

摘要

植物的种类繁多，为研究植物分类方法，本文基于植物树叶的二值化图片数据，通过解析几何计算和时间序列展开的方法转换成轮廓特征向量和边缘特征向量；再通过粒子群算法优化的深度神经网络解决树叶识别分类问题，并分析核心指标对模型性能的影响，最终结合树叶纹理信息对模型进行改进和分析比较。

针对问题一，通过解析几何计算和时间序列展开，分别提取每一张图片中的特征向量。根据题目要求，本组首先利用 **matlab** 计算与图像形状相关的解析几何特征量，得到由八个几何学、拓扑学特征值组成的八维形状特征向量。然后将图像轮廓进行极化投影，并通过 **numpy** 工具箱将极化投影轮廓展开成时间序列，挖掘分析时间序列的三个特征值，组成三维边缘特征向量。最后合并两个向量得到十一维总体特征向量。

针对问题二，基于问题一中提取的特征信息，建立了 **PSO-DNN 网络**对树叶进行识别与分类。利用 **Keras** 工具库搭建深度神经网络，利用粒子群算法优化 DNN 网络的连接权值和阈值，对研究对象进行识别分类。训练后的神经网络模型预测准确率为 **91.037%**，并分析各指标的权重占比，判断出特征量中时间序列熵、密实度和最大压痕深度对模型性能影响最大，是模型的核心指标。将其剔除后，模型分类精确度损失率分别为 **6.937%**、**5.498%**、**3.559%**。

针对问题三，基于问题二中的 **PSO-DNN 网络**模型，将树叶纹理信息嵌入特征向量。增加网络输入层个数，并对模型进行参数调整，最终得到叶片的预测准确率达到 **96.634%**。

本文中所提到的模型优点主要有两点：一、提取的特征值信息包含量大、区分度高；二、利用 PSO 优化后的 DNN 网络全局收敛能力强，分类准确度高。

关键词： 时间序列展开 深度神经网络 粒子群算法 **Keras** 工具库

目录

一、 问题重述	4
1.1 问题背景	4
1.2 问题提出	4
二、 模型假设	4
三、 符号说明	5
四、 问题一模型的建立与求解	6
4.1 问题的描述与分析	6
4.2 模型的建立	6
4.2.1 预备工作	6
4.2.2 优化函数与约束条件	7
4.2.3 沙石算法	8
4.3 模型的求解	9
五、 问题二模型的建立与求解	9
5.1 问题的描述与分析	9
5.2 模型的建立	9
5.2.1 优化函数与约束条件	9
5.2.2 泊口仿真模型	10
5.2.3 遗传算法	11
六、 问题三模型的建立与求解	12
6.1 问题描述与分析	12
6.2 模型的建立与求解	12
6.3 结果分析	13
七、 模型的评价	14
7.1 模型的优点	14
7.2 模型的缺点	14
附录 A 代码	16
A.1 图片名称读取—matlab 源代码	16
A.2 树叶形状 id 计算—matlab 源代码	16
A.3 时间序列展开—python 源代码	18

A.4 边缘测试时间序列-C++ 源代码.....	24
A.5 数据可视化-python 源代码.....	27
A.6 PSO-DNN 网络搭建-python 源代码.....	29
A.7 各类分类器比较-python 源代码.....	32

一、问题重述

1.1 问题背景

植物的种类繁多,要了解和掌握如此多的植物,必须进行一个科学的分类。人们常常根据植物的用途,或根据植物的一个或几个明显的形态进行分类,植物的识别与分类对于区分植物种类,探索植物间的亲缘关系,阐明植物系统的进化规律具有重要的意义。因此植物分类学是植物科学甚至整个生命科学的基础学科。目前对于树叶识别与分类主要由人完成,但是树叶种类庞大,依赖人工地进行树叶识别与分类是不现实的。所以树叶的研究对于植物总体的研究能提供很大的帮助。

从树叶的各个方面,纹理,硬度,离心率等方面都可作为主要方向研究,现对树叶的研究主要通过采集树叶图形,利用数字图像处理来对树叶进行分类识别,这种方法只停留在处理形态特征,有很大的局限性,忽略了树叶的生理特征和其他特征,所以研究方法来综合处理树叶平面图像特征,形态特征和生理特征很有必要性。

1.2 问题提出

围绕植物分类进行树叶识别与分类,以树叶二值化图片为依据,依次提出以下问题:

- (1) 结合附件中的二值化的图片数据,建立合适的图片数据提取方案,量化处理图片数据,并具体分析说明所提取数据信息的量化指标体系。
- (2) 基于问题一中提取的数据信息,建立合适的数学模型由数据出发判断叶子的种类,研究判别分类的核心指标,并估计出模型的性能以及核心指标对模型判别性能的影响。
- (3) 基于二值化图片数据,结合附件中叶子纹理的数据信息,对原有模型进行改进,并对新旧模型进行比较分析。

二、模型假设

- (1) 为了简化计算,假设题目中给出的模糊数据都是精确数据。
- (2) 为了优化运算结果,假设所有全副武装的士兵都保持坐姿休息。
- (3) 假设在战争中,装载消耗更少时间的优先度高于使用更少的民用船。
- (4) 假设在装载过程中,同一泊口的舰船装载交替时间可以忽略不计。
- (5) 假设港口被摧毁时,由于提前得到信息,港口上的船只与兵力没有损失,只是正在进行的装载工作停止,且进度完全损失。

三、符号说明

符号	说明
I	研究图像
$A(I)$	图像面积
$C(I)$	图像几何中心
∂I	图像边界
$d(.)$	运算两点间欧式距离
ID	总特征向量
ID_{shape}	形状特征向量
ID_{margin}	边缘特征向量
id_k	研究图像特征值
r	极径
θ	极角
X	时间序列集
S	shapelet 子序列
x_i	神经网络第 i 个输入值
w_{ki}	第 i 个输入量连接的权值
b_k	神经网络阈值
f	激活函数
e	误差函数
E	全局误差
η	学习率
$c_{1,2}$	加速因子
β	惯性权重

四、问题一模型的建立与求解

4.1 问题的描述与分析

问题一本质是一个多背包优化问题，要求使用尽可能少的背包，装载各种旅的一个旅编制兵力。本组根据题目要求，以派出船舰种类和数量作为决策向量，以所用的总船只数量为目标函数，以每艘船的面积装载限制作为约束条件。并设计沙石算法，使得每艘船面积利用率达到最高，从而使得调用船支数达到最小值。

