验证2-带有一个隐藏层的平面数据分类

介绍

在本练习中,我们将建立一个神经网络,它具有一个隐藏层,你可以与练习1中的模型进行对比学习。

我们会讲到以下的知识:

- 构建具有单隐藏层的2类分类神经网络。
- 使用具有非线性激活功能激活函数,例如tanh。
- 计算交叉熵损失 (损失函数)。
- 实现向前和向后传播。

在开始练习前,需要介绍如下的文件:

- testCases.py -提供了一些测试示例来评估函数的正确性
- planar_utils.py -提供了在这个练习中使用的各种功能函数,例如sigmoid函数、数据加载函数、绘图函数

在整个练习中, 涉及如下的必做作业:

作业	分值
初始化模型参数	10分
实现前向传播	20分
实现代价函数	15分
搭建后向传播函数	20分
实现参数更新函数	15分
搭建并训练神经网络模型	20分

1 数据加载和查看

在开始之前,我们需要导入一些会用到的python库文件。

```
In [1]: import numpy as np import matplotlib.pyplot as plt from testCases import * import sklearn import sklearn import sklearn. linear_model from planar_utils import plot_decision_boundary, sigmoid, load_planar_dataset, load_extra_datasets

**matplotlib inline**

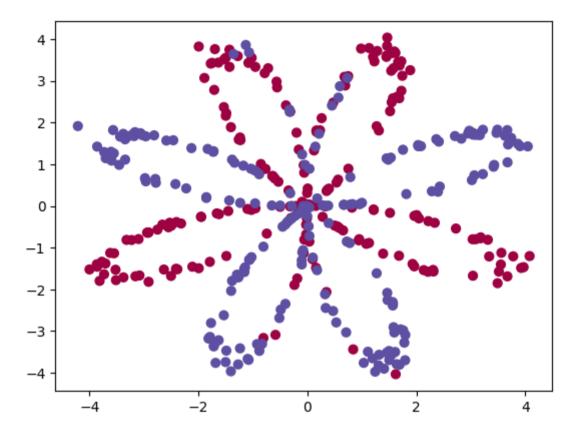
np. random. seed(1) #设置一个固定的随机种子,以保证接下来的步骤中我们的结果是一致的。
```

接下来,通过调用 planar_utils.py 文件中的 load_planar_dataset() 函数来查看要使用的数据集。

下面的代码会将花的图案的二分类数据集加载到变量 X 和 Y 中。 并对数据进行可视化展示。

In [2]: X, Y = load_planar_dataset() plt. scatter(X[0, :], X[1, :], c=np. squeeze(Y), s=40, cmap=plt. cm. Spectral) #绘制散点图

Out[2]: <matplotlib.collections.PathCollection at 0x20fb83810c0>



数据看起来像一朵花,其中 y=0 代表红色点, y=1 代表蓝色点。在本次练习中,你的任务就是建立一个模型来拟合这些数据。现在,我们已经定义了以下变量:

• X: numpy矩阵,包含这些数据点的数值

• Y: numpy矩阵,对应X的标签 (值为0-红色,值为1-蓝色)

接下来,看下变量的详细信息:

```
In [4]: shape_X = X. shape shape_Y = Y. shape m = Y. shape[1] #训练集的数量

print ("X的维度为: " + str(shape_X)) print ("Y的维度为: " + str(shape_Y)) print ("数据集里面的数据有: " + str(m) + " 个")
```

X的维度为: (2, 400) Y的维度为: (1, 400)

