500 里随机取的。N2 的取值为 random(300,500),N3 的取值为 random (64,100)。

此外,在训练 36 个 xgboost 时,xgboost 的参数也是在一定数值范围里随机取值的。这样一来,模型 M2 不仅仅在特征这个角度引入了多样性,也在模型参数这个角度引入了多样性,从而使得 bagging 的效果非常好。

如下图 6 是模型 M2 的流程图:



5.3 模型 M3

模型融合,方式为简单加权融合。

模型融合要取得较好的结果,要求单模型具有多样性(即差异性)。为了直观地观察单模型之间的差异性,我们计算了它们两两之间的最大信息系数(MIC),以混淆矩阵的形式画出(颜色越浅,表示相关性越小),如下图 7 所示。

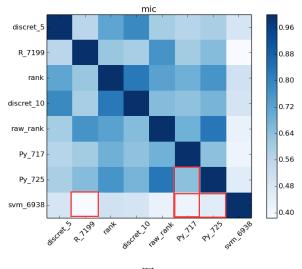


图 7

由图可知,红色框出的部分是颜色较浅的,即 Py_725、SVM_69、Py_717、R_7199 这几个模型之间差异性较大,所以我们使用这 4 个模型进行加权融合,以下两种是我们尝试过的

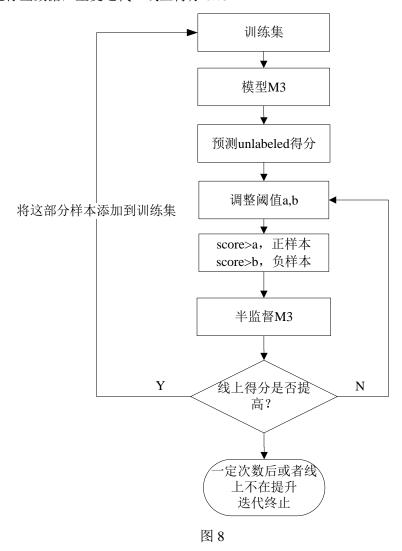
较为不错的融合方案:

0.15*Py_717+0.25*SVM_6938+0.6*Py_725 线上得分 0.7273 0.15*R_7199+0.2*SVM_6938+0.65*Py_725 线上得分 0.7275 得到 0.7275 的结果后,进一步地与单模型结果 Java_7218 进行加权融合:

0.8* M_7275+0.2* Java_7218 线上得分 0.7279

5.4 模型 M4

迭代半监督,利用最好的模型预测无标签数据,调整阈值 a, b 将样本添加到训练集,其中 01 样本比例为 5: 1~9: 1。如果线上有提高,将这部分样本添加到训练集继续训练融合来预测无标签数据,重复迭代。线上得分 0.73。



5.5 模型 M5

暴力半监督,每次从无标签样本中选择 10 个样本,有 1024 种打标签方式。使用单模型 Py_717(多模型融合复杂度太高)训练 1024 次并在测试集上测试,选择线下(train:test 为 1:9 的比例)性能提升最多的那组标签。

将 5000 组*10 的数据取 top500 组*10。在这 5000 个样本中,每次选择部分样本(20~50)添加到训练集观测线上表现,保留提分的样本。最终将这部分样本添加到训练集中,运行 M3 得到 Final_Model,线上得分 0.7341。

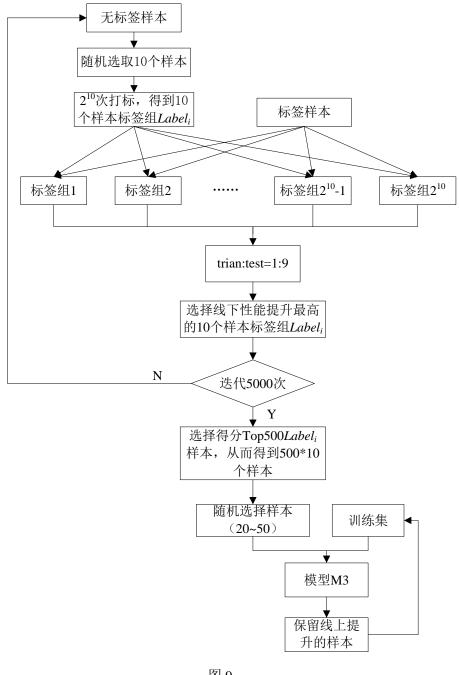


图 9

5.6 模型性能分析

- (1) 单模型, xgboost, 全部训练集 1000+维特征 8 线程 2 分钟内可以运行完成。
- (2) 多模型融合,时间为模型数目*2分钟。
- (3) 迭代半监督,时间为多模型融合的时间,依赖线上反馈结果。
- (4)暴力半监督,训练集测试集 1:9 的比例训练和测试一次需要 1s。10个样本 1024 次迭代为一个回合需要 20 分钟左右,5W 个无标签样本全部打标需要(50000/10)*20 分钟/20 线程=83 小时,4天内能全部运行完成。剩下的时间为多模型融合时间,依赖线上反馈结果。

6. 创新点

1. 缺失值的处理。发现了训练数据和测试数据的样本缺失值个数的分布特性,呈现阶

梯状,并利用这种阶梯状对缺失值个数离散化为取值 1~5 的特征。进一步地,发现缺失值个数大于 194 的数据中包含太多噪声,删除后模型有较大提升。

- 2. 引入排序特征与离散特征,对异常数据更鲁棒。auc 本质是排序,需要从排序角度去优化算法。我们将特征全部排序,用排名作为特征,并进一步地离散化特征,使得模型更加稳定。
- 3. 设计了计数特征,对离散特征进一步统计计数特征 n1~n10, 仅用这 10 维特征可得到 线上 auc 值 0.58。
- 4. 差异性模型融合,在特征,算法,参数这几个维度都引入了多样性: 随机选择 topN 特征,运用多种不同算法,模型参数加入小范围的随机扰动。这些措施都增加了模型之间的差异性,使得融合结果有很大提高。
- 5. 加权融合时,采用最大信息系数(MIC)度量不同模型的差异性,通过混淆矩阵可视化,方便选取有效的单模型组合。
- 6. 暴力半监督,虽然效率低,但是能有效提高线上得分,充分利用了无标签样本的分布信息来改善分类器性能。
 - 7. 从1月2日第一次榜首开始,保持排行榜榜首将近2个月

附:代码详细说明