4.2 模型的建立

4.2.1 预备工作

兵力、装备与船载的面积量化 计算附件 2 中的每种装备与所占面积，得到装备占用面积向量：

$$s_{xi} = l_i \times w_i \times \varepsilon_i \quad (1)$$

$$S_x = [s_{x1}, s_{x2}, \dots, s_{x14}] \quad (2)$$

其中 s_{xi} 是装备 $X_i (i = 1, 2, \dots, 14)$ 的占用面积， l_i 、 w_i 与 ε_i 分别是装备 X_i 的长、宽与面积修正系数。

计算附件 2 中每种旅一个营的占用面积，得到每营人口所占面积向量：

$$s_{pi} = p_i \times s \quad (3)$$

$$S_p = [s_{p1}, s_{p2}, \dots, s_{p12}] \quad (4)$$

其中 p_i 是第 $i (i = 1, 2, \dots, 12)$ 的全副武装人员数，取 $s = 0.5m^2$ 为每个全副武装人员占用的面积。

计算附件 3 中登陆舰可用装载面积，得到登陆舰有效面积向量：

$$s_{yi} = s_i \times \eta_1 \quad (5)$$

$$S_y = [s_{y1}, s_{y2}, \dots, s_{y14}] \quad (6)$$

其中 s_{yi} 是登陆舰 $Y_i (i = 1, 2, \dots, 14)$ 的可用装载面积， s_i 是登陆舰 Y_i 的总装载面积，取 $\eta_1 = 75\%$ 为登陆舰的有效面积率。

计算附件 3 中民用船可用装载面积，得到登陆舰有效面积向量：

$$S_z = [s_{z1}, s_{z2}, \dots, s_{z5}] \quad (7)$$

$$s_{zj} = s_j \times \eta_2 \quad (8)$$

其中 s_{zi} 民用船 $Z_j (i = 1, 2, \dots, 5)$ 的可用装载面积， s_j 是民用船 Z_j 的总装载面积，取 $\eta_2 = 70\%$ 为登陆舰的有效面积率。

4.2.2 优化函数与约束条件

决策向量为:

$$D = [y_1, y_2, \dots, y_{14}, z_1, z_2, \dots, z_5] \quad (9)$$

其中 y_k 是派出的登陆舰数量, z_k 是派出民用船的数量。

根据题意尽可能使用少的船舰数, 即**目标函数**为使用船舰总数:

$$\min Z = \sum_{k=1}^{19} D[k] \quad (10)$$

舰载面积系数向量为:

$$S_D = [S_y, S_z] \quad (11)$$

根据题目要求总舰载有效面积不小于总兵力装备占用面积:

$$D \cdot S_D \geq \sum S_x + \sum S_p \quad (12)$$

且由登陆舰 Y1 的有效舰载面积大于装备 X9(直升机) 的部队占用的面积:

$$y_1 \cdot s_{y1} \geq \sum s_{x9} + \sum s_{p6} \quad (13)$$

其中 $\sum s_{p6}$ 是唯一装备的部队——VI 旅的人口总和。

即使用最少船舰装载每种旅的各一个旅级编制的模型为:

$$\begin{aligned} \min Z &= \sum_{k=1}^{19} D[k] \quad (14) \\ s.t. \left\{ \begin{array}{l} D \cdot S_D \geq \sum S_x + \sum S_p \\ y_1 \cdot s_{y1} \geq \sum s_{x9} + \sum s_{p6} \\ S_D = [S_y, S_z] \\ s_{xi} = l_i \times w_i \times \varepsilon_i \\ S_x = [s_{x1}, s_{x2}, \dots, s_{x14}] \\ s_{pi} = p_i \times s \\ S_p = [s_{p1}, s_{p2}, \dots, s_{p12}] \\ s_{yi} = s_i \times \eta_1 \\ S_y = [s_{y1}, s_{y2}, \dots, s_{y14}] \\ s_{zj} = s_j \times \eta_2 \\ S_z = [s_{z1}, s_{z2}, \dots, s_{z5}] \end{array} \right. \quad (15) \end{aligned}$$

4.2.3 沙石算法

为使得调用的船舰数量最少，即需使得每艘船的未利用面积值达到最小：

$$\min \Delta S = \sum S_x + \sum S_p - D \cdot S_D$$

其中 ΔS 为损失面积，本组设计沙石算法优化部队装载方案，使其得面积损失达到最小，具体如下：

算法思想 根据经验，使用沙砾和石子填满某个刚性容器，较好的方法是先装入石子，后灌入沙砾，可以让剩余空间达到最小。基于此，本组设计沙石算法，将带待装载部队(其占用面积不尽相同)视作沙砾与石子，将船舰视作刚性容器，即可求出面积利用率最高的部队装载方案。

算法描述

(1) 装备均分：将每个旅分解为连编制，即得到面积规划向量：

$$A^k = [a_1^k, a_2^k, \dots, a_n^k]$$

其中 a_i^k 的初始值是第 k 旅中的全副武装人员所占面积，其中 $k = 1, 2, \dots, K$ (K 为旅队编制总数)， $n = n_k$ (n_k 为 k 旅连编制总数)。根据题目中装备均匀分配的要求，重复检索向量 A^k 中的每一个元素，选择最小值 $\min \{a_i\}$ (装备量最少的营) 使得该连添加装备 X_j ，即令：

$$\min \{a_i\} = \min \{a_i\} + s_{xj}$$

重复检索直到该旅装备数 $X = 0$ 时，结束装备均分，得到装备均分后的部队 $\{A^k\}$ ($k = 1, 2, \dots, n_k$) (n_k 为 k 旅连编制总数)。