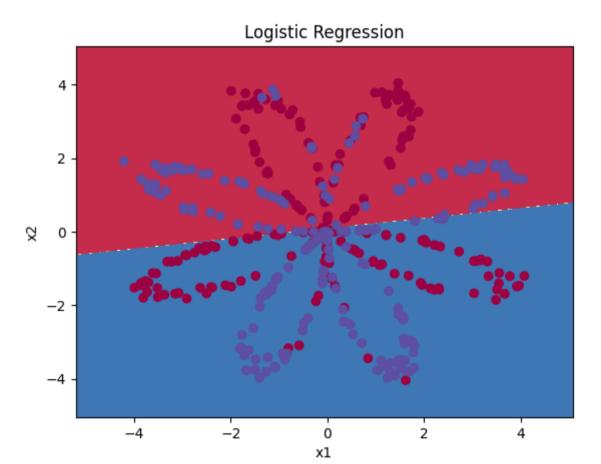
数据集里面的数据有: 400 个

2 查看简单Logistic回归的分类效果

在构建完整的神经网络之前,先让我们看看逻辑回归在这个问题上的表现如何。

我们可以使用sklearn的内置函数来做到这一点,运行下面的代码来训练数据集上的逻辑回归分类器,并将分类结果进行可视化,计算分类的准确率。

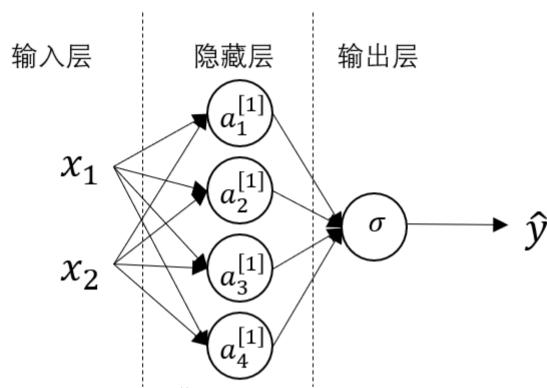
逻辑回归的准确性: 47% (正确标记的数据点所占的百分比)



我们看到简单逻辑回归分类器的准确率为47%,这个结果是由于数据集不是线性可分的,因此逻辑回归的效果并不好。接着,我们开始构建神经网络,并查看神经网络下的分类效果。

3 搭建神经网络模型

在本练习中, 你要搭建的神经网络模型结构如下图所示。



该模型为单隐层神经网络,且隐藏层的单元个数为4。 对于 $x^{(i)}$ 而言,其前向传播的计算过程如下:

$$\begin{split} z^{[1](i)} &= W^{[1]} x^{(i)} + b^{[1](i)} \\ a^{[1](i)} &= tanh(z^{[1](i)}) \\ z^{[2](i)} &= W^{[2]} a^{[1](i)} + b^{[2](i)} \\ \hat{y}^{(i)} &= a^{[2](i)} = \sigma(z^{[2](i)}) \end{split}$$

其中, σ 为sigmoid函数,且计算出所有示例的预测结果就可以按如下公式计算代价J:

$$J = -\frac{1}{m} \sum_{i=0}^{M} (y^{(i)} log(a^{[2](i)}) + (1 - y^{(i)}) log(1 - a^{[2](i)}))$$

因此,构建神经网络的一般方法是:

- 1. 定义神经网络结构 (输入单元的数量, 隐藏单元的数量等)。
- 2. 初始化模型的参数
- 3. 循环:

- 实施前向传播
- 计算损失
- 实现向后传播
- 更新参数 (梯度下降)

我们要它们合并到一个nn_model()函数中,当我们构建好了nn_model()并学习了正确的参数,我们就可以预测新的数据。

3.1 初始化模型参数

在构建之前,我们要先把神经网络的结构给定义好:

