BDav-MI Bases de données avancées

Cours de Cristina Sirangelo
IRIF, Université Paris Diderot
Assuré en 2021-2022 par Amélie Gheerbrant
amelie@irif.fr

Évaluation et optimisation de requêtes

Sources (quelques slides empruntés et réadaptés) :

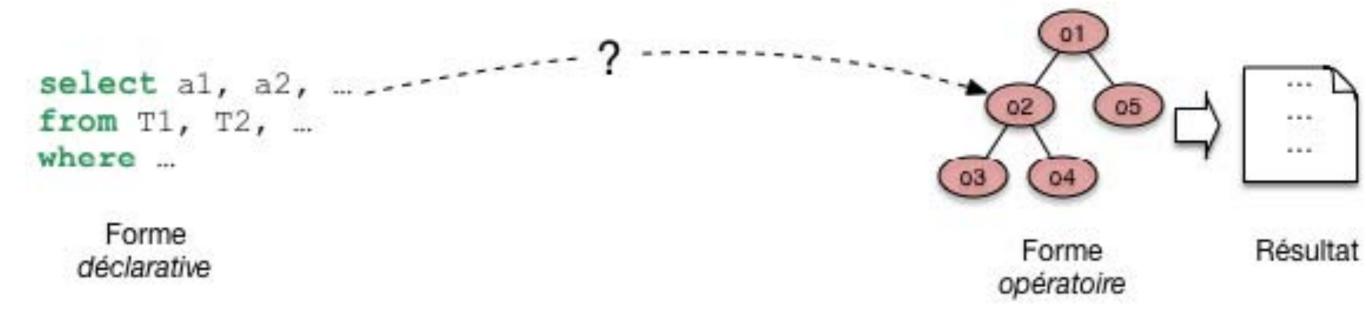
- MOOC DB, Philippe Rigaux, CNAM
- Cours Database systems principles H.G. Molina, Stanford Univ.
- Slides du livre Database systems concepts A. Silberschatz, Yale U. & H. Korth, Lehigh U. & S.Sudarshan, IIT Bombay

Requêtes et plans d'exécutions



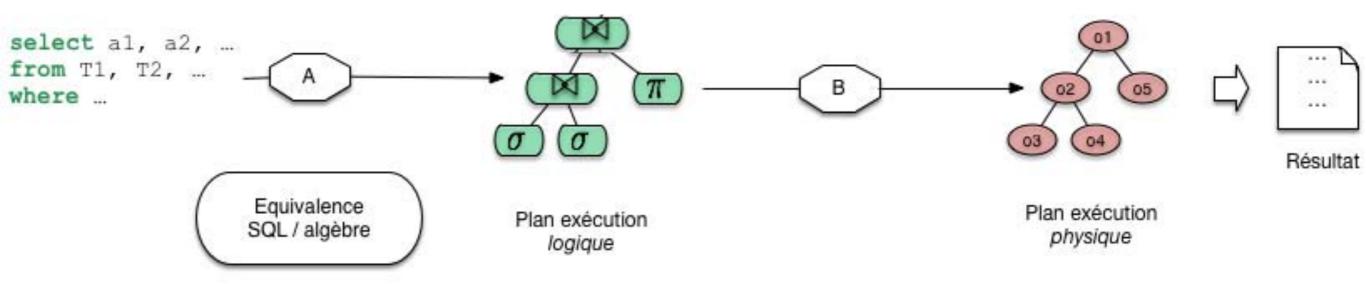
- Une requête SQL est déclarative. Elle ne dit pas comment calculer le résultat.
- Nous avons besoin d'une forme opératoire : un programme.

Requêtes et plans d'exécutions



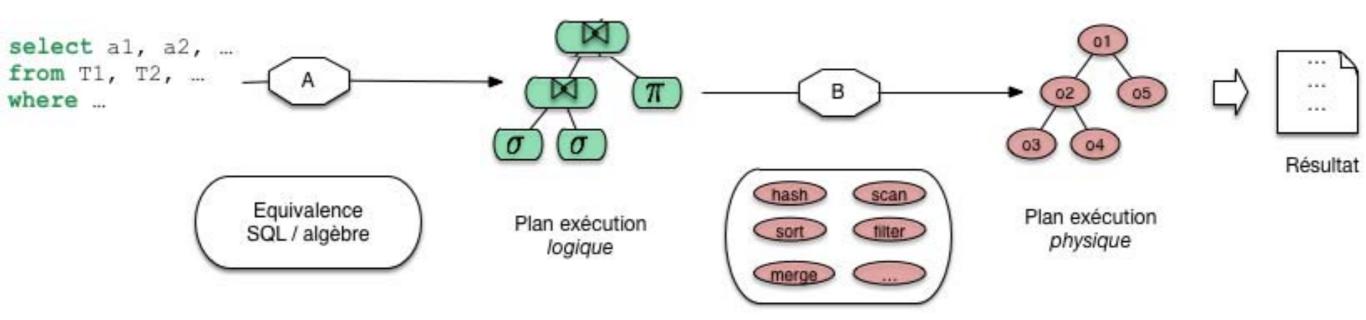
- Dans un SGBD le programme qui exécute une requête est appelé plan d'exécution.
- Il a une forme particulière : c'est un arbre, constitué d'opérateurs

De la requête au plan d'exécution



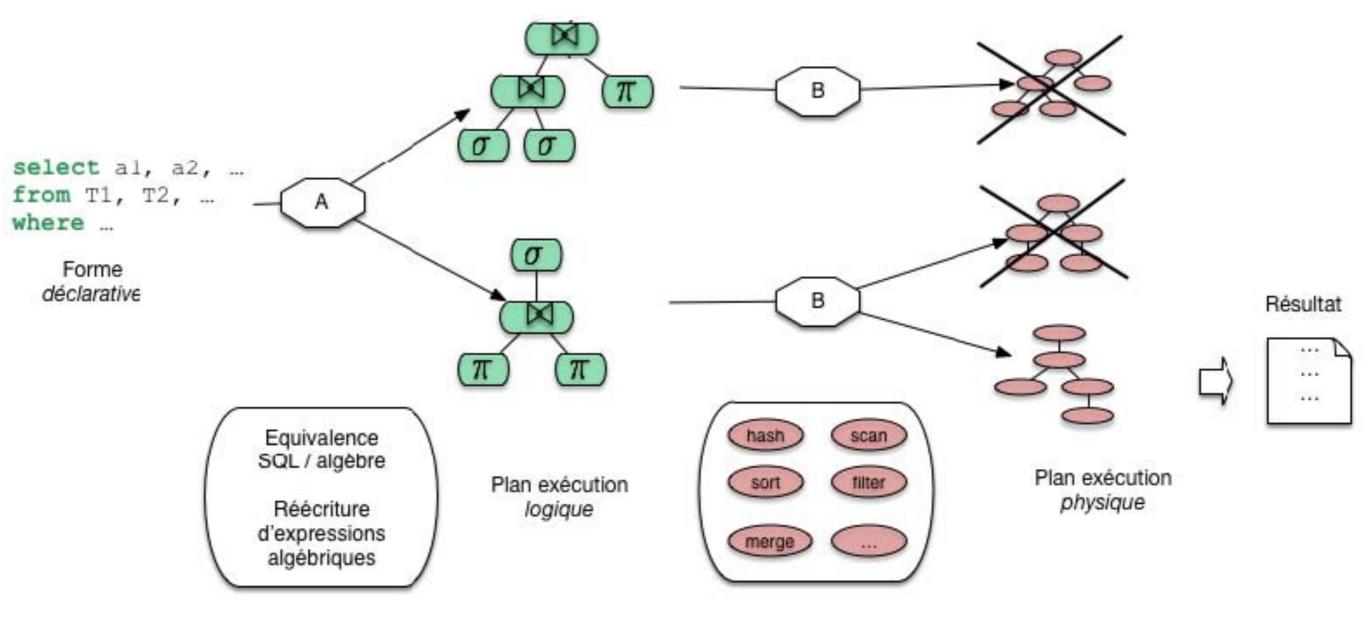
- Deux étapes :
 - (A) plan d'exécution logique (l'algèbre);
 - (B) plan d'exécution physique (opérateurs).

De la requête au plan d'exécution



- Opérateurs d'un plan d'exécution physique :
 - des algorithme spécifiques pour implementer certains opérateurs algébriques
 - hash-join, merge-join, ...
 - des opérateurs plus élémentaires, auxiliaires à l'implémentation des opérateur algébriques
 - sort, linear scan, index scan, filter, ...

Optimisation de requêtes : une vision d'ensemble



• À chaque étape, plusieurs choix. Le système les évalue et choisit le "meilleur"

Optimisation de requêtes : une vision d'ensemble

- Un trop grand nombre de plans d'exécution possibles!
 - pas envisageable d'évaluer chacun
 - techniques pour "couper" des branches de l'arbre de plans possibles
 - techniques exactes (programmation dynamique)
 - heuristiques
 - combinaison des deux

Évaluation d'un plan d'exécution : une vision d'ensemble

- Évaluation d'un plan : une mesure du coût de son exécution sur la BD
 - ▶ meilleur ⇔ moins coûteux
- Évaluation d'un plan physique : sans exécution!
 - Notion de coût fondée sur :
 - fonction de coût des algorithmes choisis
 - statistiques sur la taille des relations / fréquence des valeurs
 - stockées dans le catalogue de la BD
- Évaluation possible déjà au niveau des plans logiques
 - Motivation : couper "tôt" une branche de l'arbre des plans
 - Notion de coût fondée sur la taille des résultats intermédiaires

• Il s'agit d'estimations de coût : souvent suffisant comme critère d'évaluation

Plan

- Introduction
- Plans d'exécution logiques
- Plans d'exécution physiques
 - Implémentations des opérateurs algébriques
 - Implémentation des expressions algébriques
- Evaluation des plans d'exécution
- Optimisation

Plans d'exécutions logiques

- Une requête SQL est traduite dans une expression de l'algèbre appelée plan d'exécution logique
- **Exemple** : le nom des enseignants du département d'informatique avec l'intitulé des cours qu'ils enseignent

```
SELECT nom, intitule

FROM Enseignant NATURAL JOIN Enseigne NATURAL JOIN Cours

WHERE dpt = 'Info'
```

 $\Pi_{\text{nom, intitule}}$ ($\sigma_{\text{dpt}} = \text{'Info'}$ (Enseignant \bowtie (Enseigne \bowtie (Cours))))

Langage pour les expressions algébrique : algèbre relationnelle étendue
 (multi-ensembles, élimination des doublons, ordre, agrégats et regroupement, ...)

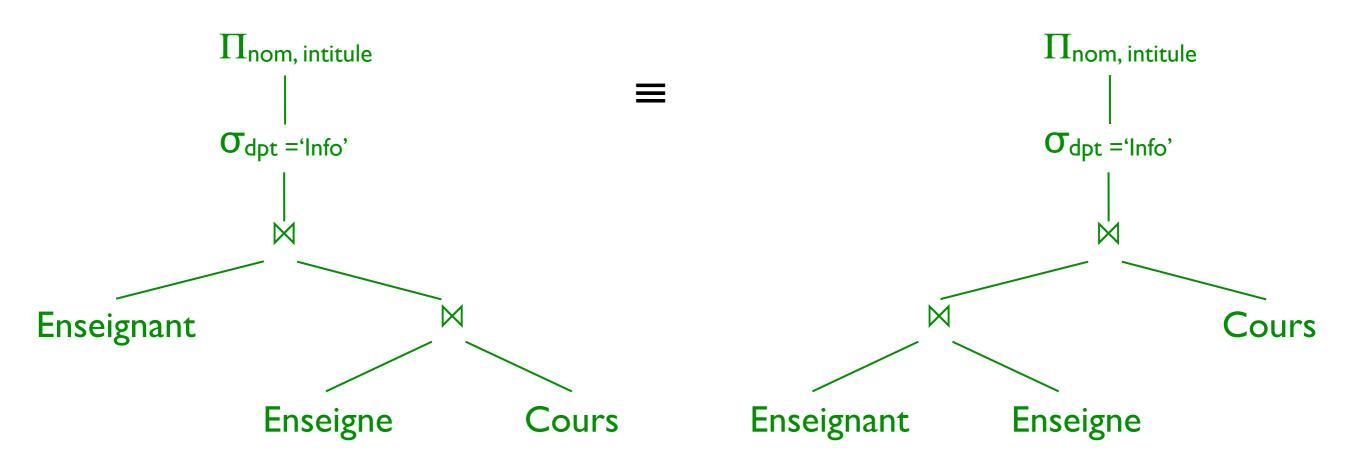
Plans d'exécutions logiques : structure d'arbre

• On voit un plan d'exécution logique comme un arbre : l'arbre de "parsing" de l'expression

 $\Pi_{\text{nom, intitule}}$ ($\sigma_{\text{dpt}} = \text{'Info'}$ (Enseignant \bowtie (Enseigne \bowtie (Cours)))) $\Pi_{\text{nom, intitule}}$ σ_{dpt} ='Info' W Enseignant Enseigne Cours

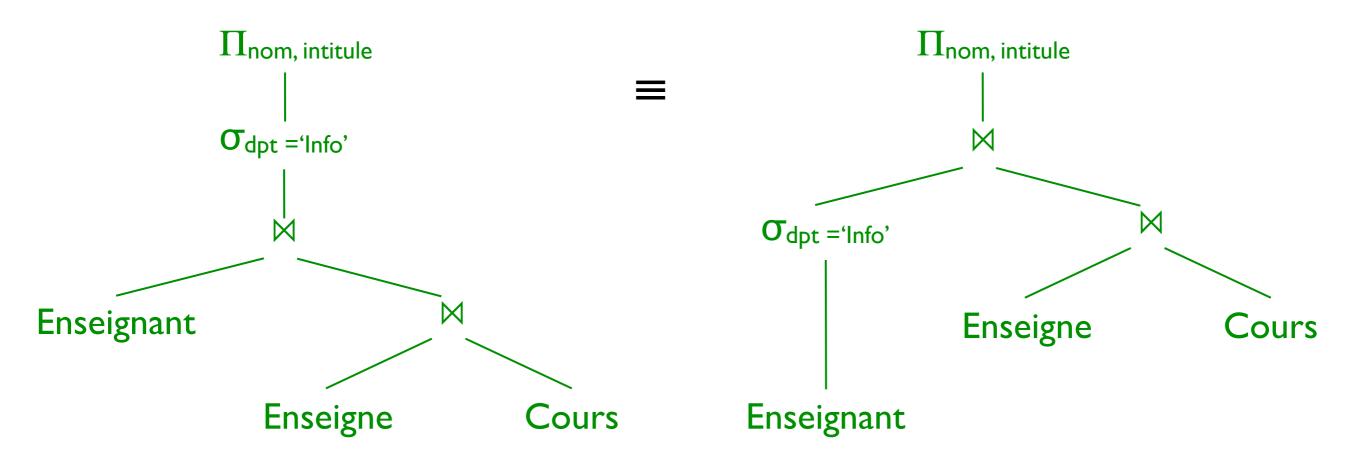
Plans d'exécutions logiques : équivalence

- Plusieurs plans d'exécution possibles pour la même requête SQL
 - deux plans d'exécution sont équivalents s'ils définissent la même requête (i.e. pour tout BD d'input il produisent le même output)



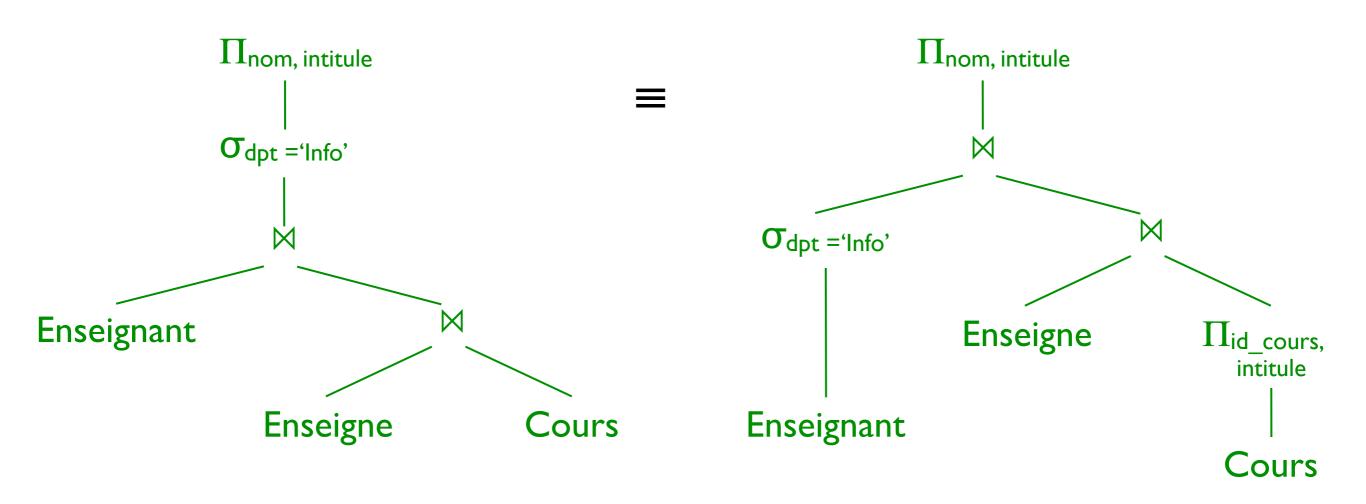
Plans d'exécutions logiques : équivalence

- Plusieurs plans d'exécution possibles pour la même requête SQL
 - deux plans d'exécution sont équivalents s'ils définissent la même requête (i.e. pour tout BD d'input il produisent le même output)



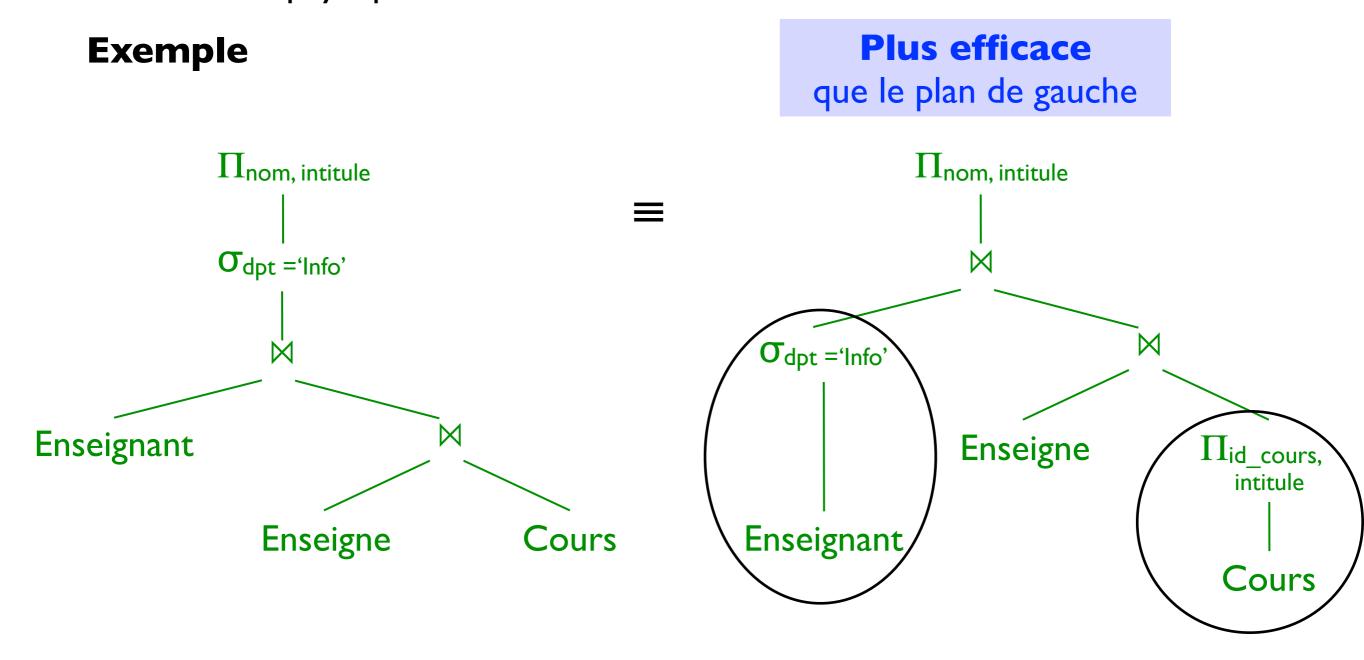
Plans d'exécutions logiques : équivalence

- Plusieurs plans d'exécution possibles pour la même requête SQL
 - deux plans d'exécution sont équivalents s'ils définissent la même requête (i.e. pour tout BD d'input il produisent le même output)



Pourquoi considérer plusieurs plans logiques possibles?