(2) 部队装载：将装备均分后的部队 $\{A^k\}$ 中的元素混合后由大到小进行排序得到排序后的营编制总部对数 $\{T_n\}$ ：

$$\begin{aligned} T_n &\geq T_{n+1} \\ n &\leq \sum_{1}^K n_k \end{aligned}$$

将所有派出船舰装载面积进行排序得到船舰面积数列 $\{P_n\}$ ：

$$\begin{aligned} P_n &\geq P_{n+1} \\ n &\leq \sum D \end{aligned}$$

依次检索总部对数列 $\{T_n\}$ ，并依次检索数列 $\{P_n\}$ 对应的船舰，将其装入剩余面积足够的船舰，即若 $P_n \geq T_n$ 令：

$$P_n = P_n - T_n$$

重复检索直到部队装载完成，即当部队检索次数 $i = \sum_1^K n_k$ 时，算法结束。

(3) 结果输出：输出总共使用的船舰数量，即决策向量：

$$D = [y_1, y_2, \dots, y_{14}, z_1, z_2, \dots, z_5]$$

4.3 模型的求解

算法的实现

算法流程图

五、问题二模型的建立与求解

5.1 问题的描述与分析

问题二要求针对附件 2 中的具体运输任务，制定使得装载时间最短，使用海上运输工具最少的兵力装载方案。本组通过遗传算法，将问题一中的决策向量作为染色体，装载时间和船支数量作为适应度函数，建立装载方案优化模型。修改问题一中的沙石算法，作为判断每个个体是否可以存活的验证算法，并随机生成 w 个能通过验证算法的初始个体。将某一代个体经过交叉、变异后的基因带入时间轴仿真模型，计算出装载所用时间作为适应度函数，将生成个体按照适应度函数大小进行第一次排序，再将装载所用时间大小相同的函数进行第二次排序，取出排序中前 w 个个体进行下一次进化，进化 g 代个体后可求得装载时间最短，同时使用海上运输工具最少的兵力装载方案。

5.2 模型的建立

5.2.1 优化函数与约束条件

基于问题一模型决策向量为：

$$D = [y_1, y_2, \dots, y_{14}, z_1, z_2, \dots, z_5] \quad (16)$$

目标函数为：

$$\min Z = \sum_{k=1}^{19} D[k] \quad (17)$$

增加目标函数：

$$\min \left\{ \max_k \sum t_i \right\} \quad (18)$$

其中 $\sum t_i (i = 1, 2, \dots, 71)$ ，表示在共计 71 个泊口中第 i 个泊口的装载时间总和。即得到问题二优化模型：

$$\min Z = \sum_{k=1}^{19} D[k] \quad (19)$$

$$\min \left\{ \max_k \sum t_i \right\} \quad (20)$$

$$s.t. \left\{ \begin{array}{l} D \cdot S_D \geq \sum S_x + \sum S_p \\ y_1 \cdot s_{y1} \geq \sum s_{x9} + \sum s_{p6} \\ S_D = [S_y, S_z] \\ s_{xi} = l_i \times w_i \times \varepsilon_i \\ S_x = [s_{x1}, s_{x2}, \dots, s_{x14}] \\ s_{pi} = p_i \times s \\ S_p = [s_{p1}, s_{p2}, \dots, s_{p12}] \\ s_{yi} = s_i \times \eta_1 \\ S_y = [s_{y1}, s_{y2}, \dots, s_{y14}] \\ s_{zj} = s_j \times \eta_2 \\ S_z = [s_{z1}, s_{z2}, \dots, s_{z5}] \end{array} \right. \quad (21)$$

其中 $\min \left\{ \max_k \sum t_i \right\}$ 可利用泊口仿真模型计算，并通过遗传算法算得全局最优解。

5.2.2 泊口仿真模型

建立泊口仿真模型以计算每种方案的装载时间，首先输入决策向量：

$$D = [y_1, y_2, \dots, y_{14}, z_1, z_2, \dots, z_5]$$

定义时间函数为 t_0 ，初始化时间函数令 $t_0 = 0$ ，并令 t_0 以 1 为步长逐渐增加。定义港口决策向量为：

$$T = [t_1, t_2, \dots, t_{71}]$$

$t_k (k = 1, 2, 3, \dots, 71)$ 代表 71 个港口当前任务的结束时间。当 $t_k = t_0$ 时，表示港口 k 处于空闲状态，此时立即更新任务结束时间 t_k ，即使得：

$$t_k = t_k + t_d$$

$$D[d] = D[d] - 1$$

其中 t_d 是决策向量 D 中第 d 各元素对应船舰的装载时间, $D[d]$ 为决策向量 D 中的第 d 个元素。当

$$\begin{cases} \sum_1^{19} D[d] = 0 \\ t_0 \geq \max t_k \end{cases}$$

即所有船支装载完成时, 结束运算, 输出当前的时间函数 t_0 , 即:

$$\min \left\{ \max_k \sum t_i \right\} = t_0$$

5.2.3 遗传算法

编码 如图所示, 每个个体由下面三个方块构成, 其中最后一个进行遗传操作:

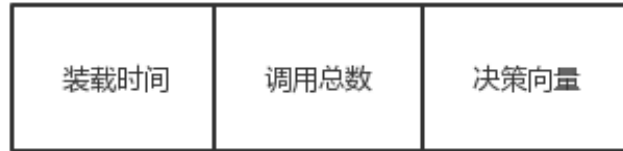


图 1 指标重要度占权图

根据题目要求, 优先使用军用登陆舰, 即决策向量 $D = [y_1, \dots, y_{14}, z_1, \dots, z_5]$ 中 $y_k (k = 1, 2, \dots, 14)$ 为恒定值且等于其上限。故能简化决策向量为:

$$D = [z_1, z_2, \dots, z_5]$$

交叉 为保证变异率并保留优秀基因片段和本题采用的两种交叉方式:

- (1) : 单点交叉: 对于两个父代个体 $D = [z_1, z_2, \dots, z_5]$ 和 $D' = [z'_1, z'_2, \dots, z'_5]$, 随机选择第 k 个基因处为交叉点, 将该基因后所有基因进行交换, 得到子代基因
- (2) : 中间值交叉: 对于两个父代个体 $D = [z_1, z_2, \dots, z_5]$ 和 $D' = [z'_1, z'_2, \dots, z'_5]$, 随机选取 $z''_k \in [z_k, z'_k]$ 得到子代基因。

再选取交叉个体时采用混合分组的方法, 将父代均匀混合后选取所有编号为奇数的个体, 与其相邻对应编号为偶数的个体, 通过两种交叉方式产生处两种类型的子代。

变异 为保证种群多样性, 以 0.1 的变异率, 对选择的个体执行变异操作。随机选择变异个体中的基因 z_k , 使其值以各 50% 的概率加一或减一。

筛重 由于该模型基因维度较低，有大概率出现基因重复的个体，其对种群多样性有不利影响，并易使算法早熟。故在每次交叉变异生成新个体时删除重复基因，以提高算法的全局搜索能力。