- n x: 输入层的数量, 等同于数据集X的数量
- n_h: 隐藏层的数量 (这里设置为4)
- n y: 输出层的数量, 等同于数据集Y的数量

你需要定义layer_sizes()函数,用于初始定义神经网络模型结构参数。

- 定义layer sizes()函数,参数列表及返回值如函数说明所示。
- 按上述要求进行定义,代码测试结果中输入层和输出层的节点数量应依次为5.2。

```
In [7]: def layer_sizes(X , Y):
    """

    参数:
        X - 输入数据集,维度为(输入的数量,训练/测试数量)
        Y - 标签,维度为(输出的数量,训练/测试数量)

        返回:
        n_x - 输入层的数量
        n_h - 隐藏层的数量
        n_y - 输出层的数量
        n_y - 输出层的数量
        n_n = 4 #, 隐藏层,硬编码为4
        n_y = Y. shape[0] #输出层

        return n_x, n_h, n_y
```

```
In [8]: #测试 layer sizes
     X_asses , Y_asses = layer_sizes_test case()
     (n x, n h, n y) = layer sizes(X asses, Y asses)
     print ("输入层的节点数量为: n x = " + str(n x))
     print("隐藏层的节点数量为: n h = " + str(n h))
     print("输出层的节点数量为: n_y = " + str(n y))
     输入层的节点数量为: n x = 5
     隐藏层的节点数量为: n h = 4
     输出层的节点数量为: n v = 2
     接着,你需要补全函数initialize_parameters(),将w1,w2,b1,b2使用以下合适的方法进行初始化,并确保其形状满足要求。
     要确保我们的参数大小合适,如果需要的话,请参考上面的神经网络图。 我们将会用随机值初始化权重矩阵。
       np. random. randn (a, b) * 0.01 #来随机初始化一个维度为 (a, b) 的矩阵
     将偏向量初始化为零。
       np. zeros((a, b)) #用零初始化矩阵(a, b)
```

预期的测试结果为:

b1 = [[0.] [0.] [0.]

b2 = [[0,]]

W1 = [[-0.00416758 -0.00056267] [-0.02136196 0.01640271] [-0.01793436 -0.00841747] [0.00502881 -0.01245288]]

W2 = [[-0.01057952 -0.00909008 0.00551454 0.02292208]]

```
In [9]: def initialize parameters ( n x , n h , n y):
          参数:
              n x - 输入层节点的数量
              nh-隐藏层节点的数量
              nv-输出层节点的数量
          返回:
              parameters - 包含参数的字典:
                 W1 - 权重矩阵, 维度为 (n h, n x)
                 b1 - 偏向量, 维度为 (n h, 1)
                 W2 - 权重矩阵, 维度为 (n y, n h)
                 b2 - 偏向量, 维度为 (n v, 1)
          0.00
          np. random. seed (2) #指定一个随机种子,以便你的输出与我们的一样。
          W1 = np. random. randn(n h, n x) * 0.01
          b1 = np. zeros(shape=(n h, 1))
          W2 = np. random. randn(n y, n h) * 0.01
          b2 = np. zeros(shape=(n y, 1))
          #使用断言确保我的数据格式是正确的
          assert(W1. shape = (nh, nx))
          assert(b1. shape = (nh, 1))
          assert(W2. shape = (n y , n h))
          assert(b2. shape = (n y , 1))
          parameters = {"W1" : W1,
                      "b1" : b1,
                      "W2" : W2,
                       "b2" : b2 }
          return parameters
```

3.2 前向传播计算神经网络层参数

回顾之前的计算过程,你需要**实现前向传播函数forward_propagation()**,其中激活函数可以用 sigmoid()函数也可以使用 np. tanh()函数。 具体的实现步骤如下:

- 1. 使用字典类型的 parameters (initialize parameters()的输出)检索每个参数
- 2. 实现前向传播, 计算 $Z^{[1]}$, $A^{[1]}$, $Z^{[2]}$, $A^{[2]}$ (训练集里面所有例子的预测向量)
- 3. 反向传播所需的值存储在"cache"中, cache 将作为反向传播函数的输入。

要点:

[0.] [0.] [0.]]

b2 = [[0, 1]]

• 依据上述实现步骤对函数进行补全,确保数据形状符合要求

W2 = [[-0.01057952 -0.00909008 0.00551454 0.02292208]]

- 代码测试结果预期为: ```shell
- 0.0004997557777419913 -0.0004969633532317802 0.0004381874509591466 0.500109546852431 ```

```
In [11]: def forward propagation(X, parameters):
           参数:
               X-维度为(nx,m)的输入数据。
               parameters - 初始化函数 (initialize parameters) 的输出
           返回:
               A2 - 使用sigmoid()函数计算的第二次激活后的数值
               cache - 包含 "Z1", "A1", "Z2"和 "A2"的字典类型变量
           W1 = parameters["W1"]
           b1 = parameters["b1"]
           W2 = parameters["W2"]
           b2 = parameters["b2"]
           #前向传播计算A2
           Z1 = np. dot(W1, X) + b1
           A1 = np. tanh(Z1)
           Z2 = np. dot(W2 . A1) + b2
           A2 = sigmoid(Z2)
           #使用断言确保我的数据格式是正确的
           assert(A2. shape = (1, X. shape[1]))
           cache = {"Z1": Z1,
                   "A1": A1,
                   "Z2": Z2,
                   "A2": A2}
           return A2, cache
```

