# 国内三代测序头部企业-武汉希望组生物科技有限公司急招

当初征服星辰大海的誓言还记得吗？

星辰大海“xiwangzu”一直在问：你为什么还不来？

# 微生物生信高级项目科学家（2人）

**职位信息**

1.项目科研：作为项目负责人开展微生物多组学VIP科研项目（三代为主；宏基因组，微生物基因组，表观，微生物单细胞等方向）；

2.流程算法更新：负责微生物多组学分析流程调试、更新及新分析方法的研究；

3.项目对接：对接国内微生物领域内的重要客户与重要项目，合作发表文章；

4.队伍建设：培养和引进微生物领域的生物信息人才。

就职地点：**武汉**（特殊人才在北京或苏州分公司上班也可以接受）

**任职资格：**

1. 博士学历优先，生物信息学、生物医学，计算生物学、数学、计算机学等专业，**优秀硕士和本科也可以投递，英雄莫问出处**；
2. 三年或以上微生物组学研究经历（包括研究生期间的工作），具备细菌或病毒基因组/转录组/表观遗传学/宏基因组学分析经验，并在SCI杂志以主要参与者或以上身份发表科研论文1篇或以上；
3. 熟悉Linux命令行工作环境，熟悉shell，具有良好的计算机编程基础，能精通使用Perl/Python/JAVA/C编程语言一门及以上；
4. 具备扎实的基础数理统计知识，熟悉R语言，熟悉生物信息软件算法者优先；
5. 有生物信息工具开发和算法开发经历者优先；
6. 善于独立思考，具有良好的沟通能力和团队合作能力；
7. 具有良好的英文阅读和写作能力。

# 更多岗位：

# 生物信息分析工程师

就职地点：**武汉，苏州**

# 实验工程师

就职地点：**武汉**

# 科技顾问

就职地点：北京，深圳，重庆，武汉，上海，广州，杭州，广西，福建

# 产品经理

就职地点：**武汉**

# 实验研发工程师

就职地点：**北京**

# 实验员

就职地点：**北京，武汉**

# 报告解读

就职地点：**北京**

# 项目管理

就职地点：**武汉**

简历投递方式：

邮箱投递（hr@grandomics.com） 注明应聘职位、求职地点

微信投递（扫描添加，详细咨询）



福利待遇：

1、开放的薪酬体系，让你不再担“薪”：高于同行业水平的薪酬/每年多次调薪；博士，博后比照领域内高校和行业行情给予上浮的薪酬，经验丰富的硕士或本科根据能力经验匹配对等薪酬，保证有行业竞争力；

2、多元化的培训机制，为你的职业保驾护航。入职培训/定制化导师一带一/岗位技能培训/在职培训；

3、完善的福利体系，让你的职业多一份保障：五险一金/周末双休/法定假日/带薪年假/婚假/产假/节日party/集体旅游

4、畅通的晋升渠道：职位评级/岗位竞选等多项晋升通道

5、合作文章有机会享有一作或通讯的署名权；

1. 能力突出及工作期间有重大贡献者，一年后有机会纳入公司期权奖励计划。

关于希望组：

希望组(Grandomics）是全球知名的三代测序技术拓展者，成立于2011年8月8日，曾用“未来组”品牌开拓三代测序科技服务，是中国首家三代测序服务公司。多年来，一直专注于在领先的三代测序平台上进行技术开发与应用拓展，目前，已经形成了“科技服务”、“诊断服务”、“生物信息”、“先进制造”四大业务模块；在北京、武汉和苏州建设了合计超过7,000平米的科研服务平台、医学检验实验室与GMP生产厂房；引进了国际先进的ONT PromethION 48、PacBio Sequel II、MGISEQ2000、Bionano Saphyr光学图谱等技术平台；自主开发了NextDenovo/NextPolish系列三代测序组装软件，GrandSV/NextSV结构变异分析系统软件，GrandPathogen病原微生物检测软件，GrandBox遗传病大数据分析系统软件，SCAN-seq三代测序单细胞测序技术、Pore-C/Hi-C新一代三维基因组技术，LAMP-Pore纳米孔新冠病毒快速检测技术，dbSV人类基因组结构变异数据库；同时构建了华为云三代测序高性能计算集群，为客户提供优质的第三代测序分析和存储服务。公司核心团队均是三代测序领域多年技术与应用资深专家，硕博占比超过50%。