 Certains plans logiques sont plus susceptibles que d'autres de générer des plans d'exécutions physiques efficaces



sélections et projections appliquées dès que possible réduisent la taille des relations sur lesquelles on fait des jointures

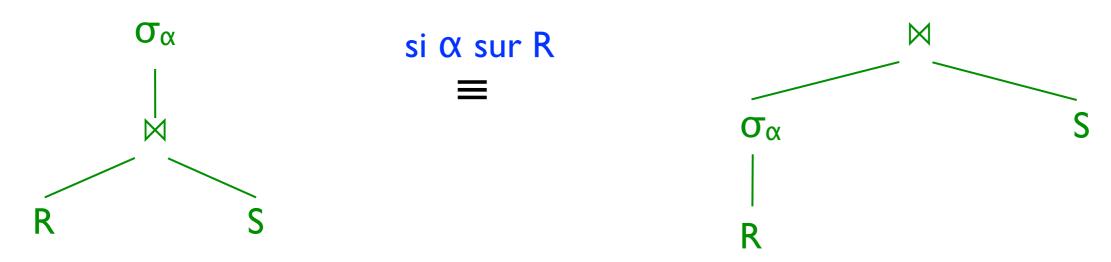
Règles de réécriture algébrique

- Un certain nombre de règles peuvent être appliquées pour réécrire un plan logique en un autre plan logique équivalent
 - But : énumérer tous (ou un nombre suffisant) de plans logiques alternatifs, par applications successives des règles
- Quelques unes des règles les plus importantes :
- I. $R \bowtie S \equiv S \bowtie R$
- 2. $R \bowtie (S \bowtie T) \equiv (R \bowtie S) \bowtie T$
- 3. σ_{α} (R \bowtie S) = σ_{α} (R) \bowtie S si α concerne uniquement des attributs de R
- 4. $\Pi_{AR,AS}$ (R \bowtie S) = $\Pi_{AR,AS}$ ($\Pi_{AR,AJ}$ (R) \bowtie $\Pi_{AS,AJ}$ (S)) AR (AS) : attributs de R (S) AJ : attributs de jointure
- 5. $\sigma_{\Theta_1 \wedge \Theta_2}(R) = \sigma_{\Theta_1}(\sigma_{\Theta_2}(R))$
- 6. σ_{α} (R × S) = R \bowtie_{α} S
- 7. σ_{α} (R \bowtie_{Θ} S) = R $\bowtie_{\alpha \land \Theta}$ S

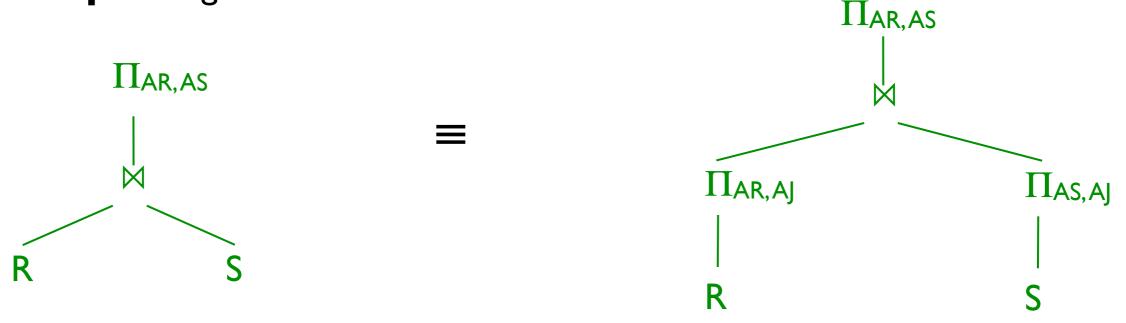
et bien d'autres....

Règles de réécriture vues sur les arbres

Exemple : règle 3



• **Exemple** : règle 4



- L'équivalence de deux expression ne dit pas laquelle est la meilleure (dans les deux cas ci-dessus en générale celle de droite, mais pas toujours...)
- c'est le rôle de l'optimisation de faire les bons choix de réécriture (cf. plus loin)

Plan

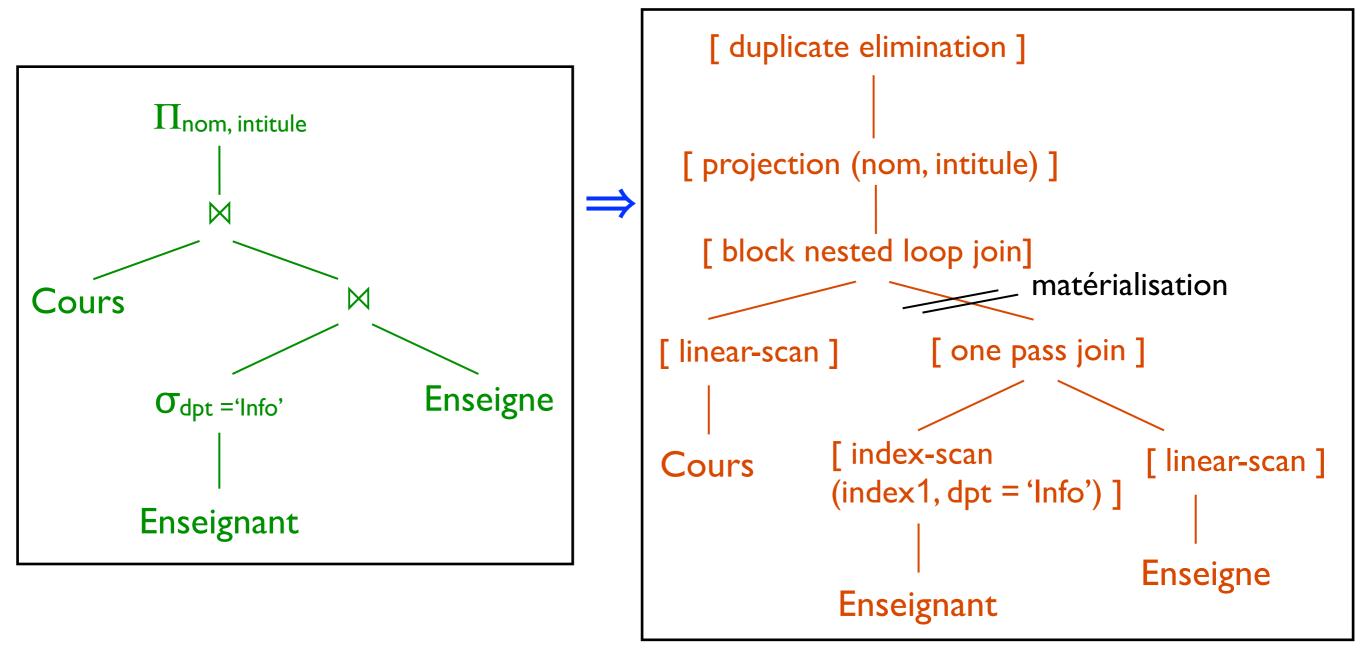
- Introduction
- Plans d'exécution logiques
- Plans d'exécution physiques
 - limplémentations des opérateurs algébriques
 - Implémentation des expressions algébriques
- Evaluation des plans d'exécution
- Optimisation

Plans d'exécution physiques

- Un plan d'exécution physique est obtenu d'un plan logique en choisissant :
 - les algorithmes pour chaque opérateur algébrique
 - des opérateurs physiques auxiliaires (sort, filter, duplicate elimination ...)
 - la façon des différents opérateurs d'une expression d'échanger les données

Plans d'exécution physiques

Exemple de plan physique obtenu d'un plan logique

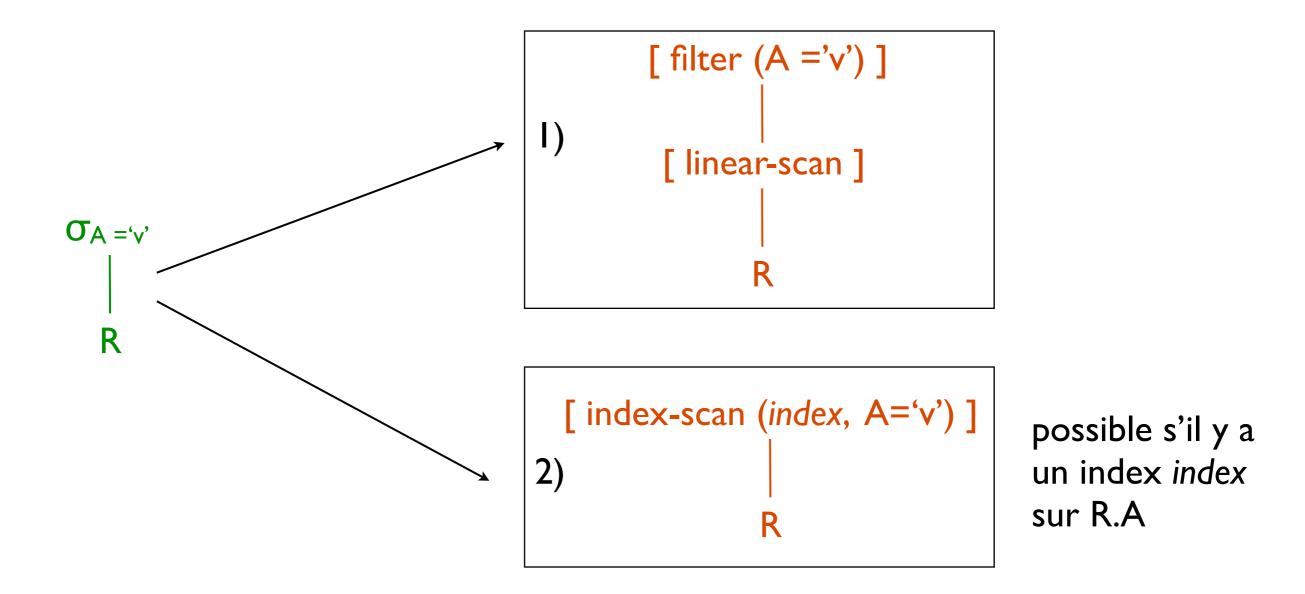


 Chaque SGBD a son ensemble d'opérateurs physiques et sa syntaxe pour les représenter

Plan

- Introduction
- Plans d'exécution logiques
- Plans d'exécution physiques
 - Implémentations des opérateurs algébriques
 - Implémentation des expressions algébriques
- Evaluation des plans d'exécution
- Optimisation

Sélection avec condition d'égalité



- I. Parcourir tous les tuples de R (linear scan); sur chacun évaluer la condition; retenir celles qui la satisfont (filter)
- 2. Effectuer une recherche de la clef 'v' dans l'index R.A; accéder aux tuples de R référencés dans l'index

Sélection avec condition d'égalité

Coût des implémentations (mesure de coût : nombre d'accès aux blocs du disque)

linear scan : B_R

• index scan :

beaucoup plus efficace que linear scan

B_R: nombre de blocs de R

h_I: hauteur de l'index

B_v: nombre de blocs de R contenant les

tuples de clef 'v'

n_v: nombre de tuples de R de clef 'v'

index secondaire : h_I + n_V
 coût potentiellement plus élevé que avec *linear scan* (le même bloc peut devoir être chargé plusieurs fois)

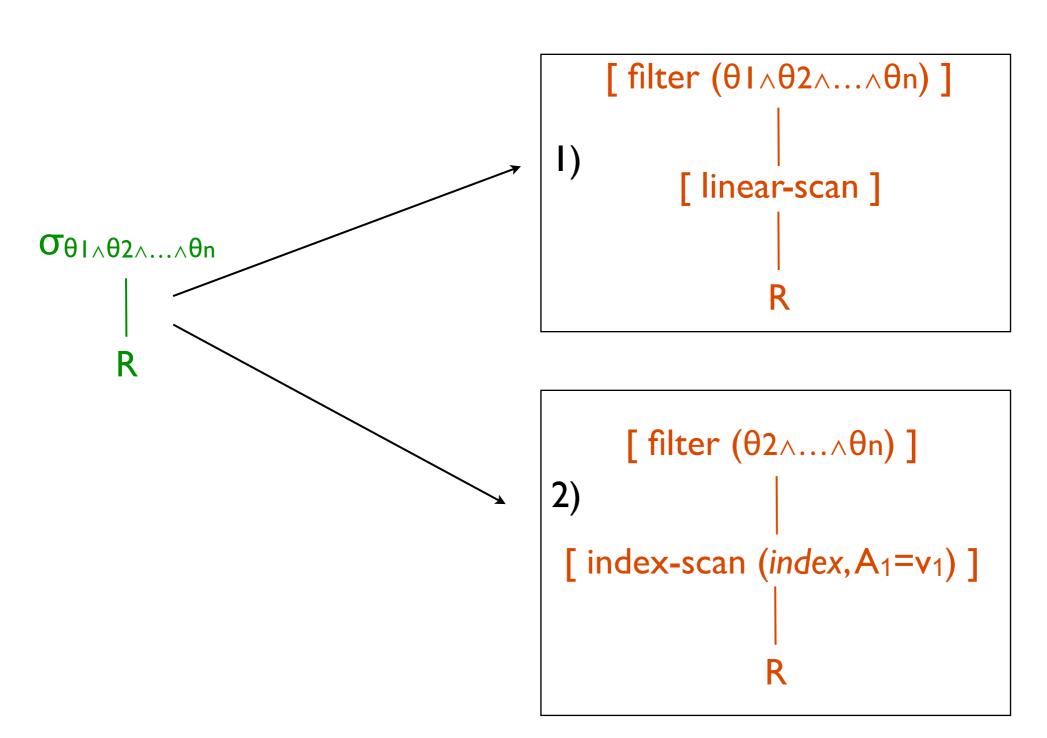
Sélection avec une condition d'inégalité (A > v)

- Similaire au cas de condition d'égalité
 - index scan possible s'il y a un index B+-tree sur R.A :
 - Effectuer une recherche de la clef v, et ensuite toutes les clefs > v dans le B+-tree R.A;
 - accéder aux tuples de R référencés dans l'index

Sélection avec condition conjonctive

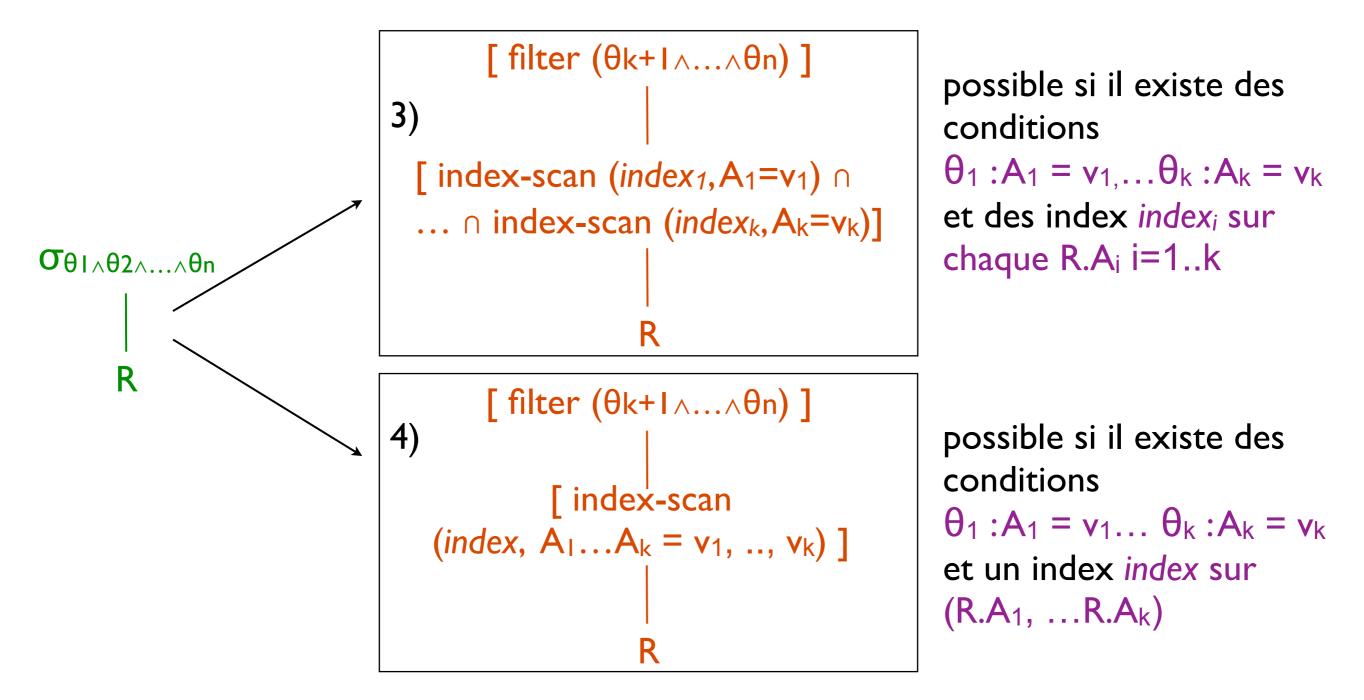
Plusieurs choix possibles.

L'optimiseur évalue le coût de chacune et choisit la meilleure



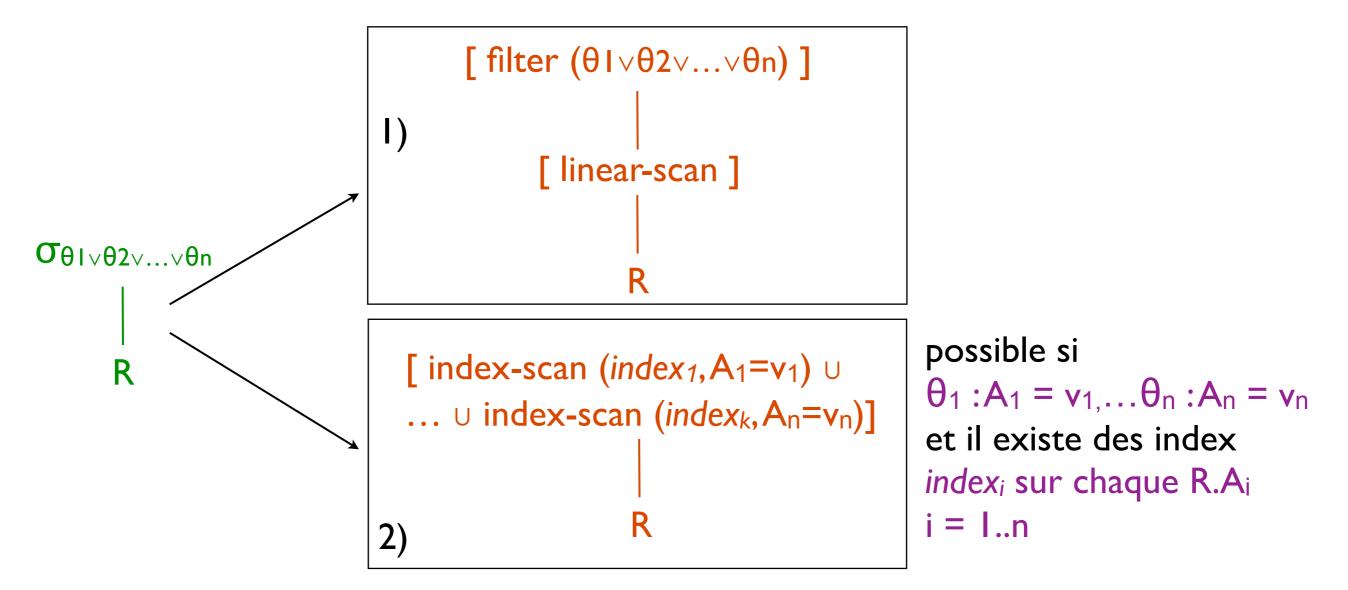
possible si il existe une condition $\theta 1 : A_1 = v_1$ et un index index sur R.A₁

Sélections avec condition conjonctive



- 3) fait l'intersection au niveau des pointeurs à n-uplets, avant de récupérer les n-uplets dans le fichier de données
- 4) également possible s'il existe une condition Ai =Aj où Ai, Aj font partie d'un index

Sélections avec condition disjonctive



2) fait l'union au niveau des pointeurs à n-uplets, avant de récupérer les n-uplets dans le fichier de données.

Si au moins un des Ai n'a pas d'index associé, un parcours linéaire serait nécessaire sur R pour tester Ai = vi \Rightarrow solution I. plus efficace

Opérateurs auxiliaires : tri et hachage d'une relation

- L'implémentation de beaucoup d'autres opérateurs algébriques nécessite de techniques pour "regrouper" les tuples d'une table ayant la même valeur d'un (ou plusieurs) attribut(s)
 - Exemples: jointure, projection (élimination des doublons), group by, ...
- Deux techniques principales :
 - tri
 - hachage

Tri d'un fichier de données

 But : produire les tuples d'un fichier de données triés par la valeur d'un ou plusieurs attributs

- Tri en mémoire externe
 - (fichier de données en general trop grand par rapport à la mémoire principale)
 - différent par rapport aux algos de de tri d'un tableau en memoire principale :
 - accès au fichier de données un certain nombre de blocs à la fois
 - typiquement accès séquentiel au fichier pour plus d'efficacité
 - utilisation d'un buffer de M blocs en mémoire interne
 - Variantes du tri fusion (la fusion peut être réalisée efficacement en accès séquentiel)

Tri en memoire externe

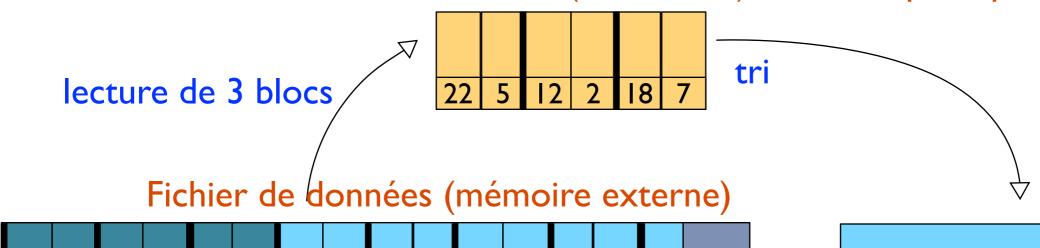
Principe:

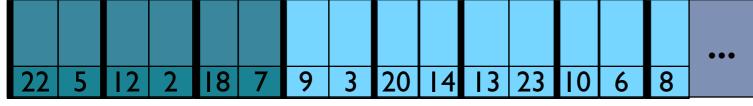
- Charger dans le buffer en mémoire interne des "segments" du fichier à trier
- Trier les segments en mémoire interne et les recopier en mémoire externe
- "Fusionner" les segments triés en mémoire externe k à k en créant des segments triés plus gros
- Réitérer les fusions jusqu'à obtenir un seul segment trié

Deux phases

- I. Production des segments triés
- 2. Fusion des segments triés





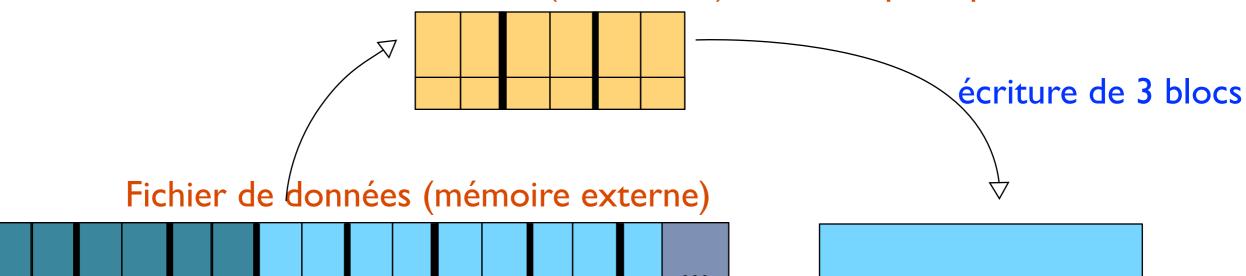


Tant qu'il reste des blocs à lire dans le fichier de données

- lire les M prochains blocs du fichier de données dans le buffer (ou ceux qui restent, si moins que M)
- trier les tuples dans le buffer en mémoire principale
- écrire le segment trié de M blocs en memoire externe

segments triées (mémoire externe)