3.3 实现代价的计算函数

我们已经知道, 计算代价的公式如下:

 $\ J = -\frac{1}{m} \sum_{i=0}^M (y^{(i)}\log(a^{[2](i)}) + (1-y^{(i)})\log(1-a^{[2](i)}))$

其中交叉熵损失的计算在python中可以使用向量化来进行实现:

```
logprobs = np. multiply (np. log (A2), Y)
cost = - np. sum (logprobs)
```

当然,你也可以使用 np. multiply() 然后使用 np. sum() 或者直接使用 np. dot() 现在你需要**构建计算成本的函数compute_cost()。**

要点:

- 按照上述公式补全函数定义
- 预期的测试结果应为

cost = 0.6929198937761266

```
In [13]: def compute_cost (A2, Y, parameters):
             计算方程(6)中给出的交叉熵成本。
             参数:
                 A2 - 使用sigmoid()函数计算的第二次激活后的数值
                 Y - "True"标签向量,维度为(1,数量)
                 parameters - 一个包含W1, B1, W2和B2的字典类型的变量
             返回:
                  成本 - 交叉熵成本给出方程(13)
            m = Y. shape [1]
            W1 = parameters["W1"]
            W2 = parameters["W2"]
             #计算成本
             \log \text{probs} = \log \text{probs} = \text{np. multiply (np. } \log (A2), Y) + \text{np. multiply (} (1 - Y), \text{np. } \log (1 - A2))
            cost = - np. sum(logprobs) / m
            cost = float(np. squeeze(cost))
             assert(isinstance(cost, float))
             return cost
```

3.4 反向传播计算梯度

使用前向传播期间计算的参数字典cache,现在可以利用它实现反向传播。反向传播是计算梯度的过程,其向量化的实现步骤如下:

 $dZ^{[2]} = A^{[2]} - Y$

 $dW^{[2]} = \frac{1}{m} dZ^{[2]} A^{[1]^T}$

 $dZ^{[2]} = \frac{1}{m} np.sum(dZ^{[2]},axis=1,keepdims=True)$

 $dZ^{[1]} = W^{[2]^T}dZ^{[2]}*g^{[1]}prime(Z^{[1]})$

 $dW^{[1]} = \frac{1}{m} dZ^{[1]}X^T$

 $dZ^{[1]} = \frac{1}{m} np.sum(dZ^{[1]},axis=1,keepdims=True)$

其中,为了计算\$dZ^{[1]}\$,需要计算\$g^{[1]\prime}(Z^{[1]})\$。

其中 g 代表 tanh() 激活函数,如果\$a=g^{[1]}(z)\$,那么\$g^{[1]\prime}(z) = 1 -a^2\$。 因此代码实现时可以使用(1-np. power(A1, 2))来计算\$g^{[1]\prime}(Z^{[1]})\$。

