**第三届青年生命科学论坛-微生物组分论坛报告人信息**

|  |  |
| --- | --- |
| **中文姓名：高程**  **单位：中科院微生物研究所**  **职称：研究员**  **研究方向：真菌组与生态功能 报告题目：植物相关真菌组的构建机制**  **电话：13240482870**  **邮箱 ：**[gaochengaob@126.com](mailto:gaochengaob@126.com)  **特殊时间安排：无** | |
| **报告人照片：**    **（个人简介和代表性成果总结，<400字）**  **高程** 博士、研究员 。本科毕业于山东大学，博士毕业于中科院微生物所，2020年伯克利加州大学博士后出站。主要从事微生物组功能生态学的研究：利用多组学技术研究不同生境微生物组结构和生态功能的机制。目前已在Nat Commun, PNAS, ISME J, New Phytol, Mol Ecol等刊物上发表第一作者论文10余篇，参与论文23余篇。总引用900余次(H-index 17)。担任中国菌物学会内生真菌与菌根真菌专业委员会副主任委员、北京生物多样性科学研究会副秘书长、《菌物学报》、《生物多样性》、《应用生态学报》和《PLoS ONE》编委。为Nat Commun, ISME J, New Phytol, Mol Ecol, COPB和PRSB等 20多个杂志审稿50余次；为美国生态学会、美国微生物学会、斯坦福大学、戴维斯加州大学、CForBio, LorMe等口头报告20余次。 | |
|
| **摘要**  **（<400字）** | 真菌通过与植物的复杂互作驱动了关键生态过程，而此前对于植物相关真菌群落的构建机制还知之甚少。通过对高粱农田和亚热带森林的研究，发现高粱真菌群落的构建由随机性向确定性转变并且干旱胁迫延缓该转变过程，真菌群落构建中随机性的强度与真菌群落大小存在显著的负相关；丛枝菌根(AM)真菌群落演替随着高粱的生长发育由两个物种主导向多物种共存转变，外生菌根(EM)真菌群落演替随着次生林发展由环境选择向扩散限制转变；AM真菌诱导高粱的磷转运、衰老、生物防御、根系发育等基因的表达而协同响应干旱胁迫，真菌群落与植物群落的关系在山脊和山谷生境之间不同。未来的研究将聚焦于植物-真菌互作的分子基础，以及真菌群落构建驱动的关键生态系统功能。 |
| **分享许可(默认同意)** | **是否同意分享演讲稿PPT/PDF：是**  **是否同意分享演讲视频供更多同行学习：是** |
| **专家费发放信息** | **姓名：高程**  **身份证号： 371312198707206452**  **银行卡号： 6222020200008367829**  **开户行：中国工商银行北京中关村支行** |