BUFFER (M=3 blocs) memoire principale

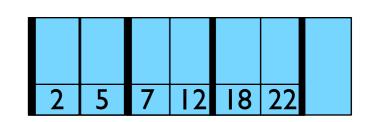


Tant qu'il reste des blocs à lire dans le fichier de données

3 20 14 13 23 10 6

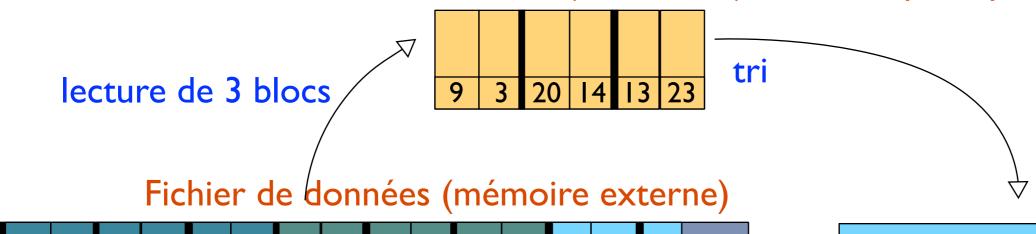
- lire les M prochains blocs du fichier de données dans le buffer (ou ceux qui restent, si moins que M)
- trier les tuples dans le buffer en mémoire principale
- écrire le segment trié de M blocs en memoire externe

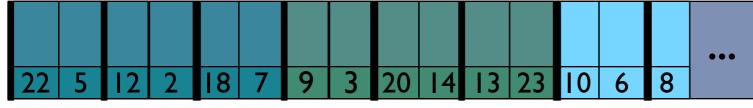




segments triées (mémoire externe)

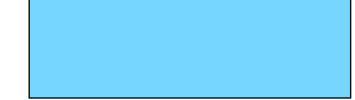


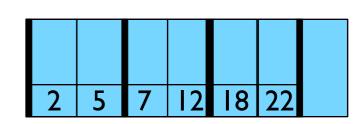




Tant qu'il reste des blocs à lire dans le fichier de données

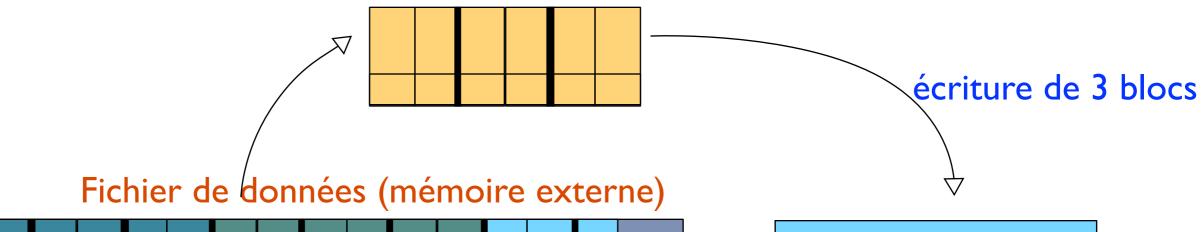
- lire les M prochains blocs du fichier de données dans le buffer (ou ceux qui restent, si moins que M)
- trier les tuples dans le buffer en mémoire principale
- écrire le segment trié de M blocs en memoire externe

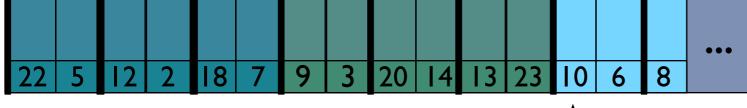




segments triées (mémoire externe)

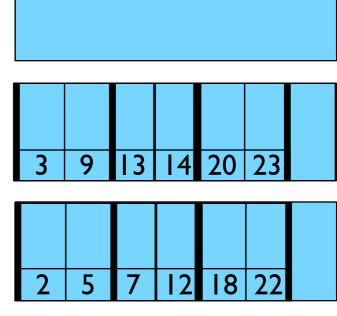






Tant qu'il reste des blocs à lire dans le fichier de données

- lire les M prochains blocs du fichier de données dans le buffer (ou ceux qui restent, si moins que M)
- trier les tuples dans le buffer en mémoire principale
- écrire le segment trié de M blocs en memoire externe



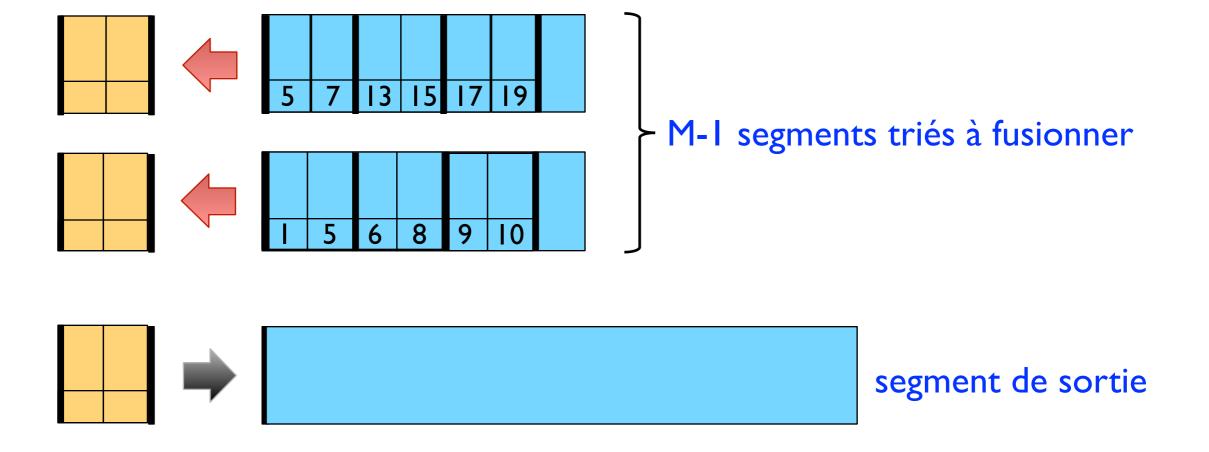
segments triées (mémoire externe)

- Coût:
 - 2 B_R opérations d'entré-sortie (B_R lectures, B_R écritures)
 - ► B_R / M tris internes

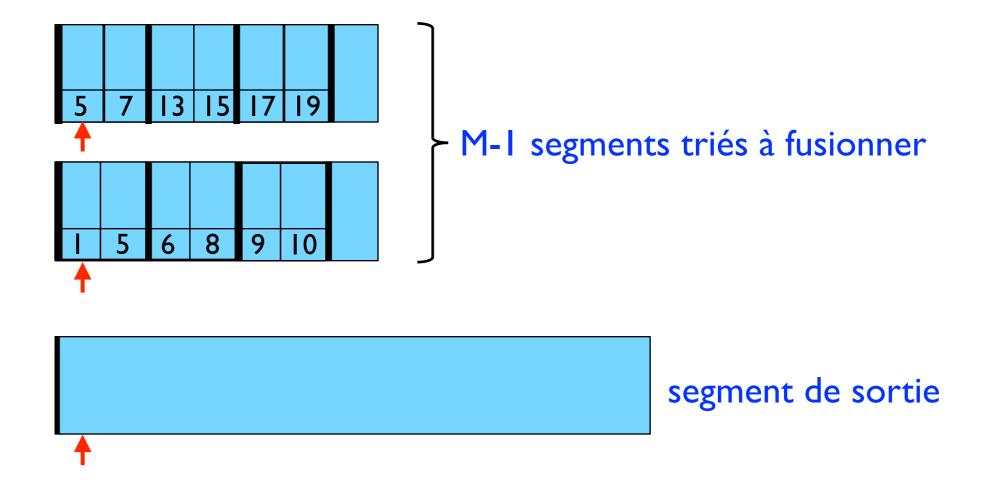
- Résultat :
 - ► □ BR / M □ segments triés de taille au plus M

On utilise un bloc du buffer pour chaque segment trié (lecture du segment, un bloc à la fois) et un bloc pour le segment de sortie (écriture du segment, un bloc à la fois)

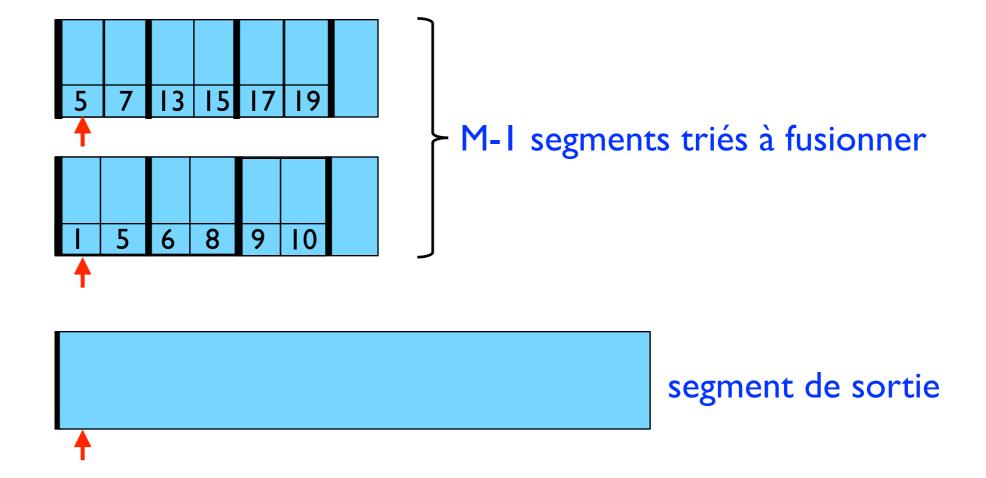
=> au plus M-I à la fois segments peuvent être fusionnés



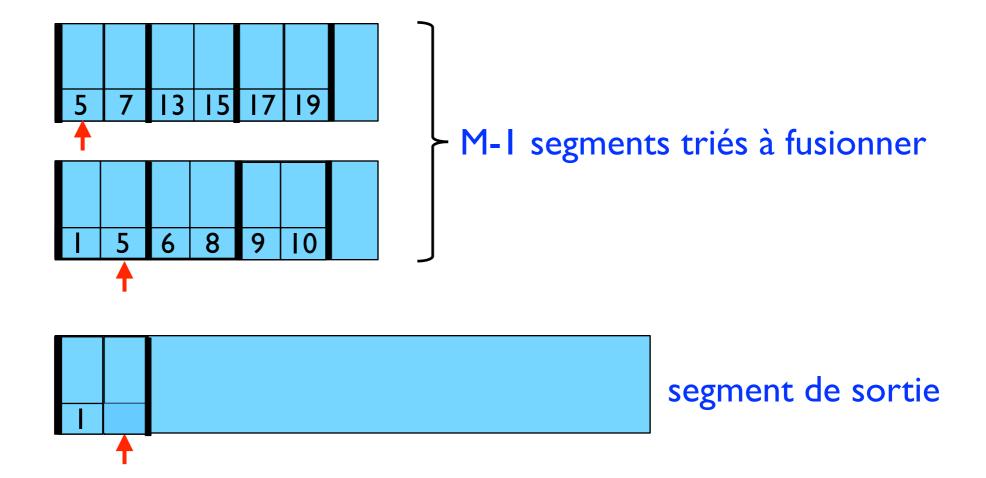
On fait abstraction des chargements / déchargements des blocs en memoire centrale : on imagine avoir une tête de lecture disponible sur chaque segment à fusionner et une tête d'écriture sur le segment de sortie



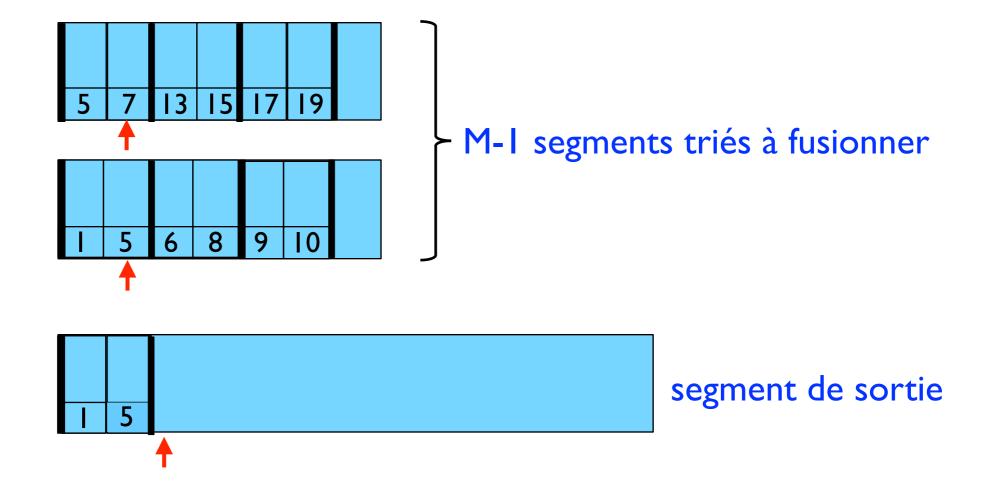
- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu



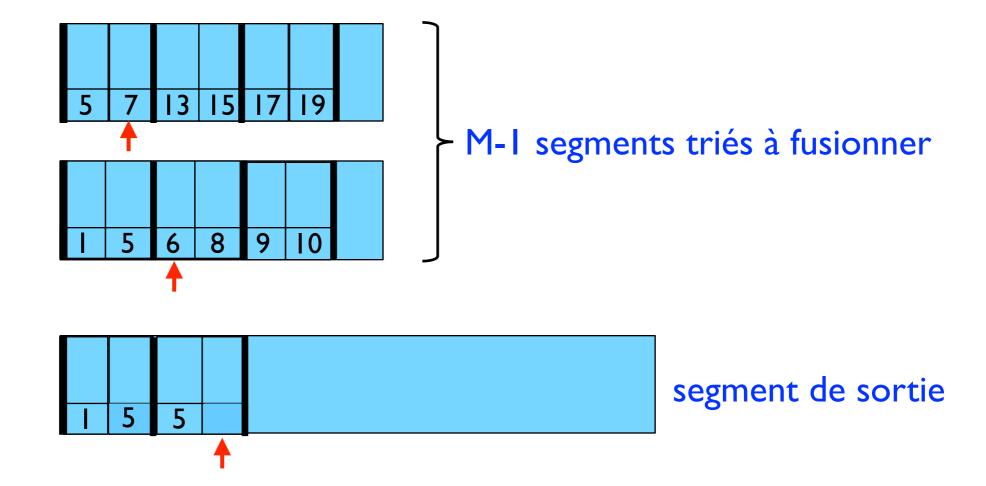
- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- la faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu



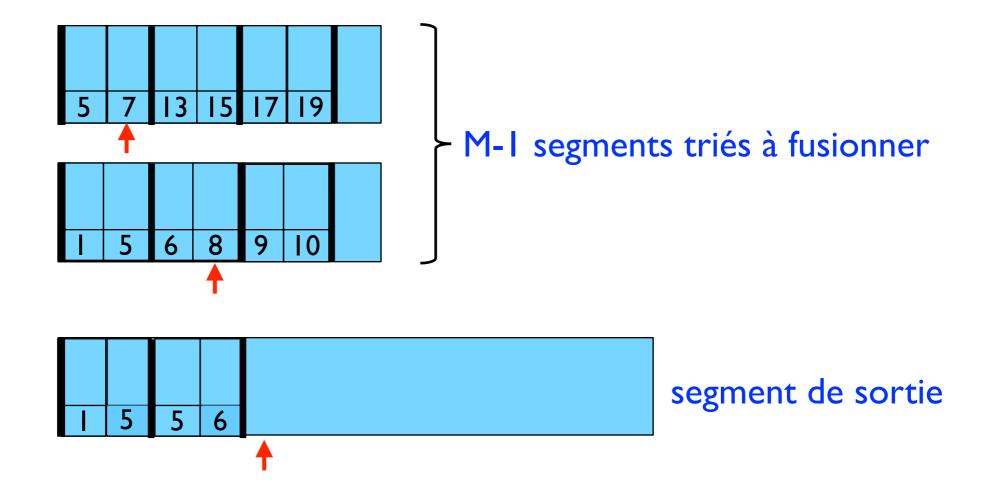
- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- la faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu



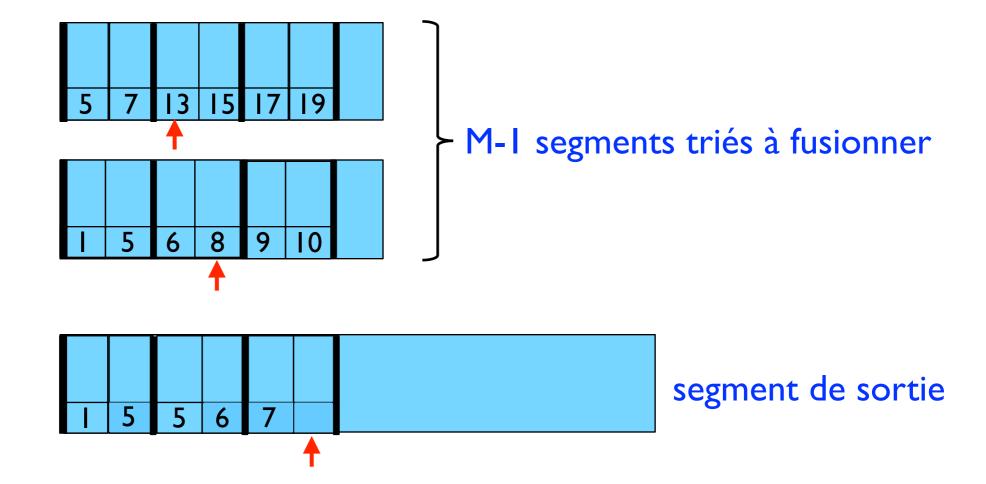
- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu



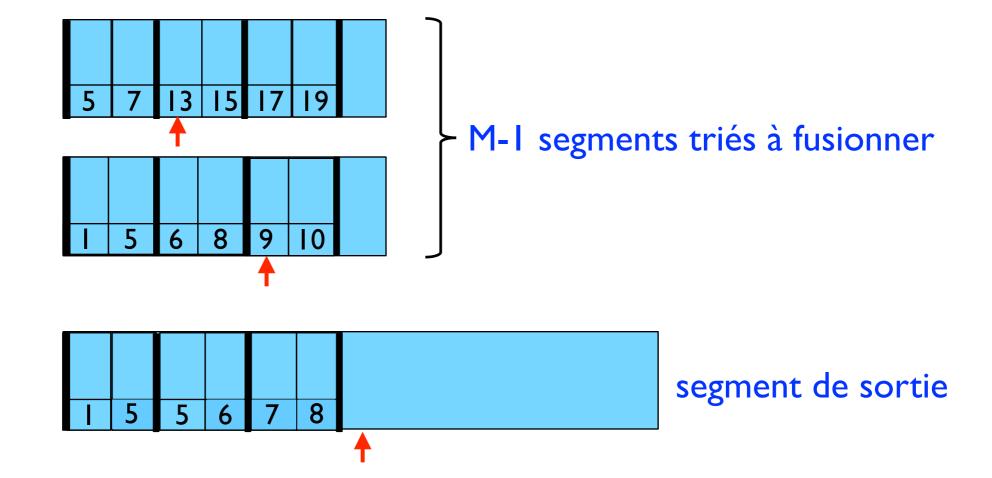
- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu



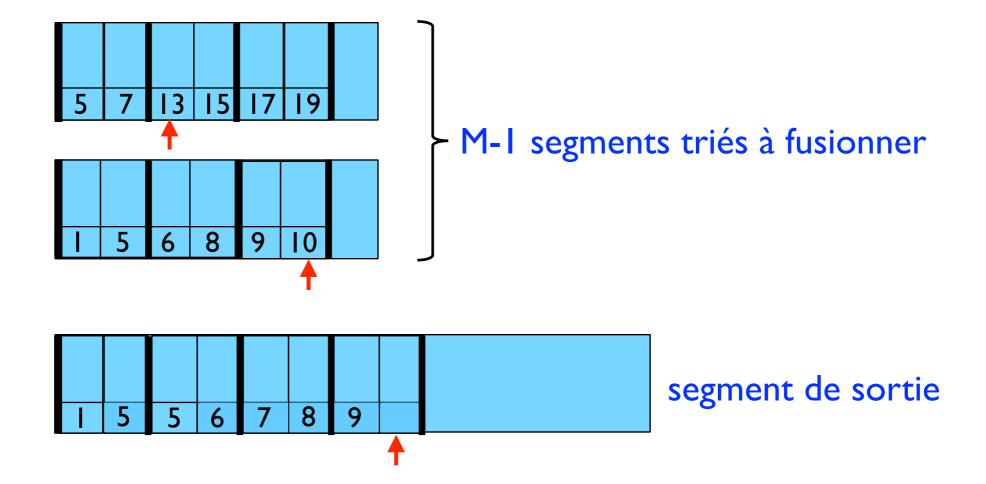
- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu



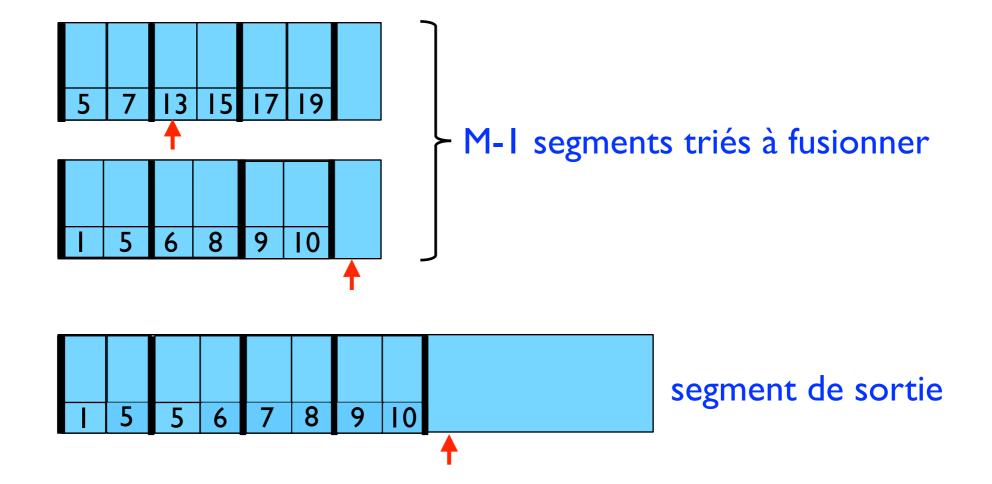
- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu



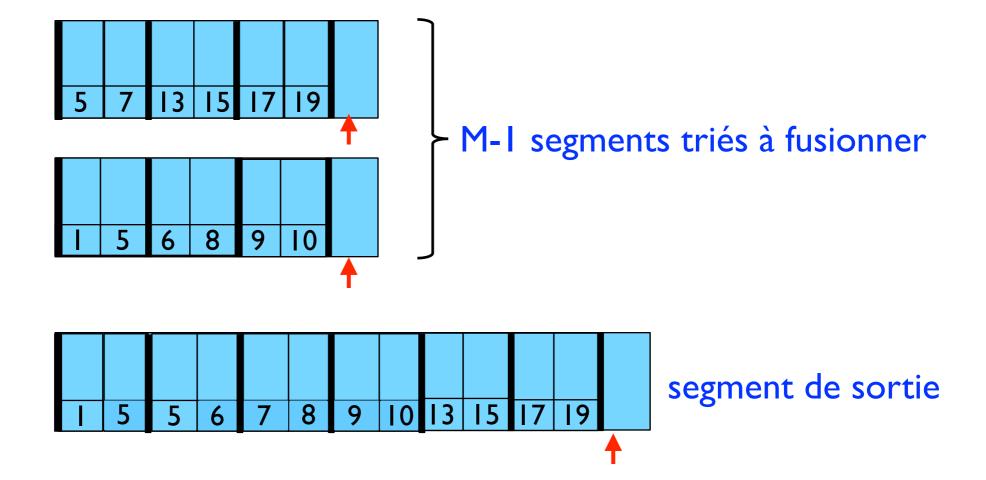
- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu



- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu

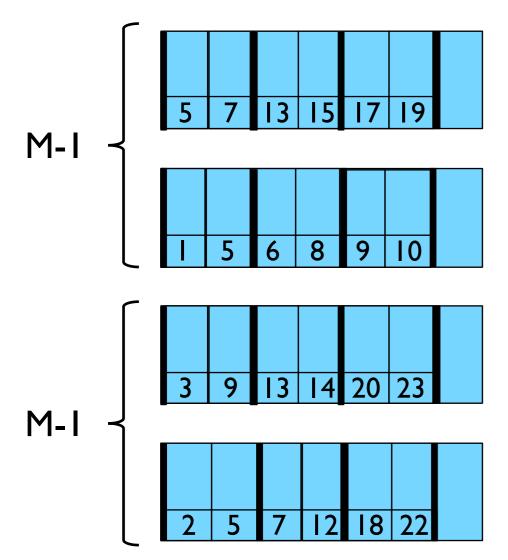


- choisir la plus petite clef sous une tête de lecture
- la copier dans le bloc d'output
- faire avancer la tête d'écriture ainsi que la tête de lecture du segment lu



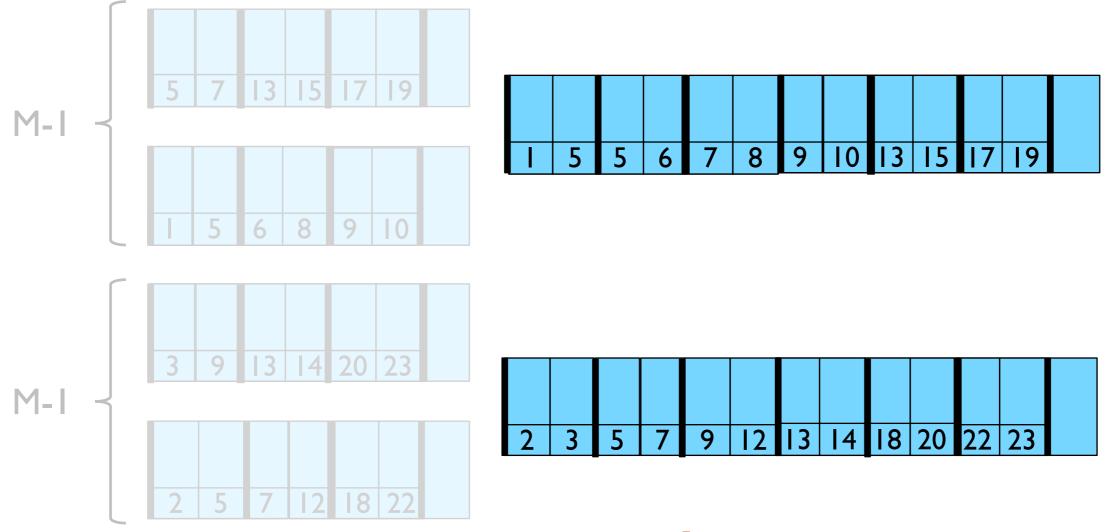
Tant qu'il existe N > I segments triés

- Exécuter une passe de fusion :
 - fusionner les N segments triés, M-1 à la fois
 - Résultat de la passe : $\lceil N / (M-I) \rceil$ segments triés de taille double



Tant qu'il existe N > I segments triés

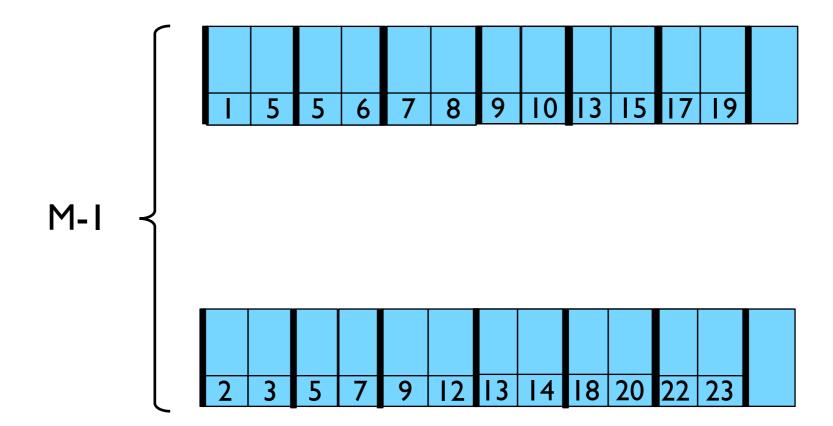
- Exécuter une passe de fusion :
 - fusionner les N segments triés, M-1 à la fois
 - Résultat de la passe : $\lceil N / (M-I) \rceil$ segments triés de taille double



Première passe de fusion

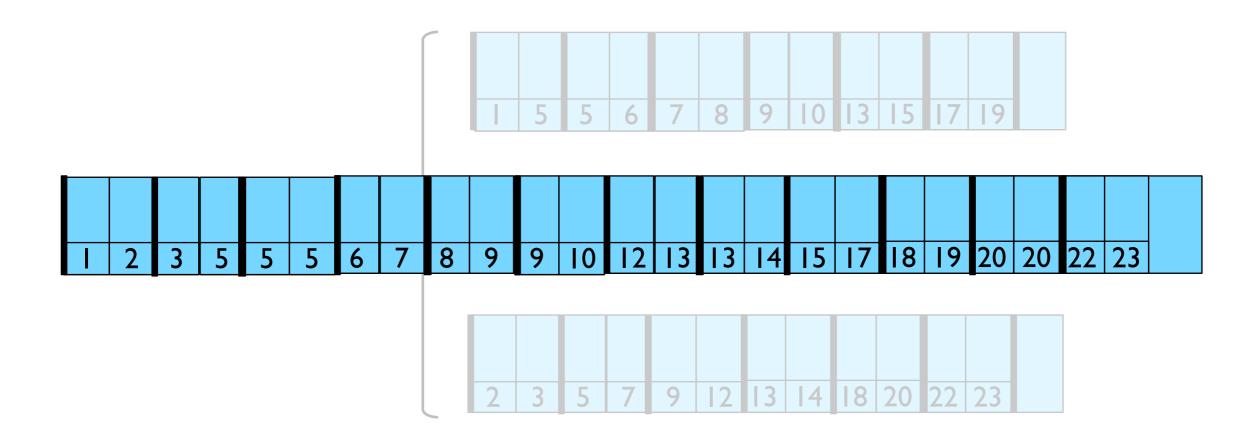
Tant qu'il existe N > I segments triés

- Exécuter une passe de fusion :
 - fusionner les N segments triés, M-1 à la fois
 - Résultat de la passe : $\lceil N / (M-I) \rceil$ segments triés de taille double



Tant qu'il existe N > I segments triés

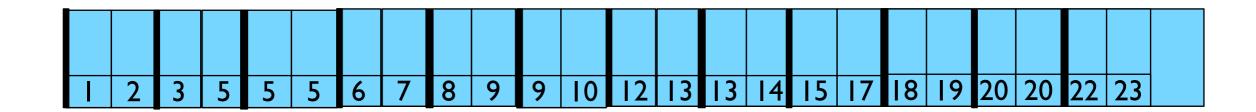
- Exécuter une passe de fusion :
 - fusionner les N segments triés, M-1 à la fois
 - Résultat de la passe : $\lceil N / (M-I) \rceil$ segments triés de taille double



Deuxième passe de fusion

Tant qu'il existe N > I segments triés

- Exécuter une passe de fusion :
 - fusionner les N segments triés, M-1 à la fois
 - Résultat de la passe : $\lceil N / (M-I) \rceil$ segments triés de taille double



Un seul segment trié ⇒ FIN

- Nombre de segments initial : [B_R / M]
- Chaque passe réduit le nombre de segments d'un facteur M-I
- \Rightarrow après $\lceil \log_{M-1} (B_R / M) \rceil$ passes, on obtient un seul segment trié

- Coût de la fusion
 - $\lceil \log_{M-1} (B_R / M) \rceil \cdot \text{coût d'une passe} \rceil$
- Coût d'une passe de fusion : tous les blocs des segments fusionnés sont lus une fois et écrits une fois : 2B_R

Coût du tri en mémoire externe

- Coût de production des segments triés : $\frac{2}{8}$ B_R (B_R lectures, B_R écritures)
- Coût d'une passe de fusion
 - ▶ 2 B_R (B_R lectures et B_R écritures)
- Coût de la fusion
 - $Arr log_{M-1} (B_R / M)
 Arr \cdot 2 B_R$

Coût du tri (production des segments triés + fusion)

 \triangleright 2 B_R + $\lceil \log_{M-1} (B_R / M) \rceil \cdot 2 B_R$

L'écriture du dernier segment trié (coût B_R) est économisée si le résultat n'est pas matérialisé

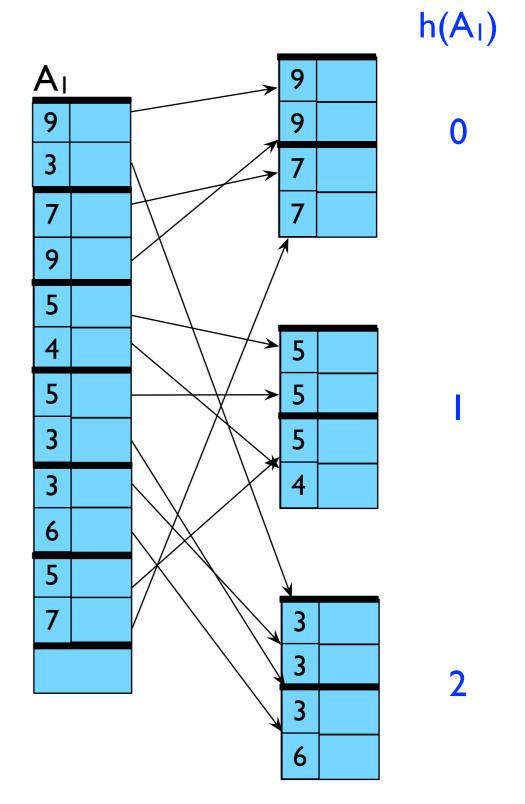
Hachage d'un fichier de données

• **But**: partitionner les tuples d'un fichier de données sur la base d'un ensemble d'attributs $A_1...A_n$ (Exemple n=1)

- Utiliser une fonction de hachage h définie sur le domaine de A₁...A_n
- Dans la partition i: les tuples t tels que $h(t[A_1...A_n]) = i$

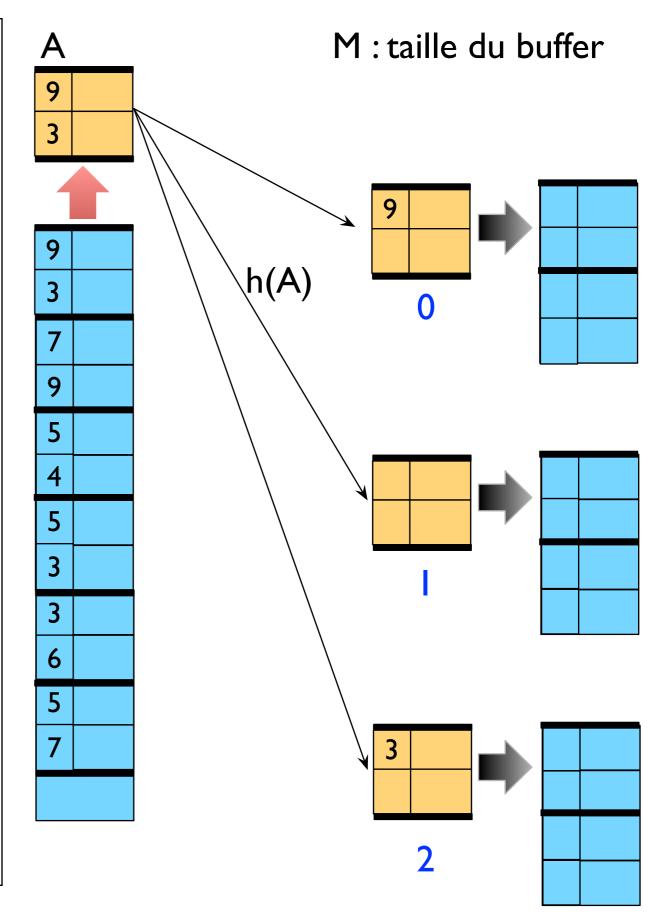
Remarque

- les tuples avec la même valeur des attributs A₁...A_n sont placés dans la même partition
- une partition peut contenir des tuples avec différents valeurs de A₁...A_n



Hachage d'un fichier de données

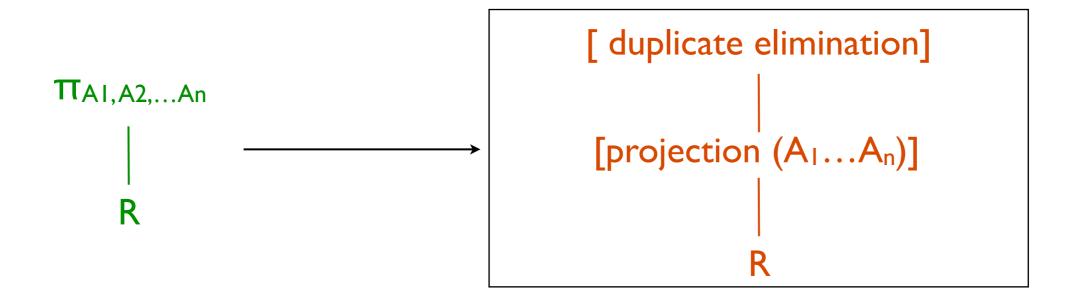
- Implémentation :
 - un bloc du buffer alloué à l'input
 - un bloc du buffer alloué
 à chaque partition
- Génère au plus M-1 partitions
- Pour obtenir N ≥ M partitions : partition récursive
 - générer M-I partitions en une passe
 - tant que le nombre de part. < N</p>
 - re-hacher chaque partition
 en M-I nouvelles partitions
 - utiliser une fonction de hachage différente à chaque passe



Coût du hachage

- Chaque passe lit une fois et écrit une fois tous les blocs du fichier ⇒
 - coût d'une passe : 2 B_R
- Chaque passe multiplie le nombre de partions par M-I ⇒
 - ▶ nombre de passes pour obtenir au moins N partitions : $\lceil \log_{M-1} N \rceil$
- Coût pour au moins N partitions : 2 B_R · 「log_{M-1} N]

Projection



• Élimination des doublons nécessaire sous sémantique ensembliste de la projection (correspondante à SELECT DISTINCT en SQL)

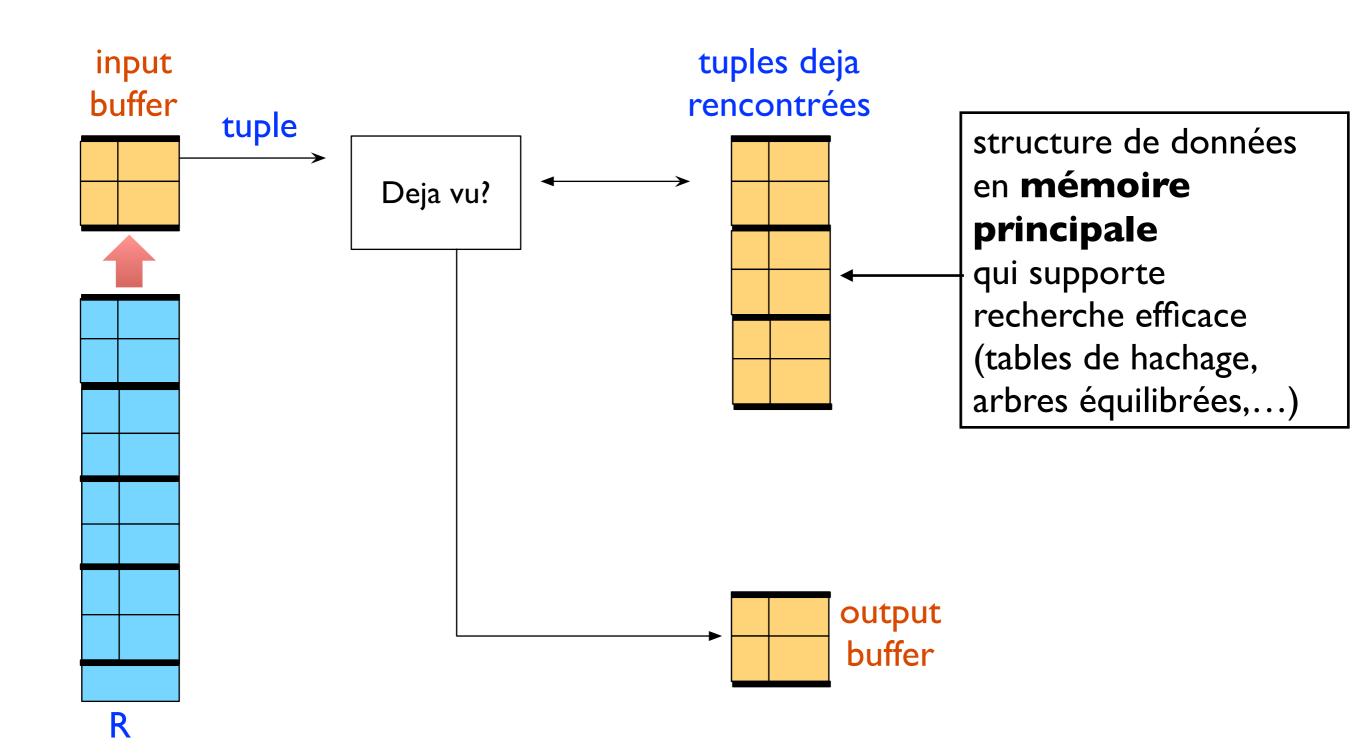
Elimination des doublons : implementations possibles

I. Par tri

- effectuer un tri externe sur tous les attributs
- pendant la phase de fusion du fichier, les doublons des segments fusionnés apparaissent proches
 - à chaque fusion copier dans l'output un seul des doublons
- ▶ le même coût que le tri : $2 B_R + \lceil \log_{M-1} (B_R / M) \rceil \cdot 2 B_R$