选择 由于本题约束条件较多，且有两个包含两个适应度函数，故采用两种选择方式：

- (1)：约束淘汰：对于生成的个体基因 $D = [z_1, z_2 \cdots, z_5]$ 带入第一问的沙石算法中，计算部队是否可以完全装入船支中。若不能则删除个体，若能则保留个体。
- (2)：精英选择：由于模型假设战场上使用较少的时间优先级高于使用更少船支，将每一代中的生成个体与上一代混合，的个体按照其**装载时间**由大到小进行**第一次排序**，再将装载时间相同的个体进行依照**调用总数**进行**第二次排序**。保留前列的 w 个个体， w 为设定的种群容纳量。

重复上述进化过程，当进化代数足够多时，即可得到全局最优解。

六、问题三模型的建立与求解

6.1 问题描述与分析

针对问题三，本题要求结合给出的叶子纹理的数据信息，对问题二原有模型进行改进并进行分析比较。本组基于问题二模型中原有的 11 维数据，加入叶子纹理的数据信息后增加网络输入层个数，修改 PSO-DNN 网络的参数，从而提高了叶片识别与分类的精度。

6.2 模型的建立与求解

加入叶片纹理数据后，根据第二问中模型原理进行参数调整，进行树叶分类预测的仿真实验：随机选取 80% 的数据作为训练集进行**数据标准化处理**，再对树叶种类进行**One-Hot 编码**作为分类目标。训练输入样本为 1280×75 ，测试输入样本为 320×75 ，DNN 网络输入层神经元 75 个，输出层神经元 100 个，包含 2 个隐含层，适应度函数选择均方误差。具体参数设置见表 1。具体参数：

表 1 参数设置表

参数名称	参数符号	参数值
选择粒子个数为	T	30
计算精度	ε	0.00001
学习率	η	0.01
最大迭代次数	M	500
维度	S	75
加速因子 1	c_1	1.49
加速因子 2	c_2	1.49
惯性权重	β	0.9

通过上述参数设置，训练后求得最小均方误差为 0.253，预测准确率为 96.634%，其迭代过程中损失与准确率如下图所示：



图 2 PSO-DNN 迭代过程中损失与准确率

6.3 结果分析

分别与问题二中的 PSO 优化前后 DNN 模型进行比较，其结果如下所示：

表 2 新旧 PSO-DNN 网络的比较

网络模型	Validation Loss	Validation Accuracy
新 PSO-DNN 网络	0.253	96.634%
旧 PSO-DNN 网络	0.458	91.037%
新 DNN 网络	0.291	95.142%
旧 DNN 网络	0.518	89.912%

结果表明，问题三的 PSO-DNN 网络在测试集中准确率高于问题二中网络，说明在加入叶子纹理数据后，其分类模型预测能力升高，符合实际情况。与未经过 PSO 优化权值的网络比较均提升 1% 左右，证实了 PSO-DNN 网络非线性映射能力较强。

七、模型的评价

7.1 模型的优点

- (1) 利用时间序列提取树叶边缘信息，相较于传统特征量能更准确直观的表述边缘特征。
- (2) PSO 优化后的 DNN 网络非线性映射能力强，泛化能力和稳定性明显高于一般神经网络，具有更强的鲁棒性。其全局收敛能力强，预测准确度高。

7.2 模型的缺点

树叶二值化图片信息提取不够完全，若能提取更高维度特征向量，分类准确度可进一步提高。

参考文献

- [1] Tan Jing Wei, Chang Siow-Wee, Binti Abdul Kareem Sameem, Yap Hwa Jen, Yong Kien-Thai. Deep Learning for Plant Species Classification using Leaf Vein Morphometric.[J]. IEEE/ACM transactions on computational biology and bioinformatics, 2018.
- [2] Liu Jing, Sun Wanning, Su Yuting, Jing Peiguang, Yang Xiaokang. BE-CALF: Bit-Depth Enhancement by Concatenating All Level Features of DNN.[J]. IEEE transactions on image processing : a publication of the IEEE Signal Processing Society, 2019, 28(10).
- [3] Matheus B. Vicari, Mathias Disney, Phil Wilkes, Andrew Burt, Kim Calders, William Woodgate. Leaf and wood classification framework for terrestrial LiDAR point clouds[J]. Methods in Ecology and Evolution, 2019, 10(5).
- [4] 田德红, 何建敏. 基于变异粒子群优化与深度神经网络的航空弹药消耗预测模型 [J]. 南京理工大学学报, 2018, 42(06).
- [5] 原继东, 王志海, 韩萌, 游洋. 基于逻辑 shapelets 转换的时间序列分类算法 [J]. 计算机学报, 2015, 38(07):1448-1459.
- [6] 杨志辉, 胡红萍, 白艳萍. 基于主成分分析和 PSO-SVM 的树叶分类方法研究 [J]. 数学的实践与认识, 2016, 46(18):170-175.
- [7] 侯铜, 姚立红, 阚江明. 基于叶片外形特征的植物识别研究 [J]. 湖南农业科学, 2009(04):123-125+129.
- [8] Febri Liantoni, Rifki Indra Perwira, Syahri Muharom, Riza Agung Firmansyah, Akhmad Fahruzi. Leaf classification with improved image feature based on the seven moment invariant[J]. Journal of Physics: Conference Series, 2019, 1175(1).

附录 A 代码

A.1 图片名称读取—matlab 源代码

```
p = genpath('.\data');% 获得文件夹data下所有子文件的路径，这些路径存在字符串p中，以';'分割
length_p = size(p,2);%字符串p的长度
path = {};%建立一个单元数组，数组的每个单元中包含一个目录
temp = [];
for i = 1:length_p %寻找分割符';'，一旦找到，则将路径temp写入path数组中
if p(i) ~= ';'
temp = [temp p(i)];
else
temp = [temp '\']; %在路径的最后加入 '\'
path = [path ; temp];
temp = [];
end
end
clear p length_p temp;
%至此获得data文件夹及其所有子文件夹（及子文件夹的子文件夹）的路径，存于数组path中。
%下面是逐一文件夹中读取图像
file_num = size(path,1);% 子文件夹的个数
for i = 1:file_num
file_path = path{i}; % 图像文件夹路径
img_path_list = dir(strcat(file_path,'*.jpg'));
img_num = length(img_path_list); %该文件夹中图像数量
if img_num > 0
for j = 1:img_num
image_name = img_path_list(j).name;% 图像名
%image = imread(strcat(file_path,image_name));
fprintf('%d %d %s\n',i-1,j,strcat(file_path,image_name));% 显示正在处理的路径和图像名
%图像处理过程 省略
%Untitled2(strcat(file_path,image_name));
end
end
end
```

