

Homework 12

Objective :

熟悉File、Array和Sort的用法。

Exercise :

12.1

在一個字串中，「未排序」的程度是以各字元間彼此的大小關係來計算的。例如在字串 DAABEC中，「未排序」的程度為5，因為D比它右邊的4個字元大，E比它右邊的1個字元大。而字串AACEDGG「未排序」的程度為1（幾乎是快排序好的，唯一的未排序發生在E和D之間），字串ZYXW「未排序」的程度為6（剛好是完全排序的相反）。現在你的任務是為許多的DNA字串來做排序。每個字串中僅含有A,C,G和T這4種字元。排序的原則是根據各字串「未排序」的程度，由小到大輸出，如程度相同以先讀入的字串優先輸出。在這裡每個字串的長度均為10，字串來源為附件 input12.txt。

Input12.txt:

```
AACATGAAGG
TTTTGGCCAA
TTTGGCCAAA
GATCAGATTT
CCCGGGGGGA
ATCGATGCAT
```

Output:

```
Output :
CCCGGGGGGA
AACATGAAGG
GATCAGATTT
ATCGATGCAT
TTTTGGCCAA
TTTGGCCAAA
```

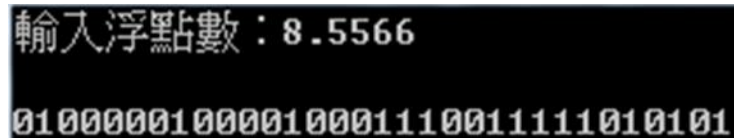
12.2

請設計一個程式能讓使用者輸入一個正的浮點數，
然後以IEEE-754浮點數(單精度-32bits)表示法輸出。
(注意：需實際去計算，不能用任何方式直接輸出)

Input:

8.5566

Output:



```
輸入浮點數：8.5566
0100000100001000111001111010101
```

繳交格式及規定：

輸出結果請按題目要求的格式呈現，不符合會扣分，
程式可讀性差者也會扣分。
程式重點地方請加註解，給分也會酌量參考註解。
請繳交 .c檔即可，**12.1**和**12.2**分開成兩個.c檔。
.c檔的檔名一律統一，以學號為檔名壓縮成一個以學號為名的壓縮檔上傳，
上傳請一律繳交壓縮檔。

Example:

若學號為B033040055，
則.c檔名為B033040055_12.1.c及B033040055_12.2.c，
而壓縮檔名為B033040055.rar。

繳交期限 **2014.12.25 (四)** 當天上課之前，逾期一律不收，
無輸入輸出及逾期者一律以0分計算。

作業請上傳至ftp:

ftp://140.117.168.23

帳號：student 密碼：4344