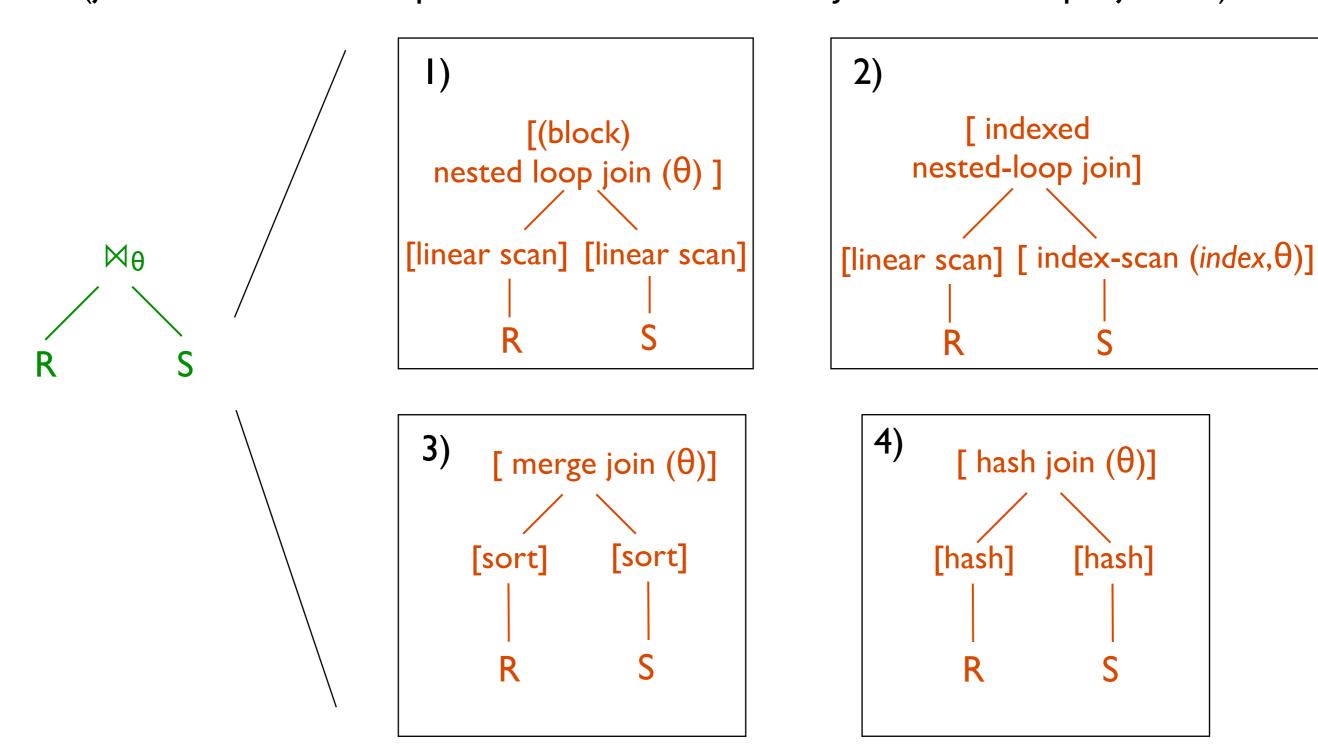
Elimination des doublons : implementations possibles

2. En une seule passe, si le nombre de tuples distincts de la relation occupe moins que M-2 blocs (M = nombre de blocs dans le buffer)



Jointure

• Implementations du theta-join (jointure naturelle : implémentée comme un theta-join suivi d'une projection)



Nested loop join

- Implémentation la moins efficace
- Générale : applicable avec des condition de jointure arbitraires

pour tout tuple t_R dans R **pour tout** tuple t_S dans Stester si $(t_R, t_S) \models \theta$ si oui, ajouter $t_R \cdot t_S$ au résultat

• Coût:

$$B_R + n_R \cdot B_S$$

- n_R, n_S: nombre de tuples de R, S, B_R, B_S: nombre de blocs de R, S
- parcours linéaire de R (B_R)
 - pour chaque tuple dans R, un scan complet de S
- on ne compte pas le coût d'écriture du résultat sur disque
- en générale plus efficace si la relation externe est la plus petite

Nested loop join

pour tout tuple t_R dans R **pour tout** tuple t_S dans Stester si $(t_R, t_S) \models \theta$ si oui, ajouter $t_R \cdot t_S$ au résultat

• Amelioration:

• Si θ : R.A₁ = S.A₁,..., R.A_n = S.A_n avec (A₁,...A_n) clef de S, la boucle sur S peut s'arrêter au premier tuple t_S tel que (t_R, t_S) $\models \theta$

Nested loop join → jointure à une passe

- Si une des deux relations est suffisamment petite pour être stockée entièrement en mémoire centrale
 - la charger en memoire au debut
 - l'utiliser come relation interne du nested loop join

lire S en memoire principale

pour tout tuple t_R dans R

pour tout tuple t_S dans S

tester si $(t_R, t_S) \models \theta$ si oui, ajouter $t_R \cdot t_S$ au résultat

Coût

 $B_S + B_R$

Block nested loop join

• Une amelioration de nested loop join

 $\begin{array}{c} \textbf{pour tout} \ bloc \ b_R \ de \ R \\ \textbf{pour tout} \ bloc \ b_S \ de \ S \\ \textbf{pour tout} \ tuple \ t_R \ dans \ b_R \\ \textbf{pour tout} \ tuple \ t_s \ dans \ b_S \\ \textbf{tester si} \ (t_R, t_S) \models \theta \\ \textbf{si oui, ajouter} \ t_R \cdot t_S \ au \ résultat \end{array}$

Coût :

$$B_R (I + B_S)$$

- pour chaque bloc de R : on lit le bloc et tous les blocs de S
- les opérations sur les tuples ont lieu en mémoire centrale
- plus efficace si la relation externe est la plus petite

Indexed nested loop join (ou index join)

- Condition d'applicabilité :
 - θ : R.A₁ = S.A₁,..., R.A_n = S.A_k
 - un index I disponible sur (S.A₁,..., S.A_k)
- Dans nested loop join, on remplace le parcours interne de S par une recherche sur l'index

pour tout tuple t_R dans Rchercher la clef $v = t_R[A_1, ...A_k]$ dans Ipour chaque tuple t_S pointé par v dans Iajouter $t_R \cdot t_S$ au résultat

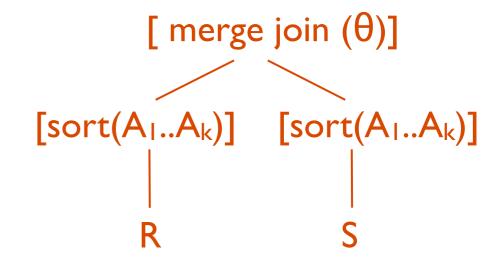
• Coût:

$$B_R + n_R \cdot c$$

- c est le coût d'une sélection par index-scan
 - Rappel: index primaire: $c = h_I + B_v$, index secondaire: $c = h_I + n_v$
- plus efficace quand la relation externe est la plus petite

Merge join (aussi appelé sort join)

• applicable si θ : R.A₁ = S.A₁,..., R.A_n = S.A_k



• Idée:

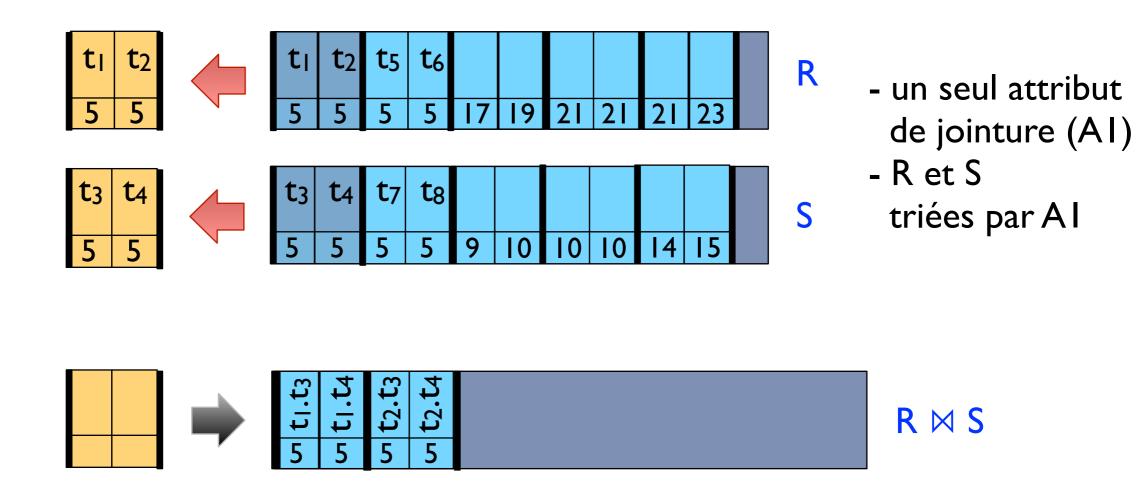
- Trier R et S sur $A_1,...,A_k$
- Fusionner R et S comme deux segments triés dans le tri externe
- Pendant la fusion les tuples avec la même valeur de A₁,...,A_k dans les deux tables, sont accédés consécutivement
 - joindre ces tuples pendant la fusion

• Difficulté:

- Il doit être possible de stocker en mémoire principale le nombre maximal de tuples de R (ou de S) ayant la même valeur de A₁..A_k
- Si ce n'était pas le cas, une passe sur R et S ne suffirait pas pour la fusion

• Difficulté:

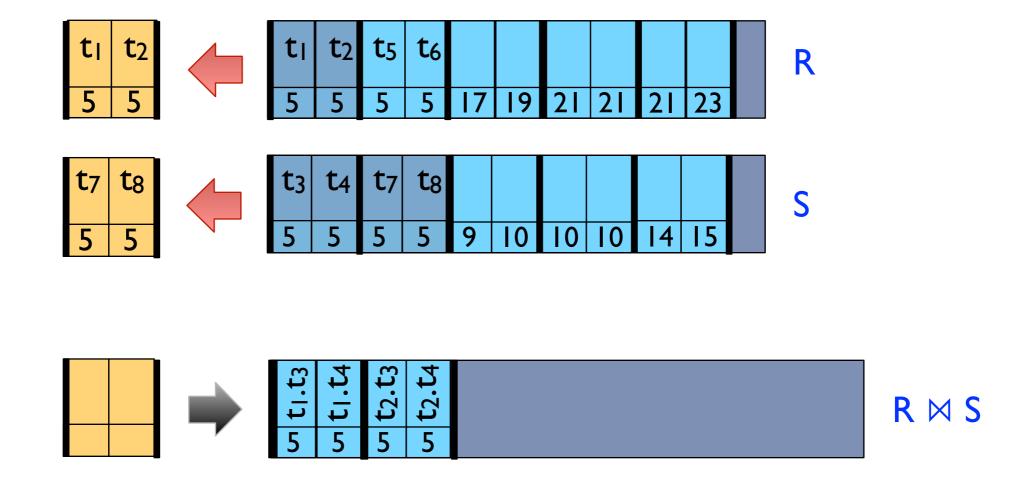
- ► Il doit être possible de stocker en mémoire principale le nombre maximal de tuples de R (ou de S) ayant la même valeur de A₁...A_k
- Si ce n'était pas le cas, une passe sur R et S ne suffirait pas :



Exemple : un bloc de buffer par relation

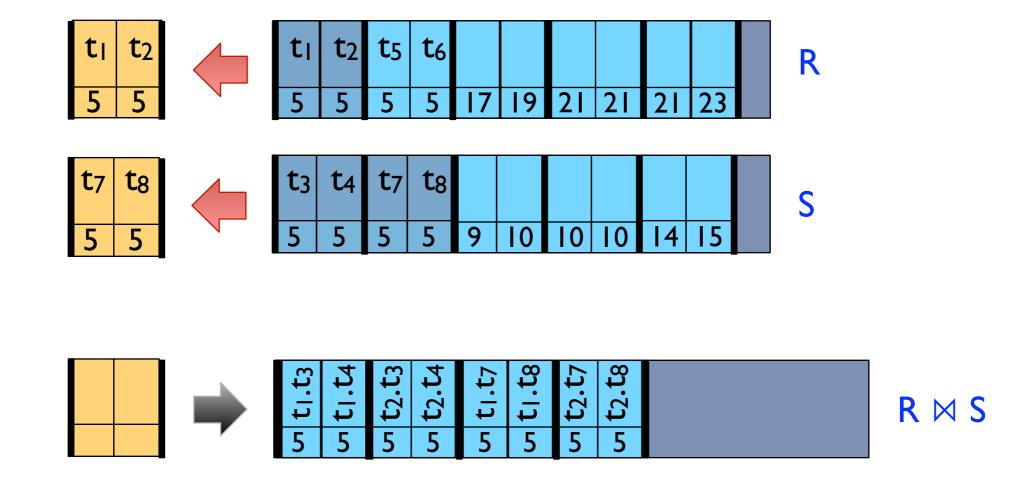
Difficulté :

- ► Il doit être possible de stocker en mémoire principale le nombre maximal de tuples de R (ou de S) ayant la même valeur de A₁...A_k
- > Si ce n'était pas le cas, une passe sur R et S ne suffirait pas :



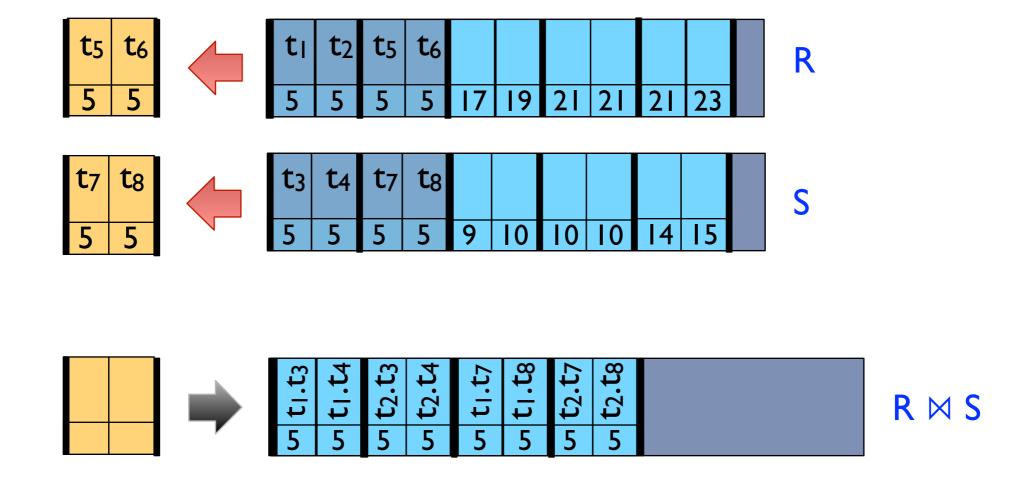
• Difficulté :

- ► Il doit être possible de stocker en mémoire principale le nombre maximal de tuples de R (ou de S) ayant la même valeur de A₁..A_k
- Si ce n'était pas le cas, une passe sur R et S ne suffirait pas :



• Difficulté:

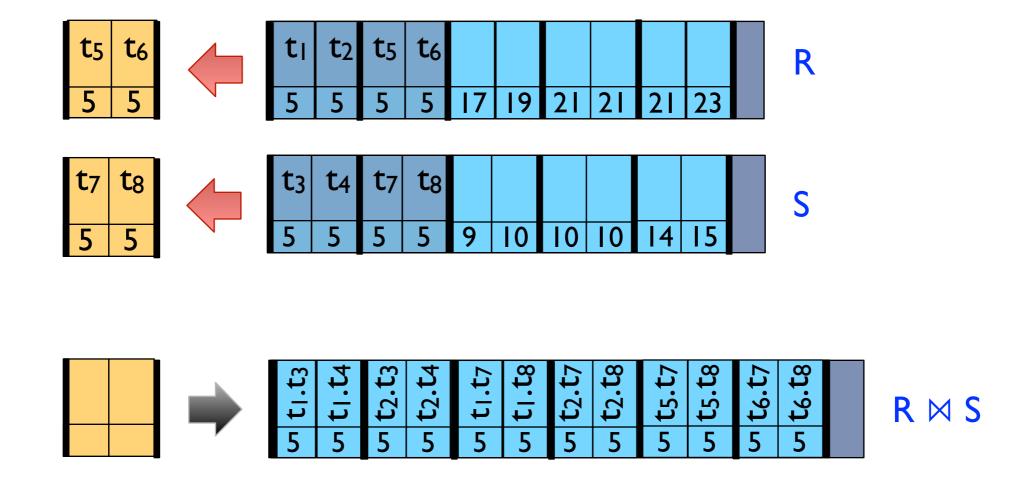
- ► Il doit être possible de stocker en mémoire principale le nombre maximal de tuples de R (ou de S) ayant la même valeur de A₁..A_k
- > Si ce n'était pas le cas, une passe sur R et S ne suffirait pas :



Merge join

• Difficulté:

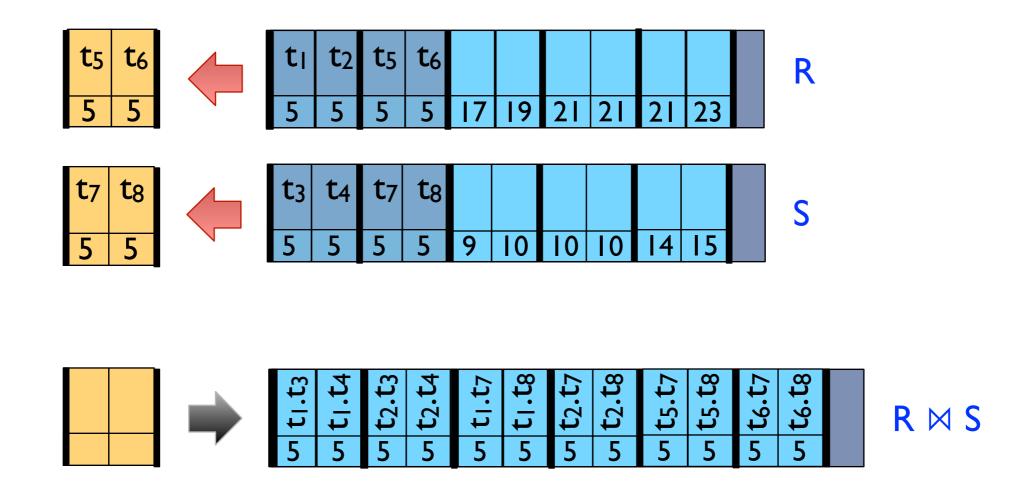
- ► Il doit être possible de stocker en mémoire principale le nombre maximal de tuples de R (ou de S) ayant la même valeur de A₁..A_k
- Si ce n'était pas le cas, une passe sur R et S ne suffirait pas :



Merge join

• Difficulté:

- ► Il doit être possible de stocker en mémoire principale le nombre maximal de tuples de R (ou de S) ayant la même valeur de A₁...A_k
- Si ce n'était pas le cas, une passe sur R et S ne suffirait pas :



Le premier bloc de S doit être relu pour compléter la jointure sur A=5
 ⇒ une seule passe sur R et S ne suffit pas dans cet exemple

Merge join

- Conditions d'applicabilité :
 - θ : R.A₁ = S.A₁,..., R.A_n = S.A_k
 - l'ensemble maximale de tuples de R avec la même valeur de A₁...A_k peut être stocké en mémoire principale
- Merge join :
 - une variante de l'algorithme de fusion qui utilise un "buffer de jointure" en mémoire principale pour stocker l'ensemble maximale de tuples de R avec la même valeur de A₁..A_k

Merge join - coût

Coût

> avec les assomptions faites, une seule passe sur R et S est suffisante

$$B_R + B_S$$

- auquel s'ajoute
 - I) le coût du tri de R et S si elle ne sont pas déjà triées
 - 2) B_{R M S} si le résultat est matérialisé

Variante

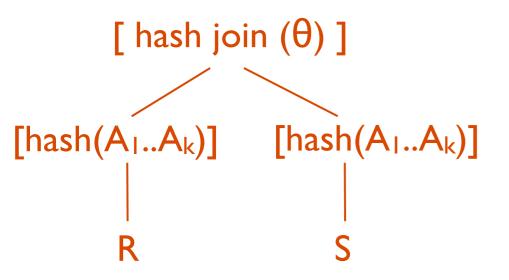
S'il existe des valeurs de $A_1..A_k$ tels que l'ensemble des tuples de R ayant ces valeurs ne peut pas être stocké en mémoire principale

- merge join avec
- block nested loop pour les jointures sur ces valeurs de A1..Ak
- Le coût de cette variante se rapproche du cout de block nested loop, selon la taille des ensembles de tuples de R qu'on ne peut pas stocker

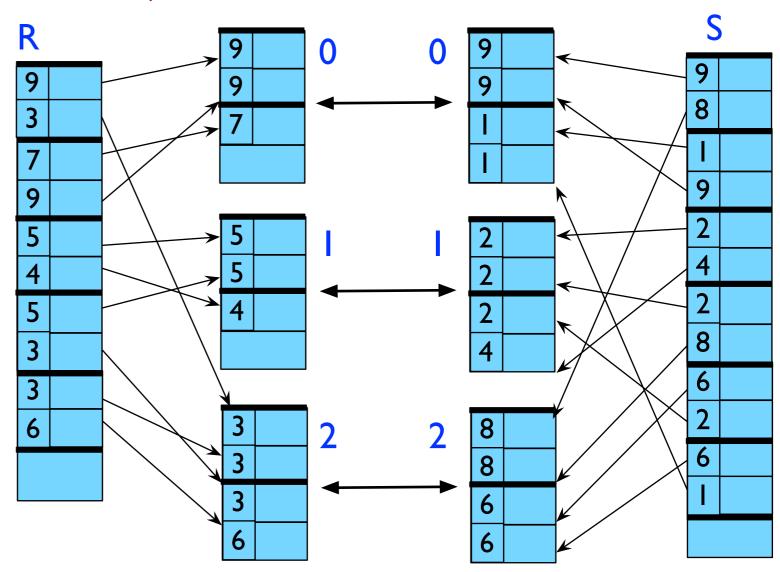
Merge join "hybrid"

- Si un B+-tree sur A₁...A_k est disponible sur R et/ou S
 - accéder aux tuples en parcourant l'index permet d'obtenir les tuples triés sans un tri additionnel
 - la fusion peut être faite directement sur les éléments des index, pour accéder au tuples seulement ensuite

Hash join



 θ : R.A₁ = S.A₁,... R.A_k = S.A_k



Idée:

- Hacher R et S sur A₁,..., A_k avec la même fonction de hachage en p partitions
- Les tuples de R et de S avec la même valeur de A₁...A_k sont dans des partitions correspondantes
- Jointure uniquement entre partitions correspondantes :

$$R \bowtie S = R_0 \bowtie S_0 \cup R_1 \bowtie S_1 \cup ... \cup R_p \bowtie S_p$$

Hash join - conditions d'applicabilité

- Avantage (par rapport à block nested loop) : pour chaque bloc de R seulement des blocs de S susceptibles de participer à la jointure sont parcourus
- Pour avoir un réel bénéfice :
 - partitions petites, quand c'est possible
 - bonne fonction de hachage
- Conditions idéales d'applicabilité :
 - Pour au moins une des relations (ex. S) chaque partition rentre en mémoire principale

Hash join

- Phase de hachage
 - hachage récursif de R et S jusqu'à ce que chaque partition de S rentre en mémoire principale
- Phase de jointure :

pour chaque i de 1 à p (= nombre de partions de S)