A.2 树叶形状 id 计算—matlab 源代码

```
%UNTITLED2 Summary of this function goes here
% Detailed explanation goes here
I=imread(str_path);
thresh = graythresh(I); %自动确定二值化阈值;
I1=im2bw(I);%二向化
stats = regionprops(I1,'Area','Eccentricity','Solidity','Perimeter', 'ConvexImage');
B = bwboundaries(I1,'noholes');
```



```

B=B{1,1};%边界坐标
A=stats.Area;%面积
P=stats.Perimeter;%周长
id(1)=stats.Eccentricity;%离心率
id(2)=stats.Solidity;%实密度
id(3)=4*pi*A/P.^2;%等周因子
temp1=zeros(size(B,1),size(B,1));
for i=1:size(B,1) %计算外接圆直径
for j=i:size(B,1)
temp1(i,j)=(B(i,1)-B(j,1)).^2+(B(i,2)-B(j,2)).^2).^0.5;
end
end
D=max(max(temp1'));%外接圆直径
temp2=zeros(size(B,1),1);
dd=zeros(size(I1,1),size(I1,2));
for i=1:size(I1,1)%计算内切圆半径
for j=1:size(I1,2)
if I1(i,j)==1
for k=1:size(B,1)
temp2(k,1)=(B(k,1)-i).^2+(B(k,2)-j).^2).^0.5;
end
dd(i,j)=min(temp2);
end
end
end
d=max(max(dd'));%内切圆半径
id(4)=1-2.*d./D;%伸长率
I3=stats.ConvexImage;
stats3 = regionprops(I3,'Centroid','Perimeter');
B3=bwboundaries(I3,'noholes');%凸型区域边界坐标
B3=B3{1,1};
C=stats3.Centroid;%凸型区域中心坐标
temp2=zeros(size(B3,1),1);
for k=1:size(B3,1)%计算最大距离
temp2(k,1)=(B3(k,1)-C(1,1)).^2+((B3(k,2)-C(1,2)).^2)).^0.5;
end
L1=max(temp2);%最大距离
temp2=zeros(size(B,1),1);
for k=1:size(B,1)%计算最大距离
temp2(k,1)=(B(k,1)-C(1,1)).^2+((B(k,2)-C(1,2)).^2)).^0.5;
end
L2=min(temp2);%最小距离
L=stats3.Perimeter;%凸型周长
id(5)=(L1-L2)./L;%最大压痕深度
for i=1:size(I1,1)
for j=1:size(I1,2)
if I1(i,j)==1

```

```

y1=i;
break;
end
end
end
end
for i=size(I1,1):-1:1
for j=size(I1,2):-1:1
if I1(i,j)==1
y2=i;
break;
end
end
end
end
for i=1:size(I1,2)
for j=1:size(I1,1)
if I1(j,i)==1
x1=i;
break;
end
end
end
end
for i=size(I1,2):-1:1
for j=size(I1,1):-1:1
if I1(j,i)==1
x2=i;
break;
end
end
end
end
id(6)=(x1-x2)./(y1-y2);%长宽比
fid=fopen('aaa.txt','a');%写入文件路径
fprintf(fid,'%f,%f,%f,%f,%f,%f\r\n',id);
fclose(fid);
end

```

A.3 时间序列展开-python 源代码

```

import pandas as pd

import scipy as sp
import scipy.ndimage as ndi
from scipy.signal import argrelextrema

import pandas as pd

```

```

from skimage import measure
from sklearn import metrics

import matplotlib.image as mpimg
import matplotlib.pyplot as plt
import matplotlib.patches as mpatches

from pylab import rcParams
rcParams['figure.figsize'] = (6, 6)

# ----- I/O ---

def read_img(img_no, str):
    """reads image from disk"""
    return mpimg.imread(str)

def get_imgs(num, str):
    """convenience function, yields random sample from leaves"""
    if type(num) == int:
        imgs = range(1, 1600)
        num = np.random.choice(imgs, size=num, replace=False)

    for img_no in num:
        yield img_no, preprocess(read_img(img_no, str))

# ----- preprocessing ---

def threshold(img, threshold=250):
    """splits img to 0 and 255 values at threshold"""
    return ((img > threshold) * 255).astype(img.dtype)

def portrait(img):
    """makes all leaves stand straight"""
    y, x = np.shape(img)
    return img.transpose() if x > y else img

def resample(img, size):
    """resamples img to size without distortion"""
    ratio = size / max(np.shape(img))
    return sp.misc.imresize(img, ratio, mode='L', interp='nearest')

```

```

def fill(img, size=500, tolerance=0.95):
    """extends the image if it is significantly smaller than size"""
    y, x = np.shape(img)

    if x <= size * tolerance:
        pad = np.zeros((y, int((size - x) / 2)), dtype=int)
        img = np.concatenate((pad, img, pad), axis=1)

    if y <= size * tolerance:
        pad = np.zeros((int((size - y) / 2), x), dtype=int)
        img = np.concatenate((pad, img, pad), axis=0)

    return img

# ----- postprocessing -----

def standardize(arr1d):
    """move mean to zero, 1st SD to -1/+1"""
    return (arr1d - arr1d.mean()) / arr1d.std()

def coords_to_cols(coords):
    """from x,y pairs to feature columns"""
    return coords[:,1], coords[:,0]

def get_contour(img):
    """returns the coords of the longest contour"""
    return max(measure.find_contours(img, .8), key=len)

def downsample_contour(coords, bins=512):
    """splits the array to ~equal bins, and returns one point per bin"""
    edges = np.linspace(0, coords.shape[0],
        num=bins).astype(int)
    for b in range(bins-1):
        yield [coords[edges[b]:edges[b+1],0].mean(),
            coords[edges[b]:edges[b+1],1].mean()]

def get_center(img):
    """so that I do not have to remember the function ;)"""
    return ndi.measurements.center_of_mass(img)

# ----- feature engineering -----

def extract_shape(img):