接下来,你需要**实现函数**backward_propagation()。

- 按照上述实现步骤对函数进行实现
- 测试结果预期应为:

```
dW1 = [[ 0.01018708 -0.00708701]

[ 0.00873447 -0.0060768 ]

[-0.00530847  0.00369379]

[-0.02206365  0.01535126]]

db1 = [[-0.00069728]

[-0.00060606]

[ 0.000364 ]

[ 0.00151207]]

dW2 = [[ 0.00363613  0.03153604  0.01162914 -0.01318316]]

db2 = [[0.06589489]]
```

```
In [15]: def backward propagation (parameters, cache, X, Y):
            使用上述说明搭建反向传播函数。
            参数:
            parameters - 包含我们的参数的一个字典类型的变量。
            cache - 包含 "Z1", "A1", "Z2"和 "A2"的字典类型的变量。
            X - 输入数据, 维度为(2, 数量)
            Y - "True" 标签, 维度为(1, 数量)
            返回:
            grads - 包含W和b的导数一个字典类型的变量。
            m = X. shape[1]
            W1 = parameters["W1"]
            W2 = parameters["W2"]
            A1 = cache["A1"]
            A2 = cache["A2"]
            dZ2= A2 - Y
            dW2 = (1 / m) * np. dot(dZ2, A1. T)
            db2 = (1 / m) * np. sum(dZ2, axis=1, keepdims=True)
            dZ1 = np. multiply (np. dot (W2. T, dZ2), 1 - np. power (A1, 2))
            dW1 = (1 / m) * np. dot(dZ1, X. T)
            db1 = (1 / m) * np. sum(dZ1, axis=1, keepdims=True)
            grads = {"dW1": dW1,}
                    "db1": db1,
                    "dW2": dW2,
                    "db2": db2 }
            return grads
```

```
In [16]: #测试backward propagation
        print("=========
                              ======测试backward propagation================================")
        parameters, cache, X_assess, Y_assess = backward_propagation test case()
        grads = backward propagation(parameters, cache, X assess, Y assess)
        print ("dW1 = "+ str(grads["dW1"]))
        print ("db1 = "+ str(grads["db1"]))
        print ("dW2 = "+ str(grads["dW2"]))
        print ("db2 = "+ str(grads["db2"]))
        dW1 = [[ 0.01018708 -0.00708701]
         [ 0.00873447 -0.0060768 ]
         [-0.00530847 0.00369379]
         [-0.02206365 0.01535126]]
        db1 = [[-0.00069728]]
         [-0.00060606]
         [ 0.000364 ]
         [ 0.00151207]]
```

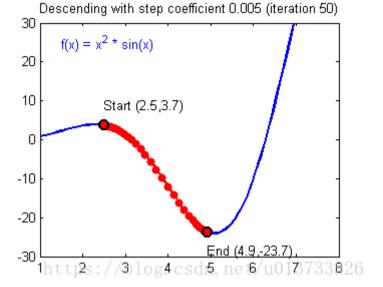
3.5 使用梯度更新参数

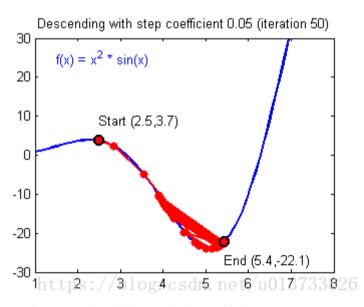
db2 = [[0.06589489]]

 $dW2 = [[0.00363613 \ 0.03153604 \ 0.01162914 \ -0.01318316]]$

实现反向传播后,我们需要使用梯度来对参数进行更新。 更新算法如下: \$ \theta = \theta - \alpha \frac{\partial J }{ \partial \theta }\$

- \$\alpha\$: 学习速率
- \$\theta\$:参数我们需要选择一个良好的学习速率,我们可以看一下下面这两个图(由Adam Harley提供):





