**第三届青年生命科学论坛-微生物组分论坛报告人信息**

**请在21日前返还此表！以下内容格式供参考，请替换为本人信息。**

|  |  |
| --- | --- |
| **中文姓名：王金锋**  **单位：中科院北京生命科学研究院、中国农业大学**  **职称：教授**  **研究方向：微生物组与生物信息 报告题目：微生物组与病原体发掘**  **电话：15201682378**  **邮箱 ：wangjf@biols.ac.cn**  **特殊时间安排：无** | |
| **报告人照片：**    **（个人简介和代表性成果总结，<400字）**  **王金锋**，教授，博士生导师，中国生物工程学会微生物组学与技术专业委员会委员，中国微生物学会医学微生物与免疫学专业委员会噬菌体学组委员。2010年获中国科学院海洋研究所实验海洋生物学专业博士学位；2011年至2021年历任中国科学院北京生命科学研究院助理研究员、副研究员，中国科学院大学硕士生导师；2021年受聘为中国农业大学杰出人才、教授、博士生导师。主要从事微生物组学与生物信息学方向的研究，聚焦人体共生菌群与宿主健康。主持了4项国家自然科学基金课题，其中2016年至2020年连续3次获得面上项目资助，并承担了多项国家和省部级课题。作为第一作者或通讯作者（含并列）在***Cell***（2020封面文章）、***Gut***（2020和2018）、***Nature Communications***（2016）和***Genome Biology***（2015）等SCI杂志上发表论文20余篇，累计影响因子超过150，近五年被引用1000多次；开发多套生物信息学软件和工具。***Medicine in Microecology***杂志编委，兼职为***Critical Reviews in Microbiology***、***mSystems***和***Applied and Environmental Microbiology***等10余杂志审稿。 | |
|
| **摘要**  **（<400字）** | 高通量测序和数据分析技术的进步，催生了微生物组学方向并极大地推动了微生物学科的发展，也使病原体的大规模检索和筛查成为了可能。本次报告带来了我们团队基于微生物组分析识别致病菌的两个实例：一是国际上非常重视的蜱媒病原体及其致病作用，向大家介绍蜱的病原体分布特征、蜱种特异性和生态地域性，并结合流行病学数据，阐明我国蜱媒传染病地域分布与病原体丰度间的关系，帮助大家理解该研究对未知病原体识别、蜱媒病风险评估及防控的重要意义；二是与大家探讨女性生殖系统的微生物交互与致病性，讲述与女性健康关系重大的阴道菌群随年龄、孕产史的变化规律，以及上下生殖系统菌群的协同效应，并根据动物模型实验结果，明确特定细菌对女性上生殖系统的危害和保护作用。本次报告将通过对我们最新研究成果的解读，与大家分享微生物组技术在病原体初筛和快速定位方面的应用经验，为相关领域研究者提供借鉴，共同推动微生物组研究的发展。 |
| **分享许可(默认同意)** | **是否同意分享演讲稿PPT/PDF：否（包含未发表数据）**  **是否同意分享演讲视频供更多同行学习：是** |
| **专家费发放信息** | **姓名：王金锋**  **身份证号： 210422198109192719**  **银行卡号： 6222020200079251076**  **开户行：中国工商银行中关村东升路支行** |