```

```

"""
Expects prepared image, returns leaf shape in img format.
The strength of smoothing had to be dynamically set
in order to get consistent results for different sizes.
"""
size = int(np.count_nonzero(img)/1000)
brush = int(5 * size/size**.75)
return ndi.gaussian_filter(img, sigma=brush, mode='nearest') > 200


def near0_ix(timeseries_1d, radius=5):
    """finds near-zero values in time-series"""
    return np.where(timeseries_1d < radius)[0]


def dist_line_line(src_arr, tgt_arr):
    """
    returns 2 tgt_arr length arrays,
    1st is distances, 2nd is src_arr indices
    """
    return np.array(sp.spatial.cKDTree(src_arr).query(tgt_arr))


def dist_line_point(src_arr, point):
    """returns 1d array with distances from point"""
    point1d = [[point[0], point[1]] * len(src_arr)]
    return metrics.pairwise.paired_distances(src_arr, point1d)


def index_diff(kdt_output_1):
    """
    Shows pairwise distance between all n and n+1 elements.
    Useful to see, how the dist_line_line maps the two lines.
    """
    return np.diff(kdt_output_1)


# ----- wrapping functions ---

# wrapper function for all preprocessing tasks
def preprocess(img, do_portrait=True, do_resample=500,
do_fill=True, do_threshold=250):
    """ prepares image for processing"""
    if do_portrait:
        img = portrait(img)
    if do_resample:
        img = resample(img, size=do_resample)

```

```

if do_fill:
img = fill(img, size=do_resample)
if do_threshold:
img = threshold(img, threshold=do_threshold)

return img

# wrapper function for feature extraction tasks
def get_std_contours(img):
    """from image to standard-length countour pairs"""

    # shape in boolean n:m format
    blur = extract_shape(img)

    # contours in [[x,y], ...] format
    blade = np.array(list(downsample_contour(get_contour(img))))
    shape = np.array(list(downsample_contour(get_contour(blur))))

    # flagging blade points that fall inside the shape contour
    # notice that we are loosing subpixel information here
    blade_y, blade_x = coords_to_cols(blade)
    blade_inv_ix = blur[blade_x.astype(int), blade_y.astype(int)]

    # img and shape centers
    shape_cy, shape_cx = get_center(blur)
    blade_cy, blade_cx = get_center(img)

    # img distance, shape distance (for time series plotting)
    blade_dist = dist_line_line(shape, blade)
    shape_dist = dist_line_point(shape, [shape_cx, shape_cy])

    # fixing false + signs in the blade time series
    blade_dist[0, blade_inv_ix] = blade_dist[0, blade_inv_ix] * -1

    return {'shape_img': blur,
            'shape_contour': shape,
            'shape_center': (shape_cx, shape_cy),
            'shape_series': [shape_dist, range(len(shape_dist))],
            'blade_img': img,
            'blade_contour': blade,
            'blade_center': (blade_cx, blade_cy),
            'blade_series': blade_dist,
            'inversion_ix': blade_inv_ix}

# !/usr/bin/python

```

```

# -*- coding:utf-8 -*-

import os

outer_path = r'C:\Users\77526\PycharmProjects\untitled\Demo5\data'
folderlist = os.listdir(outer_path) # 列举文件夹

for folder in folderlist:
    inner_path = os.path.join(outer_path, folder)
    total_num_folder = len(folderlist) # 文件夹的总数
    filelist = os.listdir(inner_path) # 列举图片
    i = 0
    for item in filelist:
        total_num_file = len(filelist) # 单个文件夹内图片的总数
        if item.endswith('.jpg'):
            src = os.path.join(os.path.abspath(inner_path), item) # 原图的地址
            # dst = os.path.join(os.path.abspath(inner_path), str(folder) + '_' + str(
            #     i) + '.jpg') # 新图的地址（这里可以把str(folder) + '_' + str(i) + '.jpg'改成你想改的名称）
            try:
                # os.rename(src, dst)
                print(src)
                i += 1

            title, img = list(get_imgs([968], src))[0]
            features = get_std_contours(img)
            print(features['blade_series'])
            df = pd.DataFrame(features['blade_series'][0]).T
            # df.to_csv('blade_series.csv', mode='a', header=False, index=False)
            plt.plot(*coords_to_cols(features['shape_contour']))
            plt.plot(*coords_to_cols(features['blade_contour']))
            #plt.axis('equal')

            plt.subplot(122)
            plt.plot(*features['shape_series'])
            plt.plot(*features['blade_series'])
            plt.show()
        except:
            continue

    # plt.plot(*coords_to_cols(features['shape_contour']))
    # plt.plot(*coords_to_cols(features['blade_contour']))
    # plt.axis('equal')

```

```
#
# plt.subplot(122)
# plt.plot(*features['shape_series'])
# plt.plot(*features['blade_series'])
# plt.show()
```

A.4 边缘测试时间序列-C++ 源代码

```
#include "stdafx.h"
#include <opencv2/opencv.hpp>
#include <opencv2/imgproc/imgproc.hpp>
#include <opencv2/core/core.hpp>
#include <opencv2/highgui/highgui.hpp>
#include <string>
#include <io.h>
#include <vector>
#include <iostream>
#include <math.h>

using namespace cv;
using namespace std;
char * filePath = "C:\\Users\\77526\\PycharmProjects\\untitled\\Demo5\\data";
//此处用的是斜杠，也可以用反斜
//但需注意的是由于C语言的特点，要用双反斜杠，即"E:\\MATLAB\\LBP\\scene_categories"
//cin >> folder; //也可以用此段代码直接在DOS窗口输入地址，此时只需正常的单反斜杠即可

using namespace std;

void getFiles(string folder, vector<string>& files);

int main() {
string folder = filePath;

vector<string> files;
getFiles(folder, files ); //files为返回的文件名构成的字符串向量组

for( int i = 0; i < files.size(); i++ ) { //files.size()返回文件数量
//To do here
get_arr(files[i]);
cout << files[i] << endl;
}
system("pause");
return 0;
}
```



```

void getFiles( string path, vector<string>& files ) {
//文件句柄
long hFile = 0;
//文件信息
struct _finddata_t fileinfo; //大家可以去查看一下_finddata结构组成
//以及_findfirst和_findnext的用法，了解后妈妈就再也不用担心我以后不会编了
string p;
if((hFile = _findfirst(p.assign(path).append("\\*").c_str(),&fileinfo)) != -1) {
do {
//如果是目录,迭代之
//如果不是,加入列表
if((fileinfo.attrib & _A_SUBDIR)) {
if(strcmp(fileinfo.name, ".") != 0 && strcmp(fileinfo.name, "..") != 0)
getFiles( p.assign(path).append("\\").append(fileinfo.name), files );
}
else {
files.push_back(p.assign(path).append("\\").append(fileinfo.name) );
}
}
while(_findnext(hFile, &fileinfo) == 0);_findclose(hFile);
}
}

void get_arr(string str){
//读取图像
Mat src_image = imread(str);
//图像读取出错处理
if (!src_image.data)
{
cout << "src image load failed!" << endl;
return -1;
}
//显示源图像
namedWindow("原图", WINDOW_NORMAL);
imshow("原图", src_image);

//此处高斯去噪有助于后面二值化处理的效果
//Mat blur_image;
//GaussianBlur(src_image, blur_image, Size(15, 15), 0, 0);
//imshow("GaussianBlur", blur_image);

/*灰度变换与二值化*/
Mat gray_image, binary_image;
cvtColor(src_image, gray_image, COLOR_BGR2GRAY);
threshold(gray_image, binary_image, 30, 255, THRESH_BINARY | THRESH_TRIANGLE);
imshow("binary", binary_image);