上面两个图分别代表了具有良好学习速率(收敛)和不良学习速率(发散)的梯度下降算法。

接下来,你需要**实现**update_parameters()函数用以更新参数。

- 我们需要使用(dW1, db1, dW2, db2)来更新(W1, b1, W2, b2),依据上述实现步骤补全函数。
- 预期测试结果为

```
W1 = [[-0.00643025 0.01936718]

[-0.02410458 0.03978052]

[-0.01653973 -0.02096177]

[ 0.01046864 -0.05990141]]

b1 = [[-1.02420756e-06]

[ 1.27373948e-05]

[ 8.32996807e-07]

[-3.20136836e-06]]

W2 = [[-0.01041081 -0.04463285 0.01758031 0.04747113]]

b2 = [[0.00010457]]
```

```
In [17]: def update parameters (parameters, grads, learning rate=1.2):
            使用上面给出的梯度下降更新规则更新参数
            参数:
             parameters - 包含参数的字典类型的变量。
             grads - 包含导数值的字典类型的变量。
             learning rate - 学习速率
            返回:
            parameters - 包含更新参数的字典类型的变量。
            W1, W2 = parameters["W1"], parameters["W2"]
            b1, b2 = parameters["b1"], parameters["b2"]
            dW1, dW2 = grads["dW1"], grads["dW2"]
            db1, db2 = grads["db1"], grads["db2"]
            W1 = W1 - learning rate * dW1
            b1 = b1 - learning rate * db1
            W2 = W2 - learning rate * dW2
            b2 = b2 - learning rate * db2
            parameters = {"W1": W1,
                         "b1": b1,
                         "W2": W2,
                         "b2": b2}
```

return parameters

```
In [18]: #测试update_parameters
        parameters, grads = update_parameters_test_case()
        parameters = update parameters(parameters, grads)
       print("W1 = " + str(parameters["W1"]))
       print("b1 = " + str(parameters["b1"]))
       print("W2 = " + str(parameters["W2"]))
       print("b2 = " + str(parameters["b2"]))
        W1 = [[-0.00643025 0.01936718]]
         [-0.02410458 0.03978052]
         [-0. 01653973 -0. 02096177]
         [ 0.01046864 -0.05990141]]
       b1 = [[-1.02420756e-06]]
        [ 1. 27373948e-05]
        [ 8. 32996807e-07]
        [-3. 20136836e-06]]
        W2 = [-0.01041081 -0.04463285 0.01758031 0.04747113]
       b2 = \lceil \lceil 0.00010457 \rceil \rceil
```

3.6 搭建神经网络模型

至此,我们已经实现了神经网络的前向传播和反向传播,接下来为了能够训练出分类模型,我们需要搭建神经网络模型,需要将以上的步骤进行整合,最终学习到最优的模型参数进行返回。

3.6.1 整合神经网络模型

你需要实现nn_model()函数,该函数用于搭建神经网络模型。

- 定义nn model()函数,参数列表如函数说明所示;
- 使用for循环实现模型的训练过程;
- 如果满足条件,每1000次训练进行一次打印.

```
In [19]: def nn model (X, Y, n h, num iterations, print cost=False):
            参数:
               X-数据集,维度为(2,示例数)
               Y-标签,维度为(1,示例数)
               n h - 隐藏层的数量
               num_iterations - 梯度下降循环中的迭代次数
               print cost - 如果为True,则每1000次迭代打印一次成本数值
            返回:
               parameters - 模型学习的参数,它们可以用来进行预测。
            np. random. seed (3) #指定随机种子
            n x = layer sizes(X, Y)[0]
            n_y = layer_sizes(X, Y)[2]
            parameters = initialize parameters (n x, n h, n y)
            W1 = parameters["W1"]
            b1 = parameters["b1"]
            W2 = parameters["W2"]
            b2 = parameters["b2"]
            for i in range(num iterations):
                A2 , cache = forward propagation(X, parameters)
               cost = compute cost(A2, Y, parameters)
                grads = backward propagation (parameters, cache, X, Y)
               parameters = update parameters (parameters, grads, learning rate = 0.5)
                if print cost:
                   if i\%1000 = 0:
                       print("第 ", i, " 次循环, 成本为: "+str(cost))
            return parameters
```

```
C:\Users\Admin\AppData\Local\Temp\ipykernel_9820\1017163706.py:19: RuntimeWarning: divide by zero encountered in log logprobs = logprobs = np. multiply(np. log(A2), Y) + np. multiply((1 - Y), np. log(1 - A2))

D:\Python\PycharmProjects\Project1\Machine Learning\课件\Day 7\planar_utils.py:25: RuntimeWarning: overflow encountered in exp s = 1/(1+np. exp(-x))

W1 = [[-3.89167767  4.77541602]
[-6.77960338  1.20272585]
[-3.88338966  4.78028666]
[ 6.77958203 -1.20272575]]
b1 = [[ 2.11530892]
[ 3.41221357]
[ 2.11585732]
[ -3.41221322]]

W2 = [[-2512.9093032  -2502.70799785 -2512.01655969  2502.65264416]]
b2 = [[-22.29071761]]
```