- charger Si en mémoire principale
- calculer Ri ⋈ Si par jointure a une passe (parcours de Ri, accès à Si en mémoire principale) et l'ajouter au résultat

- Parfois il est impossible que chaque partition de S rentre en mémoire principale (beaucoup de tuples de S ont la même valeur des attributs de jointure)
 - Ri ⋈ Si par block nested loop pour les Si qui ne peuvent pas être chargés en mémoire principale

Hash join - coût

- Soit M le nombre de blocs disponibles en mémoire principale
- À chaque itération, M-1 blocs pour charger Si en mémoire et un bloc pour lire Ri
 - → chaque partitions de Si doit occuper au plus M-1 blocs
- En supposant hachage uniforme, la phase de hachage doit produire au moins $N = \lceil B_S / (M-I) \rceil$ partitions
 - ⇒ coût de la phase de hachage : $2 B_S \cdot \lceil \log_{M-1} N \rceil + 2 B_R \cdot \lceil \log_{M-1} N \rceil = 2 (B_S + B_R) \cdot \lceil \log_{M-1} B_S I \rceil$
- Coût de la phase de jointure : B_R + B_S
- Coût (sans prendre en compte le coût de l'écriture du résultat) :

$$2 (B_S+B_R) \cdot \lceil \log_{M-1} B_S - 1 \rceil + B_R + B_S$$

Implémentation d'autres opérateurs

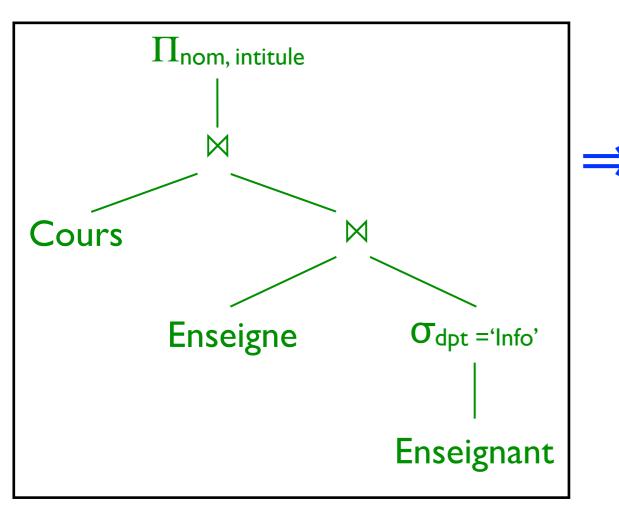
- Jointure avec plusieurs conditions
- Opérateurs ensemblistes
- Aggregation

Pas abordés

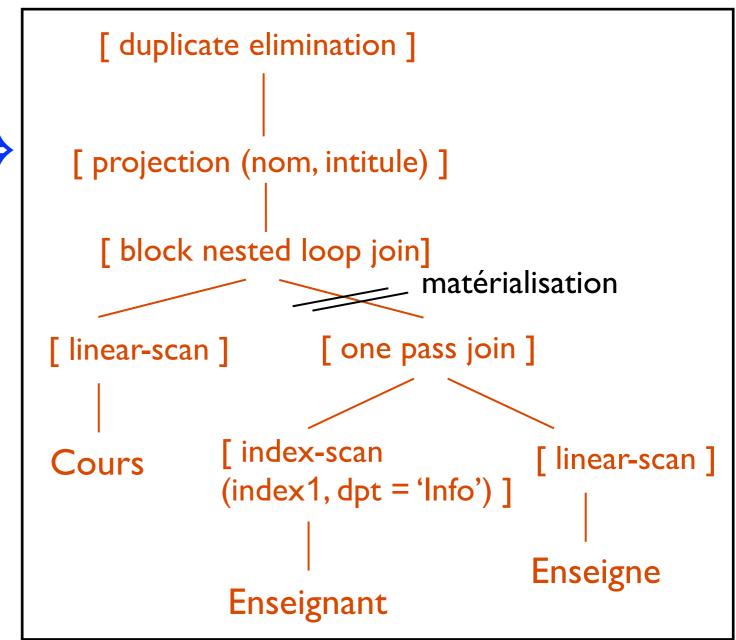
Plan

- Introduction
- Plans d'exécution logiques
- Plans d'exécution physiques
 - Implémentations des opérateurs algébriques
 - Implémentation des expressions algébriques
- Evaluation des plans d'exécution
- Optimisation

Implémentation des expressions algébriques

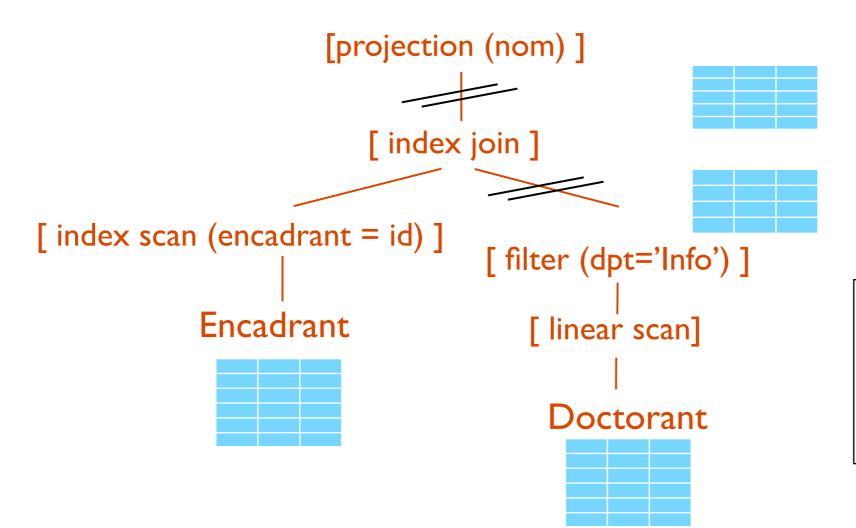


- Plan logique : composition de plusieurs opérateurs algébriques (expression algébrique)
- Plan d'exécution physique :
 - I) comment implémenter chaque opérateur
 - 2) comment composer les implémentations des different opérateurs pour obtenir une implémentation de l'expression algébrique



Implémentation des expressions algébriques

- Deux approches principaux (ou combinaison des deux)
 - Materialisation
 - les sous-expressions d'un plan physique sont évaluées bottom-up
 - les résultats de chaque sous-expression (noeud de l'arbre) sont matérialisés pour être utilisés comme argument de l'opérateur au niveau supérieur

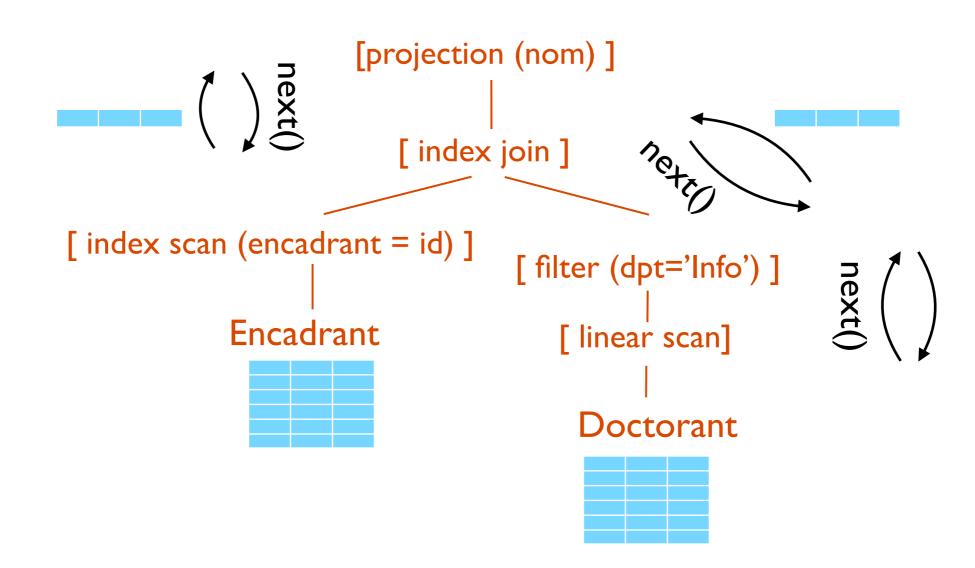


Le coût de l'écriture des résultats intermédiaires s'ajoute au coût des opérateurs

Implémentation des expressions algébriques

Pipelining

- chaque nouveau tuple calculé par une sous-expression est passé immédiatement à l'opérateur du niveau supérieur pour être traité
- en général top-down, i.e chaque opérateur, pour produire un nouveau tuple "demande" un (ou plusieurs) nouveaux tuples à ses arguments



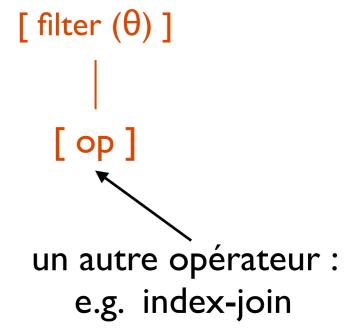
Pipelining des operateurs

- Evite la matérialisation et donc le coût d'écriture des résultats intermédiaires
- Permet de produire les tuples du résultat de façon progressive, dès qu'il sont disponibles
- En général obtenue en implémentant les opérateurs comme itérateurs
- Un itérateur est une implémentation d'un opérateur conforme à l'interface suivante :
 - open() : opérations préliminaires pour démarrer le calcul du résultat
 - next() : renvoie le prochain tuple du résultat et modifie l'état interne de l'itérateur pour tenir trace du dernier tuple produit
 - close() : termine le calcul du résultat
- Pipeline sur demande : l'opération next() d'un itérateur appelle next() sur les itérateurs qui implémentent ses arguments

Exemples d'itérateurs

• Itérateur pour implementer filter(θ) (i.e. la sélection) :

```
• open ():
     op.open()
next():
     t = op.next()
     tant que ( t \neq null et t \not\in \theta )
           t = op.next()
     return t
close():
     op.close()
```



Exemples d'itérateurs

Itérateur pour implementer linear-scan :

```
    état interne :
        pointeur t au prochain enregistrement de R
    open () :
        initialiser t au premier enregistrement de R
    next() :
```

```
r = enregistrement pointé par t
avancer t au prochain enregistrement
renvoyer r
```

close():
 détruire t

```
[linear scan]
```

Exemples d'itérateurs

• Itérateur pour merge-join :

état interne :

pointeurs ts et tR aux fichiers triés

• open ():

appelle [sort] sur ses arguments initialise t_R et t_S

[merge-join]
[sort]
[sort]

sort : opérateur bloquant, pas adapté à une implementation par itérateur

next() :

avancer t_S et t_R jusqu'aux prochains deux tuples qui peuvent être joints, et les joindre

retourner le tuple obtenu

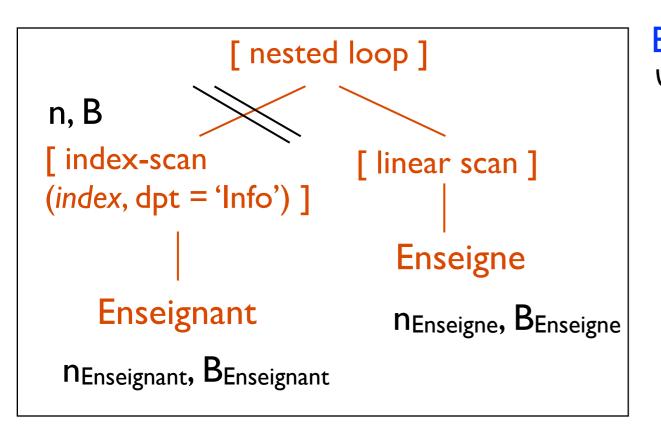
Plan

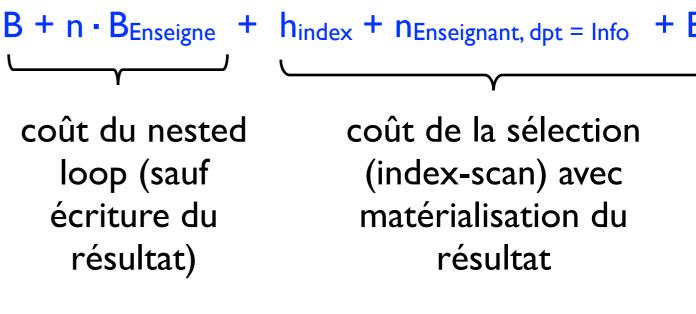
- Introduction
- Plans d'exécution logiques
- Plans d'exécution physiques
 - Implémentations des opérateurs algébriques
 - Implémentation des expressions algébriques
- Evaluation des plans d'exécution
- Optimisation

Evaluation des plans d'exécution

- Pour choisir le "meilleur" plan d'exécution :
 - évaluer les coûts de différents plans
- Mesure de coût d'un plan physique
 - fonctions de coût des algorithmes choisis appliquées à une estimation de la taille des arguments

Exemple



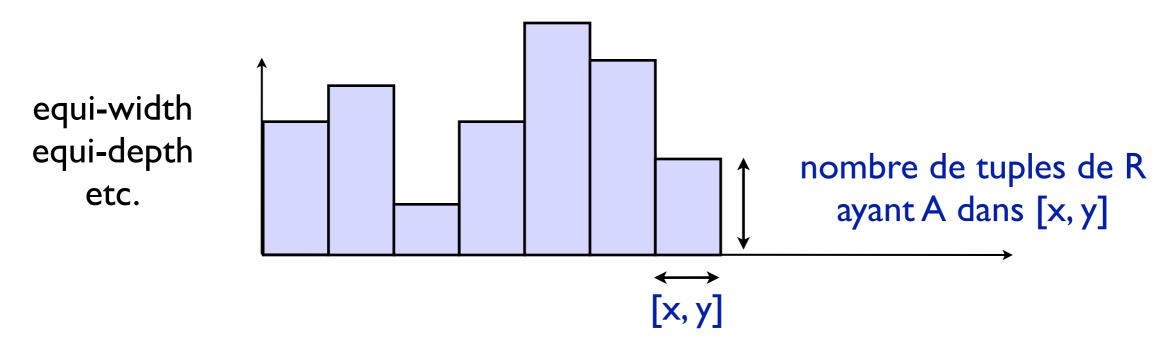


Calcul du coût d'un plan d'exécution

- Pour mesurer le coût d'un plan d'exécution on a donc besoin de connaître :
 - le nombre de tuples et de blocs occupés par chaque relation dans la BD
 - la tailles des résultats intermédiaires de la requête (e.g. le résultat de la sélection dans l'exemple précèdent)
- On doit pouvoir estimer ces valeur efficacement sans executer la requête
- À cette fin, **le catalogue de la BD** stocke des estimations pour chaque relation

Statistiques et catalogue

- Le catalogue de la BD stocke des estimations pour chaque relation R (recalculées de temps en temps):
 - n_R, B_R: le nombre de tuples et de blocs occupés par R
 - f_R: le nombre de tuples de R qui peuvent être stockés dans un bloc
 - V(A, R): le nombre de valeurs distincts de l'attribut A dans la relation R
 - des histogrammes pour la distribution des valeurs de certains attributs



intervalle de valeurs de R.A (et nombre de valeurs dans [x, y] qui apparaissent dans R.A)

Estimation de la taille des résultats intermédiaires

- Les informations dans le catalogue (et l'utilisation de certaines heuristiques) en général suffisent pour estimer la tailles de résultats intermédiaires
- **Remarque.** La taille des résultats intermédiaires ne dépend pas des algorithmes choisis pour chaque opérateur
 - estimée à partir du plan logique
- Deux exemples
 - estimation de la taille d'une sélection
 - estimation de la taille d'une jointure naturelle

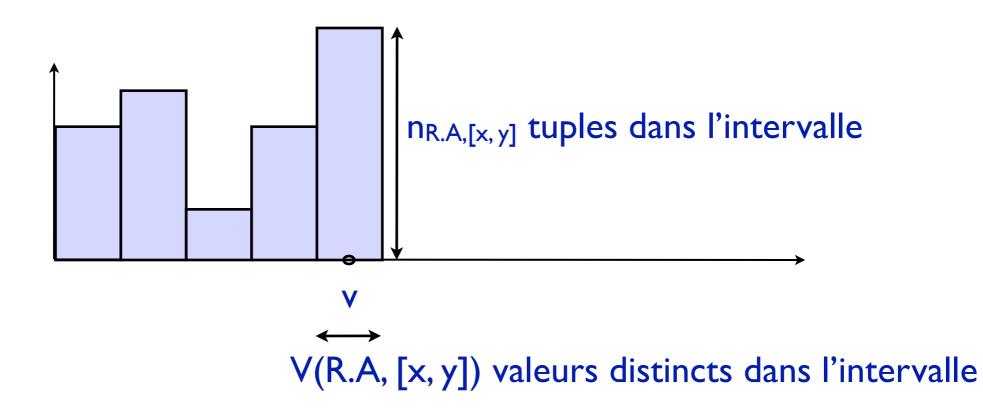
 Pour plus d'heuristiques d'estimation de la taille des résultats d'expressions algébriques, voir les livres conseillés

Exemple : estimation de la taille d'une sélection

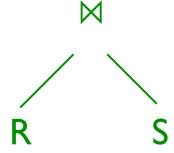
Nombre de tuples dans le résultat :



- en absence d'histogramme sur A :
 - \rightarrow n_R /V(A,R) (hypothèse de distribution uniforme des valeurs)
- si un histogramme sur A est disponible
 - $n_{R.A, [x,y]} / V(R.A, [x,y])$



Exemple : estimation de la taille d'une jointure naturelle



- Nombre de tuples dans le résultat

 - au plus n_R si les attributs en commun sont une clef pour S
 - n_R si les attributs en commun sont une clef étrangère de R, qui fait référence à S
 - $\frac{n_R \, n_S}{\max \left\{ V(A,S), V(A,T) \right\}} \quad \text{si les attributs en commun } \{A\} \text{ ne sont}$ $\max \left\{ V(A,S), V(A,T) \right\} \quad \text{une clef ni de R ni de S}$
 - sous hypothèse de distribution uniforme des valeurs, chaque tuple de R se joint à n_S /V(A, S) tuples de S
 - mais aussi chaque tuple de S se joint à n_R /V(A, R) tuples de R
 - \Rightarrow on obtient deux estimations $n_R n_S / V(A, S)$ et $n_R n_S / V(A, R)$
 - on prend la plus petite pour tenir compte de tuples "dangling"

Exemple : estimation de la taille d'une jointure naturelle

- Si les attributs en commun {A} ne sont une clef ni de R ni de S,
- et des histogrammes sont disponibles pour R.A et S.A (par simplicité définis sur les mêmes intervalles)
 - Chaque tuple de R avec $A \in [x, y]$ se joint avec $n_{S.A, [x, y]} / V(S.A, [x, y])$ tuples de S
 - il y a $n_{R,A,[x,y]}$ tuples de R avec $A \in [x,y]$
 - → première estimation de la taille du résultat :

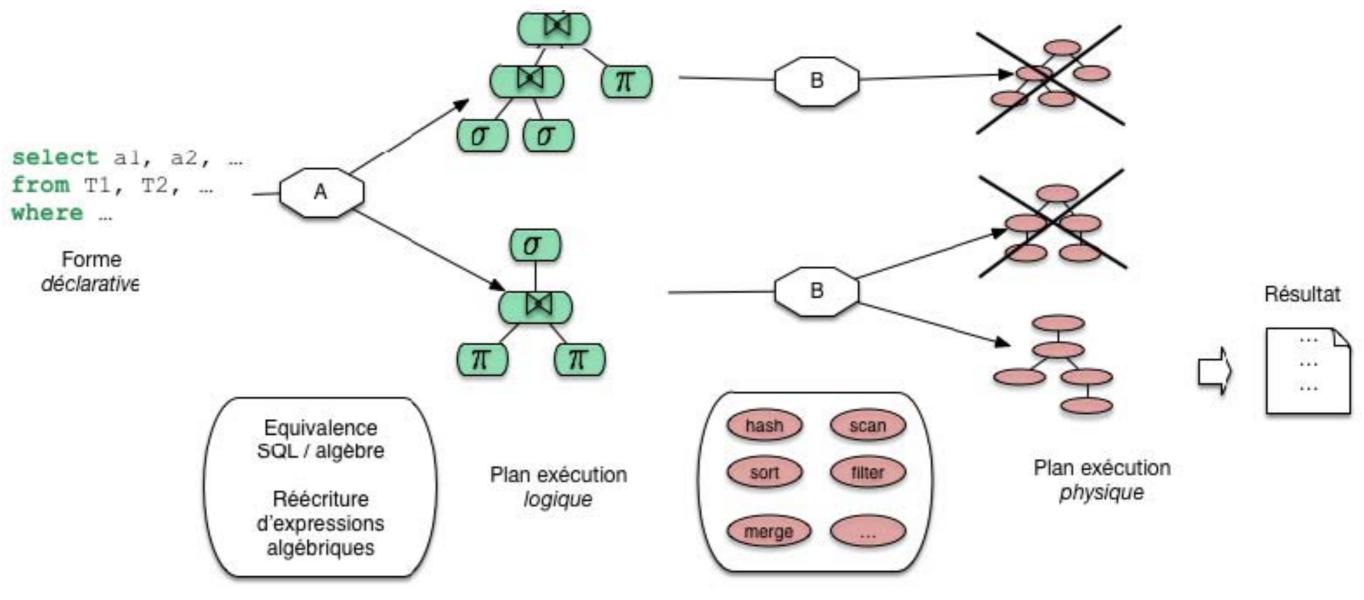
```
\sum_{[x,y]} \frac{n_{R,A,[x,y]} n_{S,A,[x,y]}}{V(S,A,[x,y])}
```

- la deuxième estimation est symétrique (R.A et S.A échangés)
- prendre la plus petite

Plan

- Introduction
- Plans d'exécution logiques
- Plans d'exécution physiques
 - Implémentations des opérateurs algébriques
 - Implémentation des expressions algébriques
- Evaluation des plans d'exécution
- Optimisation