```

```

/*形态学闭操作*/
Mat morph_image;
Mat kernel = getStructuringElement(MORPH_RECT, Size(3, 3), Point(-1, -1));
morphologyEx(binary_image, morph_image, MORPH_CLOSE, kernel, Point(-1, -1), 2);
imshow("morphology", morph_image);

/*查找外轮廓*/
vector< vector<Point> > contours;
vector<Vec4i> hireachy;
findContours(binary_image, contours, hireachy, CV_RETR_EXTERNAL, CHAIN_APPROX_NONE, Point());

int l; //目标轮廓索引
//寻找最大轮廓，即目标轮廓
for (size_t t = 0; t < contours.size(); t++)
{
    /*过滤掉小的干扰轮廓*/
    Rect rect = boundingRect(contours[t]);
    if (rect.width < src_image.cols / 2)
        continue;
    //if (rect.width > (src_image.cols - 20))
    l = t; //找到了目标轮廓，获取轮廓的索引
}

//画出目标轮廓
Mat result_image = Mat::zeros(src_image.size(), CV_8UC3);
vector< vector<Point> > draw_contours;
draw_contours.push_back(contours[l]);
drawContours(result_image, draw_contours, -1, Scalar(255,255,255), 1, 8, hireachy);
namedWindow("lunkuo", WINDOW_NORMAL);
imshow("lunkuo", result_image);

//计算轮廓的傅里叶描述子
Point p;
int x, y, s;
int i = 0, j = 0, u = 0;
s = (int)contours[l].size();
Mat src1(Size(s,1), CV_8SC2);
float f[9000]; //轮廓的实际描述子
float fd[16]; //归一化后的描述子，并取前15个
for (u = 0; u < s; u++)
{
    float sumx = 0, sumy = 0;
    for (j = 0; j < s; j++)
    {
        p = contours[l].at(j);
        x = p.x;
        y = p.y;
    }
}

```

```

sumx += (float)(x*cos(2*CV_PI*u*j/s) + y*sin(2 * CV_PI*u*j / s));
sumy+= (float)(y*cos(2 * CV_PI*u*j / s) - x*sin(2 * CV_PI*u*j / s));
}
src1.at<Vec2b>(0, u)[0] = sumx;
src1.at<Vec2b>(0, u)[1] = sumy;
f[u] = sqrt((sumx*sumx)+(sumy*sumy));
}
//傅立叶描述字的归一化
f[0] = 0;
fd[0] = 0;
for (int k = 2; k < 17; k++)
{
f[k] = f[k] / f[1];
fd[k - 1] = f[k];
cout << fd[k-1] << endl;
}
//保存数据
for (int k = 0; k < 16; k++)
{
FILE *fp = fopen("1.txt", "a");
fprintf(fp, "%8f,", fd[k]);
fclose(fp);
}
FILE *fp = fopen("1.txt", "a");
fprintf(fp, "\n");
fclose(fp);
waitKey();
}

```

A.5 数据可视化—python 源代码

```

from pyecharts import options as opts
from pyecharts.charts import Page, Pie

def pie_base(list) -> Pie:
c = (
Pie()
.add("", list, radius=["40%", "75%"],)
.set_global_opts(title_opts=opts.TitleOpts(title="各指标所占权重占比"),
legend_opts=opts.LegendOpts(
orient="vertical", pos_top="15%", pos_left="2%"

),
        toolbox_opts=opts.ToolboxOpts(),

```

```

)
.set_series_opts(label_opts=opts.LabelOpts(formatter="{b}: {d}% "))

)
return c

def pie_rich_label(list) -> Pie:
c = (
Pie()
.add(
",list,
radius=["40%", "75%"],
label_opts=opts.LabelOpts(
position="outside",
formatter=" {b|{b}: }{per|{d}%} ",
background_color="#eee",
border_color="#aaa",
border_width=1,
border_radius=4,
rich={
"a": {"color": "#999", "lineHeight": 22, "align": "center"},
"abg": {
"backgroundColor": "#e3e3e3",
"width": "100%",
"align": "right",
"height": 22,
"borderRadius": [4, 4, 0, 0],
},
"hr": {
"borderColor": "#aaa",
"width": "100%",
"borderWidth": 0.5,
"height": 0,
},
"b": {"fontSize": 16, "lineHeight": 33},
"per": {
"color": "#eee",
"backgroundColor": "#334455",
"padding": [2, 4],
"borderRadius": 2,
},
},
},
),
)
.set_global_opts(title_opts=opts.TitleOpts(title="各指标所占权重占比"), legend_opts=opts.LegendOpts(
orient="vertical", pos_top="15%", pos_left="2%"

```

```

),          toolbox_opts=opts.ToolboxOpts(),
)
)
return c

list = [['长宽比',0.294],
['离心率',0.227],
['密实度',0.328],
['等轴因子',0.276],
['伸长率',0.249],
['最大压痕深度',0.280],
['极小值点数',0.194],
['极大值点数',0.225],
['随机凸度',0.233],
['时间序列熵',0.429],
['最大压缩深度',0.214]]

c = pie_base(list)
c.render("xs.html")
d = pie_rich_label(list)
d.render("xss.html")

```

A.6 PSO-DNN 网络搭建-python 源代码

```

import pandas as pd
import numpy as np
import os

trainData = pd.read_csv(r'C:\Users\77526\Downloads\all_data.csv')
trainData = trainData.iloc[:,1:]
print(trainData.head())

from sklearn.utils import shuffle
trainData = shuffle(trainData)
trainData = trainData.values
y = trainData[:,0:1]
X= trainData[:,1:].astype(float)

y=pd.DataFrame(y, columns=['species'])
df = pd.get_dummies(y,columns=['species'])
species = [s.replace('species_', '') for s in df.columns.tolist()]
df.columns = species

y = df.values