3.6.2 实现预测函数

构建predict()来使用模型进行预测,并使用前向传播来预测结果。

```
In [21]: def predict(parameters, X):
    """
    使用学习的参数,为X中的每个示例预测一个奏

参数:
        parameters - 包含参数的字典类型的变量。
        X - 输入数据(n_x, m)

返回
        predictions - 我们模型预测的向量(红色: 0 /蓝色: 1)

"""

A2 , cache = forward_propagation(X, parameters)
    predictions = np. round(A2)

return predictions
```

```
In [22]: #测试predict
print("========测试predict======"")

parameters, X_assess = predict_test_case()

predictions = predict(parameters, X_assess)
print("预测的平均值 = " + str(np.mean(predictions)))
```

3.6.3 模型训练

接下来,需要对构建的完整模型进行训练,从而达到代价最小化的目的。

```
In [24]: parameters = nn model(X, Y, n h = 4, num iterations=100000, print cost=True)
        #绘制边界
       plot decision boundary(lambda x: predict(parameters, x.T), X, Y.ravel())
       plt.title("Decision Boundary for hidden layer size " + str(4))
       predictions = predict(parameters, X)
       print ('准确率: %d' % float((np. dot(Y, predictions. T) + np. dot(1 - Y, 1 - predictions. T)) / float(Y. size) * 100) + '%')
           0 次循环,成本为: 0.6930480201239823
           1000 次循环,成本为: 0.3098018601352803
           2000 次循环,成本为: 0.2924326333792647
           3000 次循环,成本为: 0.2833492852647412
                次循环,成本为: 0.27678077562979253
           5000 次循环,成本为: 0.26347155088593327
           6000 次循环,成本为: 0.24204413129940774
                次循环,成本为: 0.23552486626608768
           7000
           8000 次循环. 成本为: 0.23140964509854278
           9000 次循环,成本为: 0.22846408048352365
           10000 次循环,成本为: 0.22618596442552621
          11000 次循环,成本为: 0.2243339683199188
           12000 次循环,成本为: 0.22277683894021222
          13000 次循环,成本为: 0.22143562034302341
           14000 次循环,成本为: 0.22025881798488606
           15000 次循环,成本为: 0.21921125528251095
          16000 次循环,成本为: 0.21826898800675662
          17000 次循环,成本为: 0.21741576507251686
                 次循环,成本为: 0.216639759308813
```

3.7 更改神经网络隐藏层节点数量

我们上面的实验把隐藏层定为4个节点,现在我们更改隐藏层里面的节点数量,看一看节点数量是否会对结果造成影响。

```
In [26]:

plt.figure(figsize=(16, 32))
hidden_layer_sizes = [1, 2, 3, 4, 5, 20, 50] #隐藏层数量

for i, n_h in enumerate(hidden_layer_sizes):
    plt.subplot(5, 2, i + 1)
    plt.title('Hidden Layer of size %d' % n_h)
    parameters = nn_model(X, Y, n_h, num_iterations=5000)
    plot_decision_boundary(lambda x: predict(parameters, x. T), X, Y. ravel())
    predictions = predict(parameters, X)
    accuracy = float((np. dot(Y, predictions.T) + np. dot(1 - Y, 1 - predictions.T)) / float(Y. size) * 100)
    print("隐藏层的节点数量: {} , 准确率: {} %".format(n_h, accuracy))
```

隐藏层的节点数量: 1 ,准确率: 67.25 % 隐藏层的节点数量: 2 ,准确率: 66.5 % 隐藏层的节点数量: 3 ,准确率: 89.25 % 隐藏层的节点数量: 4 ,准确率: 90.0 % 隐藏层的节点数量: 5 ,准确率: 89.75 % 隐藏层的节点数量: 20 ,准确率: 90.0 % 隐藏层的节点数量: 50 ,准确率: 89.75 %