Optimisation de requêtes



Principe

- une requête donne lieu à plusieurs plan logiques possibles (étape A)
- chaque plan logique donne lieu à plusieurs plan physiques possibles (étape B)
- Le système les évalue et choisit le "meilleur" plan physique
- celui là sera exécuté pour obtenir le résultat de la requête

Optimisation : énumération et heuristiques

- Couramment les systèmes implémentent une combinaison d'heuristiques et de techniques pour énumérer les plans d'exécution
 - Enumération : On considère de façon plus ou moins exhaustive plusieurs plans et on évalue leur coût pour choisir le meilleur

Heuristiques:

- On transforme un plan initial par application directionnelle de certaines règles heuristiques (à la fois au niveau du plan logique et physique) sans évaluer les alternatives
- idée sous-jacente : dans la plus part des cas les transformations fondées sur les heuristiques aboutissent à un meilleur plan d'execution

Typiquement :

- Heuristiques tant que c'est possible
- Enumération pour les choix non couverts par les heuristiques
- Enumération pour certain choix critiques comme l'ordre des jointures

Enumération des plans d'exécution

- À partir d'un plan logique initial l'algorithme applique toutes les transformations possibles et obtient tous les plans logiques et physiques equivalents
- Ensuite il faut évaluer le coût des plans physiques générés (cf. section Evaluation des plan d'exécution) et choisir celui à moindre coût
- Algorithme très coûteux!
- Pas implémenté tel quel dans les systèmes
- Plusieurs techniques pour rendre plus efficace la recherche dans l'espace des plans possibles :
 - programmation dynamique
 - "branch and bound"
 - optima locaux

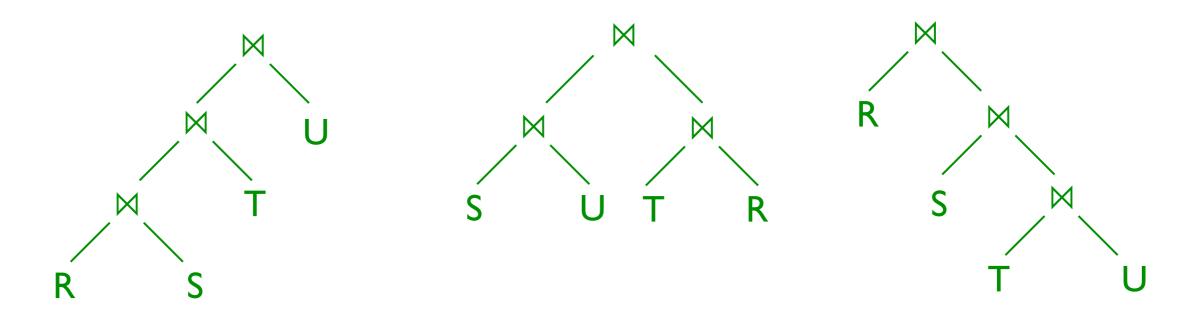
(Pas abordées)

• Typiquement l'énumération est utilisée pour choisir l'ordre des jointures

$$R \bowtie S \bowtie T \bowtie U$$

 Règles d'associativité et commutativité pour la jointure ⇒ different plans logiques possibles

Ex.:



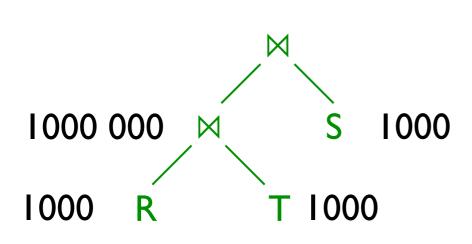
etc.

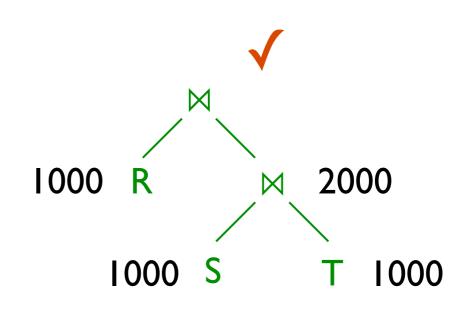
- Impact de l'ordre des jointures sur le coût :
 - résultats intermédiaires de taille différente
 - algorithmes de jointures asymétriques
 - possibilité d'utiliser des index
 - efficacité des implémentations par itérateur

Example I

$$R(a,b) \qquad S(b,c) \qquad T(c,d) \\ n_R = 1000 \qquad n_S = 1000 \qquad n_T = 1000 \\ V(a,R) = 100 \\ V(b,R) = 200 \qquad V(b,S) = 200 \\ V(c,S) = 500 \qquad V(c,T) = 20 \\ V(d,T) = 50$$

Tailles des résultats intermédiaires :





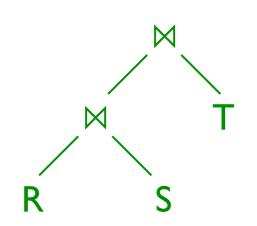
Example 2

R(a, b)

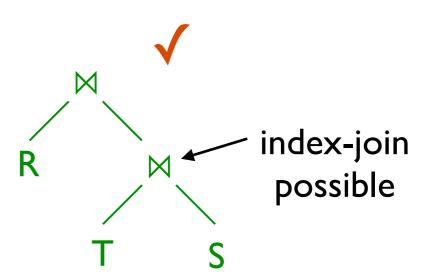
S(b, c)

T(c, d)

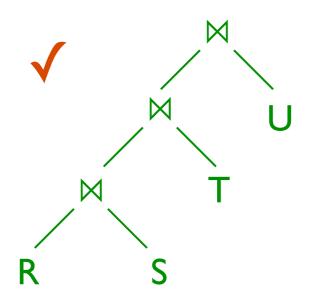
index sur S.c



pas de index-join

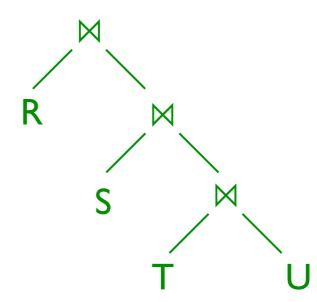


- **Example 3.** En supposant
 - pipelining
 - block-nested-loop join pour chaque jointure (à gauche la relation de la boucle externe)



l'itérateur à la racine (et à chaque niveau) fait une seule passe sur le résultat intermédiaire à gauche et plusieurs passes sur la relation stockée ⇒ résultats intermédiaires calculés

une seule fois

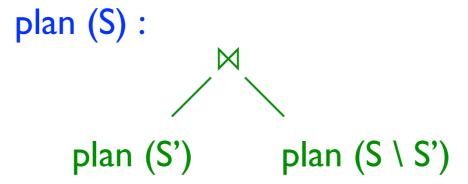


l'itérateur à la racine (et à chaque niveau) fait une seule passe sur la relation stockée à gauche et plusieurs passes sur le résultat intermédiaire à droite

⇒ résultats intermédiaires calculés plusieurs fois

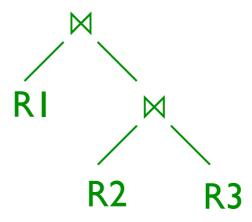
Programmation dynamique pour optimiser l'ordre des jointures

- Utilise la sous-structure optimale du problème
 - Soit $S = \{RI, ...Rn\}$. Chaque plan d'exécution pour $RI \bowtie ... \bowtie Rn$ est de la forme

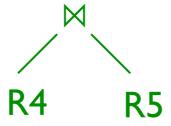


où plan(S') est un plan pour la jointure d'un sous-ensemble non-vide S' de S

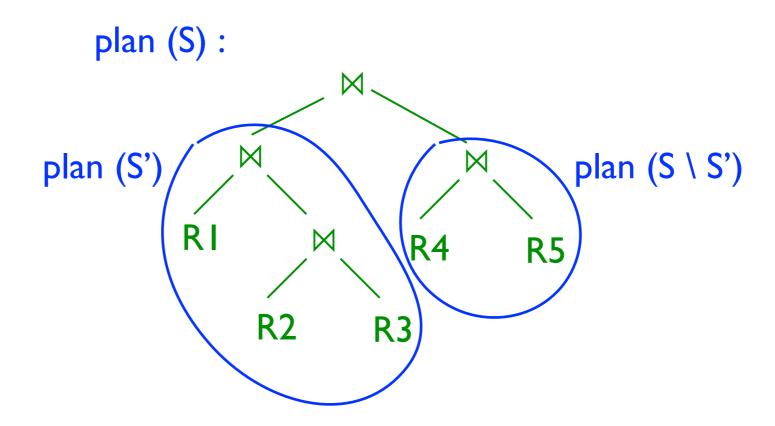
- Cela veut dire exemple S= {R1, R2, R3, R4, R5}
 - Pour établir un plan pour joindre S je dois :
 - décider une partition initiale, par ex. $S' = \{R1, R2, R3\}$. $S\backslash S' = \{R4, R5\}$
 - Etablir un plan pour joindre $S' = \{RI, R2, R3\}$, par exemple



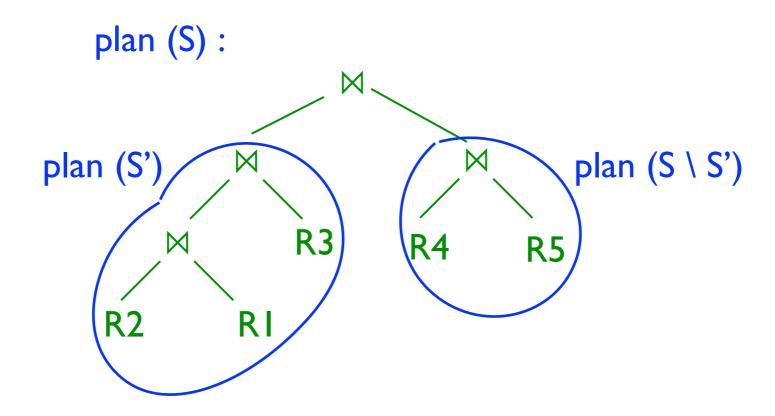
- Etablir un plan pour joindre S\S' = {R4, R5}, par exemple :



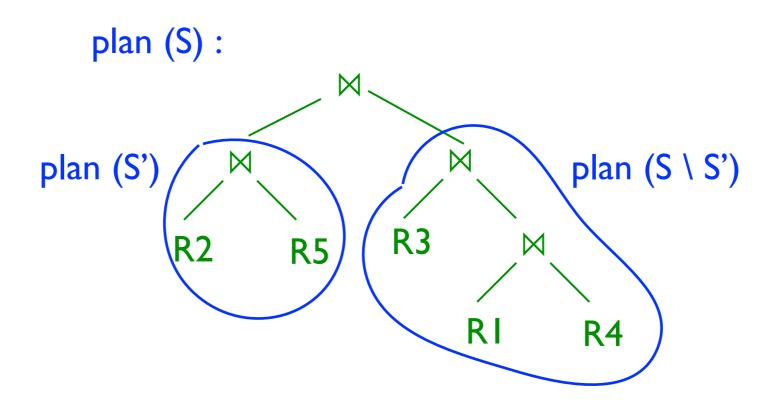
- Exemple suite
 - Le plan établi sera :



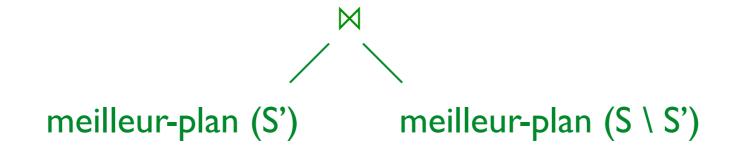
- Exemple suite
 - Mais on aurait pu faire des choix différents :
 - Par exemple un autre plan pour S'={R1, R2, R3}



- Exemple suite
 - Mais on aurait pu faire des choix différents :
 - Ou bien une autre partition, p. ex. S'={R2, R5}, et des plans pour S' et S\S'

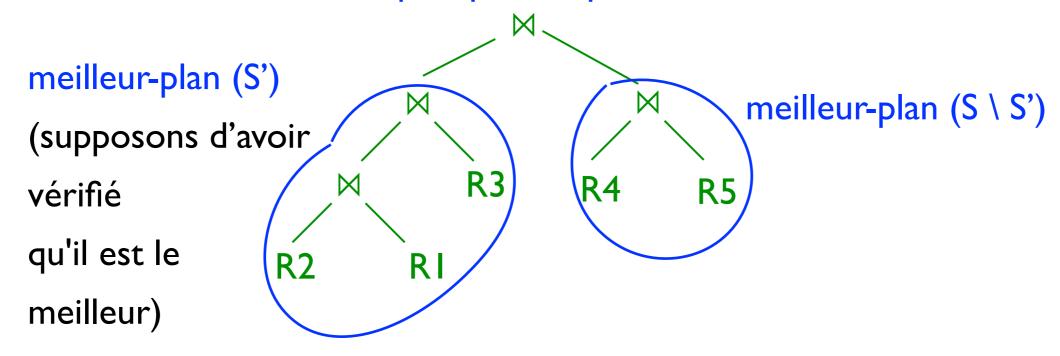


- Sous- structure optimale :
 - Si je fixe une partition (S', S \ S') de S le meilleur plan est :

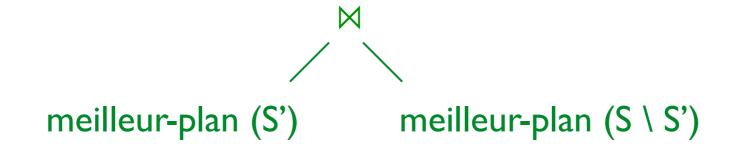


- Par exemple: pour la partition $S' = \{RI, R2, R3\}$ et $S' = \{R4, R5\}$

meilleur-plan pour la partition:



- Sous- structure optimale:
 - Si je fixe une partition (S', S \ S') de S le meilleur plan est :

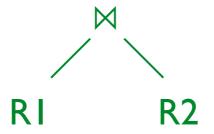


- Meilleur plan pour S:
 - pour chaque partition fixée de S je calcule le meilleur plan : je les compare tous et je prend le meilleur
- Comment je calcule meilleur-plan (S') et meilleur-plan (S \ S') ?
 - Récursivement de la même façon que pour S
- Cela donne naturellement un algorithme de programmation dynamique

• Algorithme de programmation dynamique top-down (récursif avec mémoïsation)

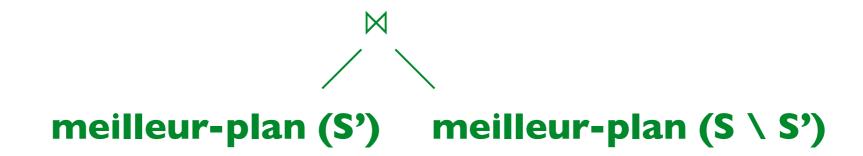
meilleur-plan(S)

Si
$$S = \{RI, R2\}$$
 retourner



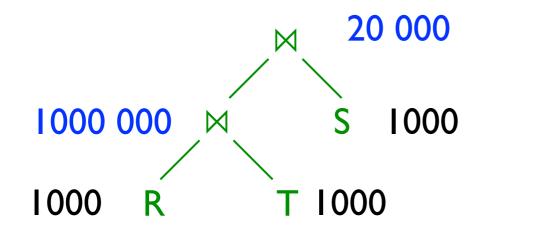
Sinon

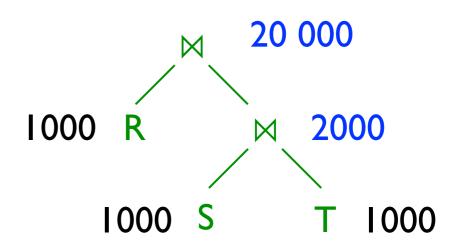
A. Pour chaque partition (S', S \ S') de S (S' \subset S et S' $\neq \emptyset$) calculer le meilleur plan, i.e :



B. Choisir et retourner le meilleur parmi tous les plans calculés à l'étape A

- Algorithme de programmation dynamique top-down (récursif avec mémoïsation)
 - Reste à définir comment évaluer le coût d'un plan (pour que l'algorithme puisse les comparer)
 - Pour l'instant on est au niveau des plans logiques (pas d'algorithme choisi, on ne peut pas estimer le vrai coût d'un plan)
 - Une mesure de coût pourrait être la somme des estimations des résultats intermédiaires :



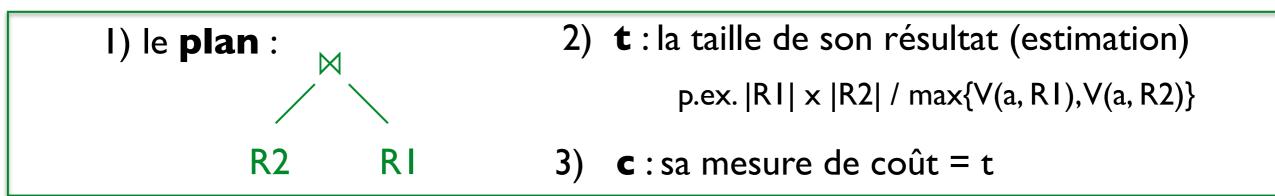


Mesure de coût : 1 020 000 Mesure de coût : 22 000

• Algorithme de programmation dynamique top-down (récursif avec mémoïsation)

meilleur-plan(S)

Si $S = \{RI, R2\}$ retourner:



Sinon

A. Pour chaque partition (S', S \ S') de S (S' \subset S et S' $\neq \emptyset$) calculer le meilleur plan, i.e calculer :

```
l) le plan : | 2) t : sa taille (estimation)

p.ex. tl x t2

meilleur-plan (S') meilleur-plan (S \ S') 3) c : sa mesure de coût

cl, tl c2, t2 = t + cl + c2
```

B. Choisir et retourner le meilleur (plus petit c) parmi tous les plans calculés à l'étape A, avec sa taille t et son coût c

Optimiser l'ordre des jointures - plans physiques

- Programmation dynamique possible aussi pour choisir directement le meilleur plan physique de jointure :
 - Si je fixe une partition (S', S \ S') de S le meilleur plan est :

[meilleur algorithme de M pour les résultats des deux plans] meilleur-plan (S') meilleur-plan (S \ S')

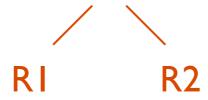
Optimiser l'ordre des jointures - plans physiques

• Algorithme de programmation dynamique top-down (récursif avec mémoïsation)

meilleur-plan(S)

Si $S = \{RI, R2\}$ calculer et retourner

[meilleur algorithme de ⋈]



Sinon

A. Pour chaque partition (S', S \ S') de S (S' \subset S et S' $\neq \emptyset$) calculer le meilleur plan, i.e :

[meilleur algorithme de M pour les résultats des deux plans]

meilleur-plan (S') meilleur-plan (S \ S')

B. Choisir et retourner le meilleur parmi tous les plans calculés à l'étape A

Optimiser l'ordre des jointures - plans physiques

- Algorithme de programmation dynamique top-down (récursif avec mémoïsation)
 - Un appel récursif retourne également :
 - Une estimation de la taille du résultat
 - Une estimation du coût du plan
 - Mesure de coût d'un plan :
 - Cout des deux sous-plans +
 - coût de l'algorithme de jointure choisi
 (peut être estimé à partir des tailles des résultats des sous-plans)

 Coûteux (exponentiel!), mais on fait rarement la jointure de plus de 10 relations, ça reste donc un coût raisonnable

Rappel: énumération et heuristiques

- Couramment les systèmes implémentent une combinaison d'heuristiques et de techniques pour énumérer les plans d'exécution
 - Enumération : On considère de façon plus ou moins exhaustive plusieurs plans et on évalue leur coût pour choisir le meilleur

Heuristiques :

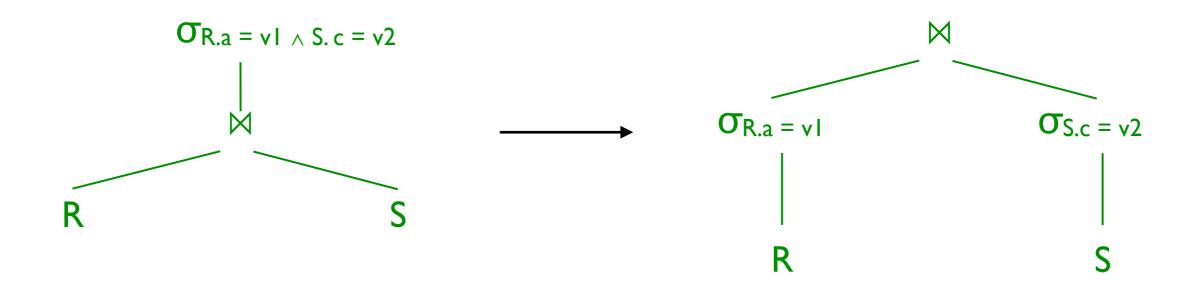
- On transforme un plan initial par application directionnelle de certaines règles heuristiques (à la fois au niveau du plan logique et physique) sans évaluer les alternatives
- idée sous-jacente : dans la plus part des cas les transformations fondés sur les heuristiques aboutissent à un meilleur plan d'exécution

Typiquement :

- Heuristiques tant que c'est possibles
- Enumération pour les choix non couverts par les heuristiques
- Enumération pour certain choix critiques comme l'ordre des jointures

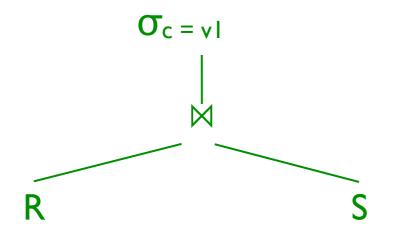
- Heuristiques de transformation du plan logique
 - Sélections le plus tôt possible
 - Projections le plus tôt possible
 - Combinaison des sélections avec les jointures et les produits cartésiens
 - Choix de l'ordre des jointures
 - **...**
- Heuristique de choix des opérateurs physiques
 - Choix de méthodes de jointures
 - ...