```

```

from sklearn.model_selection import train_test_split
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size = 0.2, random_state = 42)

from sklearn.preprocessing import StandardScaler
sc_X = StandardScaler()
X_train = sc_X.fit_transform(X_train)
X_test = sc_X.transform(X_test)

from keras.models import Sequential #to initialize the neural network
from keras.layers import Dense # to build the layers of ANN
from keras.layers import Dropout

# Initialising the ANN
classifier = Sequential()

# Adding the input layer and the first hidden layer
classifier.add(Dense(units = 100, kernel_initializer = 'uniform', activation = 'relu',
    input_dim = 192))
classifier.add(Dropout(0.2))

# Adding the second hidden layer
classifier.add(Dense(units = 100, kernel_initializer = 'uniform', activation = 'relu'))
classifier.add(Dropout(0.2))

# Adding the third hidden layer
classifier.add(Dense(units = 100, kernel_initializer = 'uniform', activation = 'relu'))

# Adding the output layer
classifier.add(Dense(units=99, kernel_initializer = 'uniform', activation = 'softmax'))

# Compiling the ANN
classifier.compile(optimizer = 'adam', loss = 'categorical_crossentropy', metrics =
    ['accuracy'])

# Fitting the ANN to the Training set
model = classifier.fit(X_train, y_train, batch_size = 5, nb_epoch = 500)
print(model)

## Plotting the error with the number of iterations
## With each iteration the error reduces smoothly
import matplotlib.pyplot as plt
# define the function
def training_vis(hist):
    loss = hist.history['loss']
    val_loss = hist.history['val_loss']

```

```

acc = hist.history['acc']
val_acc = hist.history['val_acc']

# make a figure
fig = plt.figure(figsize=(8,4))
# subplot loss
ax1 = fig.add_subplot(121)
ax1.plot(loss,label='train_loss')
ax1.plot(val_loss,label='val_loss')
ax1.set_xlabel('Epochs')
ax1.set_ylabel('Loss')
ax1.set_title('Loss on Training and Validation Data')
ax1.legend()
# subplot acc
ax2 = fig.add_subplot(122)
ax2.plot(acc,label='train_acc')
ax2.plot(val_acc,label='val_acc')
ax2.set_xlabel('Epochs')
ax2.set_ylabel('Accuracy')
ax2.set_title('Accuracy on Training and Validation Data')
ax2.legend()
plt.tight_layout()
plt.show()

# call the function
training_vis(hist)
loss1 = hist.history['loss']
val_loss1 = hist.history['val_loss']
acc1 = hist.history['acc']
val_acc1 = hist.history['val_acc']

#计算权重
# loss,accuracy=classifier.evaluate(X_test,y_test)

# print('loss:',loss)
# print('accuracy:',accuracy)
weight_Dense_2,bias_Dense_3 = classifier.get_layer('input').get_weights()
weight_Dense_1,bias_Dense_3 = classifier.get_layer('output').get_weights()
df1 = pd.DataFrame(weight_Dense_1)
df2 = pd.DataFrame(weight_Dense_2)
df = df2.mul(df1,axis='columns',level=None, fill_value=None)
# df2.shape
x= abs(df2[1])
su =0

```

```

for i in range(0,15):
x= abs(df2.T[i])
su =su+sum(x)
print(sum(x)/100)
print(su)

```

A.7 各类分类器比较–python 源代码

```

import pandas as pd
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt

def warn(*args, **kwargs): pass
import warnings
warnings.warn = warn

from sklearn.preprocessing import LabelEncoder
from sklearn.cross_validation import StratifiedShuffleSplit

train = pd.read_csv(r'C:\Users\77526\Downloads\all_data.csv')
# test = pd.read_csv('./test.csv')

def encode(train):
    le = LabelEncoder().fit(train.species) #对数据进行标签编码
    labels = le.transform(train.species) # encode species strings
    classes = list(le.classes_) # save column names for submission
    # test_ids = test.id # save test ids for submission

    train = train.drop(['species', 'id'], axis=1)
    # test = test.drop(['id'], axis=1)

    return train, labels, classes

train, labels, classes = encode(train)
sss = StratifiedShuffleSplit(labels, 10, test_size=0.2, random_state=23)

for train_index, test_index in sss:
    X_train, X_test = train.values[train_index], train.values[test_index]
    y_train, y_test = labels[train_index], labels[test_index]

from sklearn.metrics import accuracy_score, log_loss
from sklearn.neighbors import KNeighborsClassifier
from sklearn.svm import SVC, LinearSVC, NuSVC
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier, AdaBoostClassifier,

```



```

    GradientBoostingClassifier
from sklearn.naive_bayes import GaussianNB
from sklearn.discriminant_analysis import LinearDiscriminantAnalysis
from sklearn.discriminant_analysis import QuadraticDiscriminantAnalysis

classifiers = [
KNeighborsClassifier(3),
SVC(kernel="rbf", C=0.025, probability=True),
NuSVC(probability=True),
DecisionTreeClassifier(),
RandomForestClassifier(),
GradientBoostingClassifier(),
GaussianNB(),
LinearDiscriminantAnalysis(),]

<<<<<<< HEAD

=====

# Logging for Visual Comparison
log_cols=["Classifier", "Accuracy", "Log Loss"]
log = pd.DataFrame(columns=log_cols)

for clf in classifiers:
    clf.fit(X_train, y_train)
    name = clf.__class__.__name__

    print("="*30)
    print(name)

    print('****Results****')
    train_predictions = clf.predict(X_test)
    acc = accuracy_score(y_test, train_predictions)
    print("Accuracy: {:.4%}".format(acc))

    train_predictions = clf.predict_proba(X_test)
    ll = log_loss(y_test, train_predictions)
    print("Log Loss: {}".format(ll))

    log_entry = pd.DataFrame([[name, acc*100, ll]], columns=log_cols)
    log = log.append(log_entry)

    print("="*30)
    sns.set_color_codes("muted")
    sns.barplot(x='Accuracy', y='Classifier', data=log, color="b")

```

```
plt.xlabel('Accuracy %')
plt.title('Classifier Accuracy')
plt.show()

sns.set_color_codes("muted")
sns.barplot(x='Log Loss', y='Classifier', data=log, color="g")

plt.xlabel('Log Loss')
plt.title('Classifier Log Loss')
plt.show()
```