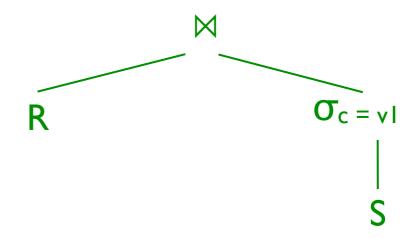
- Sélections le plus tôt possible
 - Pousser les sélections vers le bas dans le plan



Raison: les sélections réduisent la taille des relations sur lesquelles la jointure est calculée

- Sélections le plus tôt possible : pas toujours le meilleur choix!
 - Exemple I : R(a, b) S(b, c), index sur S.b, $B_R << B_S$





index-join possible - coût $B_R + n_R + c$

c: cout d'une sélection par index-scan sur S (efficace)

sélection par linear scan:

- coût : $B_{R \bowtie S} << B_R \cdot B_S$

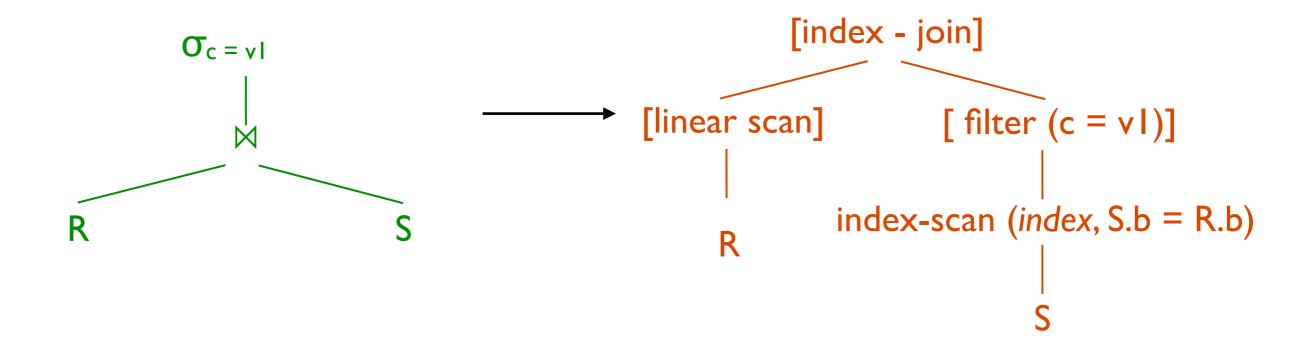
selection par linear scan : - coût : B_S

index-join pas possible

- coût $B_R + B_R - B_S$

la deuxième solution pourrait être beaucoup plus coûteuse

- Sélections le plus tôt possible : pas toujours le meilleur choix!
 - Exemple I: R(a, b) S(b, c), index sur S.b, $B_R << B_S$
 - la première solution peut être implémentée efficacement en testant c = vl sur les tuples sélectionnés par l'index, pendant l'index-join

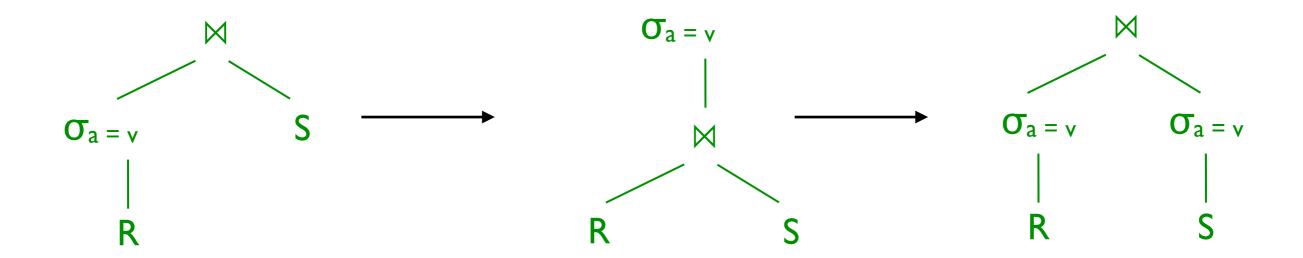


cela n'est pas équivalent à pousser la sélection $\sigma_{c=vl}$ sur S (ce qui demanderait un linear scan sur S)

- Sélections le plus tôt possible : pas toujours le meilleur choix!
 - Exemple 2 R(a, b, c), S(a,b,d)

plan original

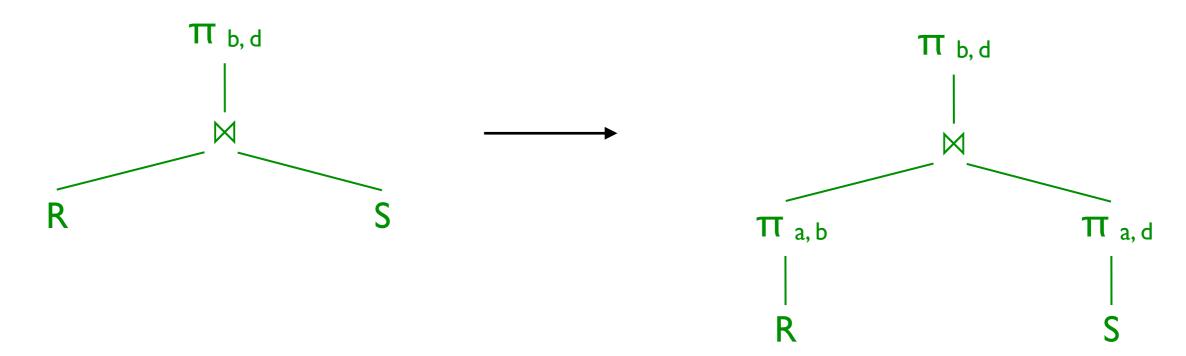
transformation potentiellement rentable



la meilleure transformation pourrait nécessiter de commencer par pousser une sélection **en haut**

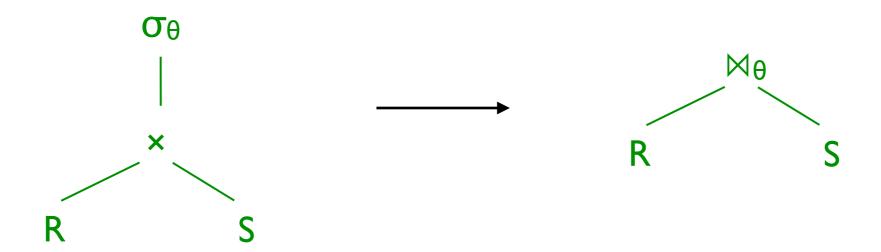
- Projections le plus tôt possible
 ⇔ introduire des projections le plus bas possible
 dans le plan logique
- Une projection peut être introduite à tout endroit, à condition qu'elle n'élimine pas d'attributs utilisés par les opérateurs ancêtres

Example R(a, b, c) S(a, d, e)



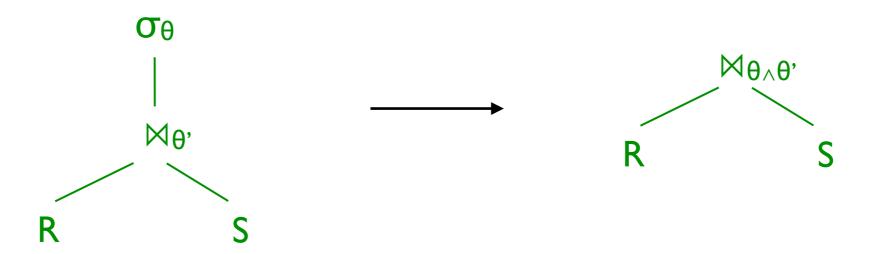
- Effet moins avantageux que celui de pousser les sélections vers le bas
 - la projection réduit seulement la taille de chaque tuple, mais en général pas le nombre de tuples (à part les doublons)

Combinaison de sélections et produits cartésiens



- algorithmes de jointure en général bien plus efficaces que le calcul du produit cartésien (quadratique) suivi d'un sélection.
- Spécialement utile en présence d'index sur les attributs de θ (index-join possible)

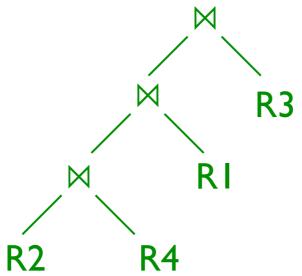
Combinaison de sélections et jointures



Il pourrait être plus avantageux de vérifier θ pendant la jointure, spécialement en présence d'index sur les attributs de θ (index-join possible)

- Choix de l'ordre et des algorithmes de jointure
 - Heuristiques si l'énumération basée sur le coût est
 - trop coûteuse ou
 - inapplicable par manque d'information (histogrammes, nombre de buffers disponibles etc)

- Choix de l'ordre des jointures. Heuristique courante :
 - pour une jointure entre n relations R1, ...Rn, considérer n plans
 - le plan i sélectionne la relation Ri au départ
 - ensuite à chaque étape il sélectionne, parmi le relations restantes, la "meilleure" à joindre au résultat



on obtient des plans de jointure profonds à gauche

- plusieurs critères pour établir la "meilleure" prochaine relation :
 - la présence d'index qui permettent index-join
 - une estimation de la taille du résultat
- les n plans sont comparés, et celui qui minimise le nombre de jointures coûteuse (nested-loop) est choisi

- Choix des méthodes de jointure ($R \bowtie S$). heuristiques à appliquer dans l'ordre :
 - I. Si une des relations peut être chargée entièrement en mémoire
 ⇒ jointure à une seule passe
 - 2. Si une des relations peut être parcourue avec peu d'accès au disque
 ⇒ block nested loop avec relation externe = relation petite
 - 3. Si R n'est pas trop grande et il existe un index sur les attributs de jointure de S
 - ⇒ index join
 - 4. Si une ou les deux relations sont déjà triées ⇒ merge join
 - 5. S'il y a plusieurs jointures sur le même attribut ⇒ merge join
 (R(a, b) ⋈ S(a, c)) ⋈ T(a, d) : le résultat du premier merge join est déjà trié sur l'attribut a pour le deuxième merge join
 - 6. Dans tous les autres cas : hash join ou block nested loop join hash join de préférence (plus efficace)

Exemples d'optimisation - Exemple I

Une optimisation possible de la requête :

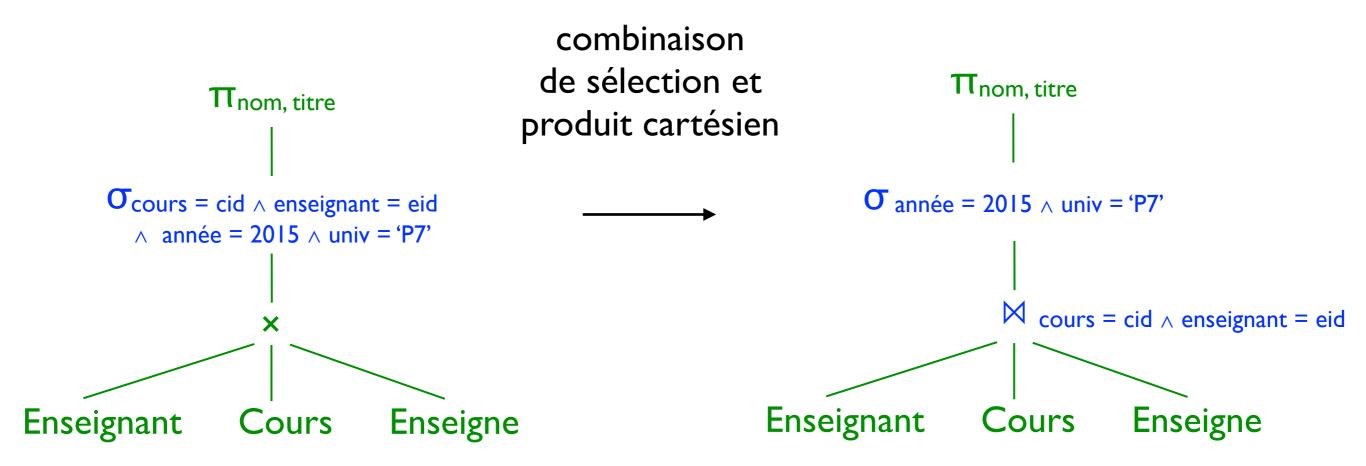
```
SELECT nom, titre
FROM Enseignant, Cours, Enseigne
WHERE univ = 'P7' AND année = 2015
AND cid = cours AND eid = enseignant
```

Sur le schema:

```
Enseignant ( eid, nom, univ )
Enseigne ( enseignant, cours, année ) enseignant ⊆ eid cours ⊆ cid
Cours ( cid, titre )
```

Remarque : un index est toujours présent sur la clef d'une relation

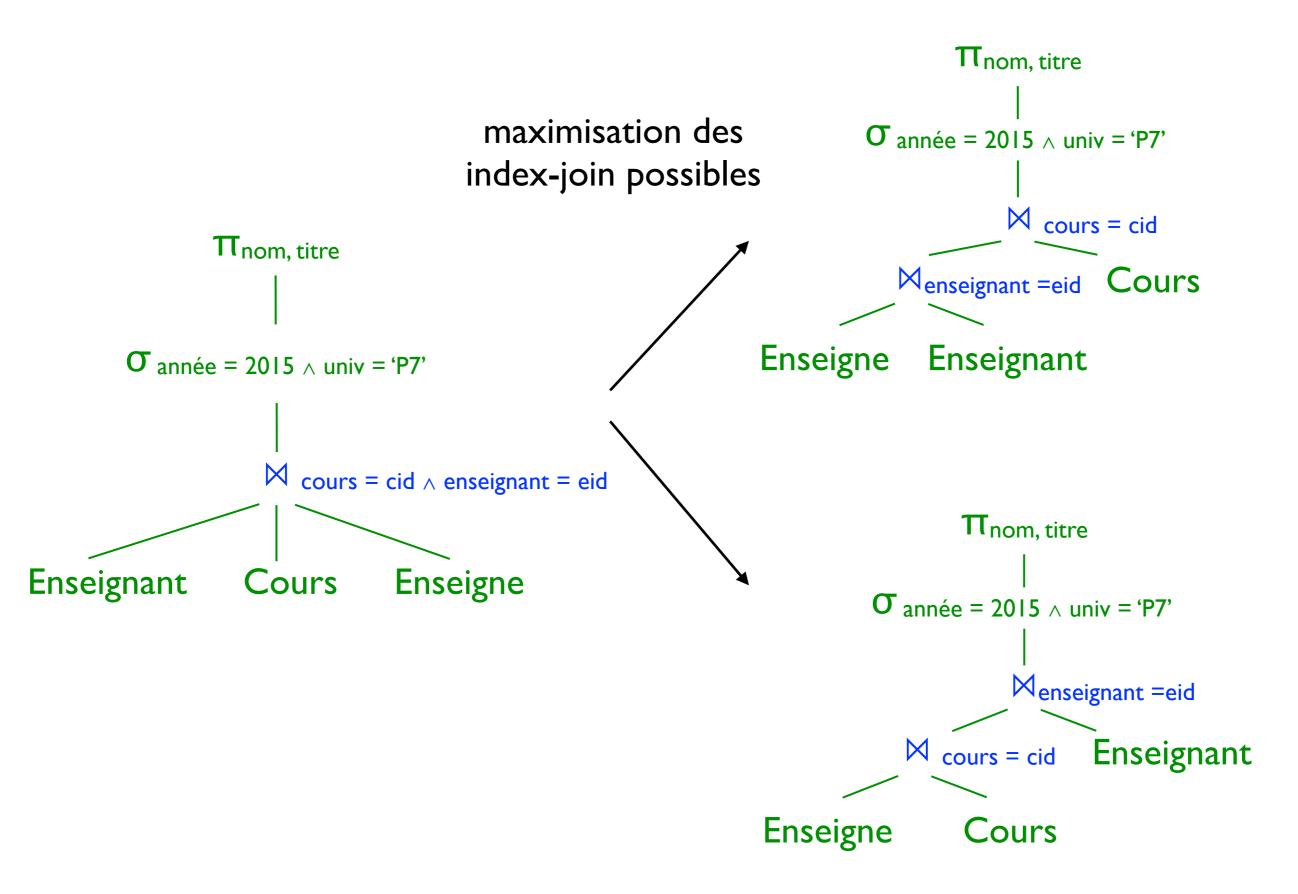
Exemples d'optimisation - Exemple I

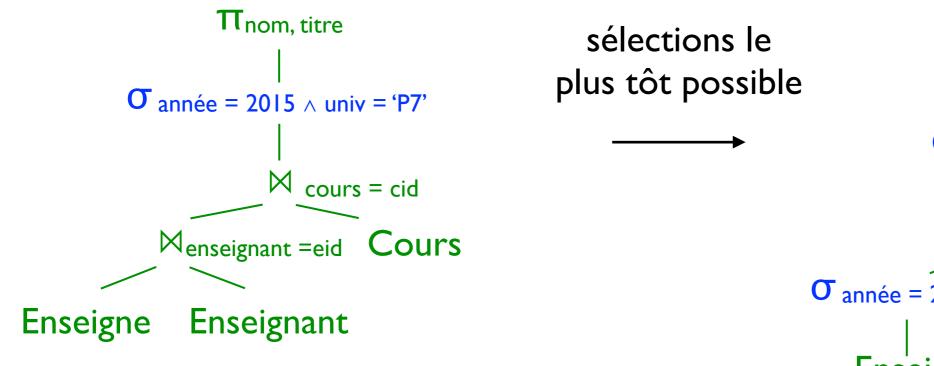


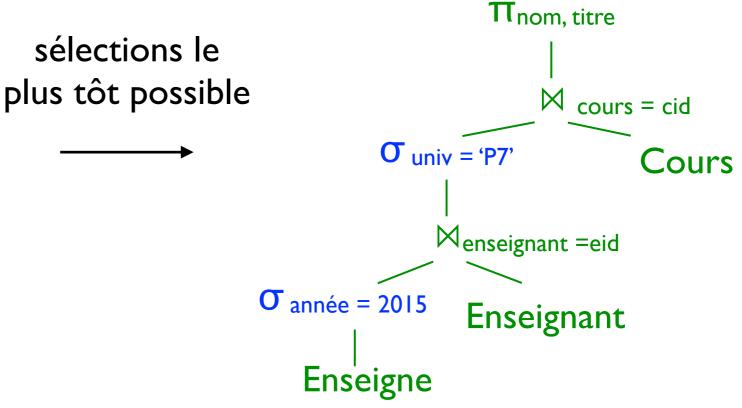
traduction directe en algèbre relationnelle

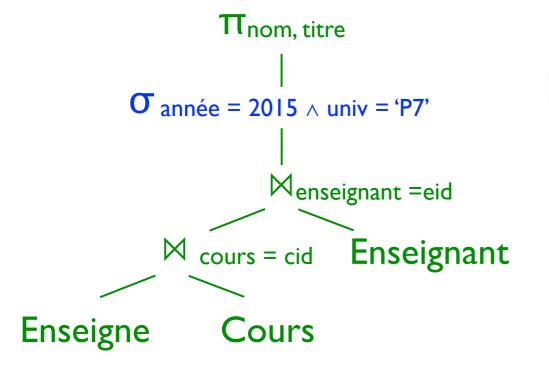
Ordre des jointures - heuristique : maximiser le nombre d'index-join

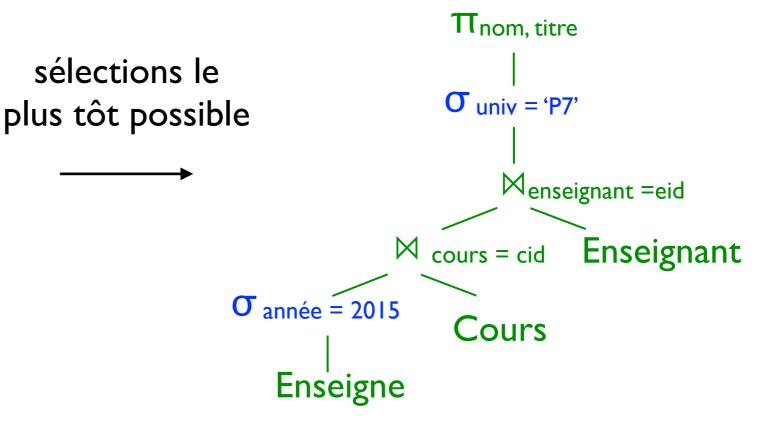
- Enseigne ⋈ (Enseignant ⋈ Cours) :
 - un produit cartésien, un index-join possible
- ▶ (Enseigne ⋈ Enseignant) ⋈ Cours :
 - deux index-join possibles
- ▶ (Enseigne ⋈ Cours) ⋈ Enseignant :
 - deux index-join possibles



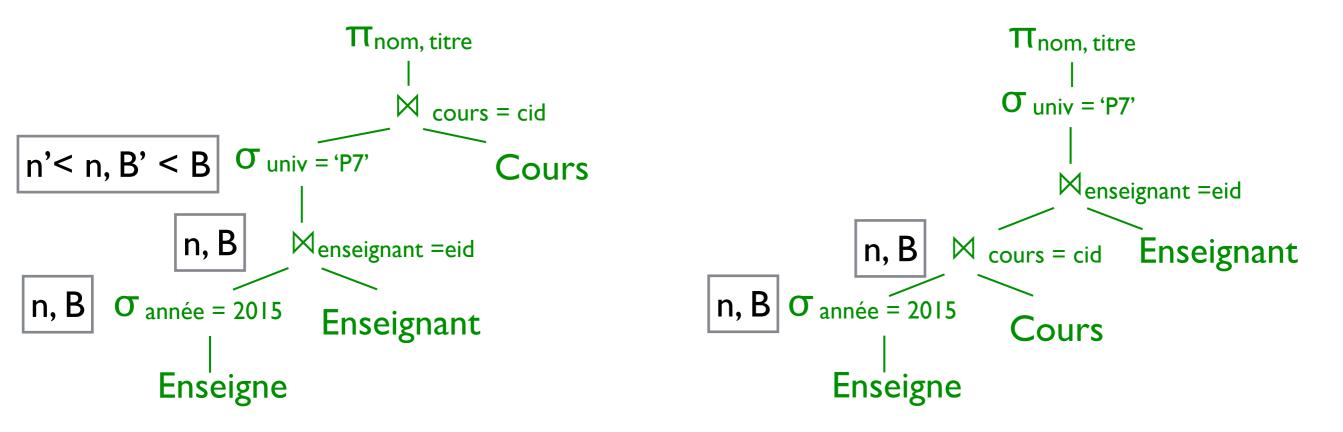






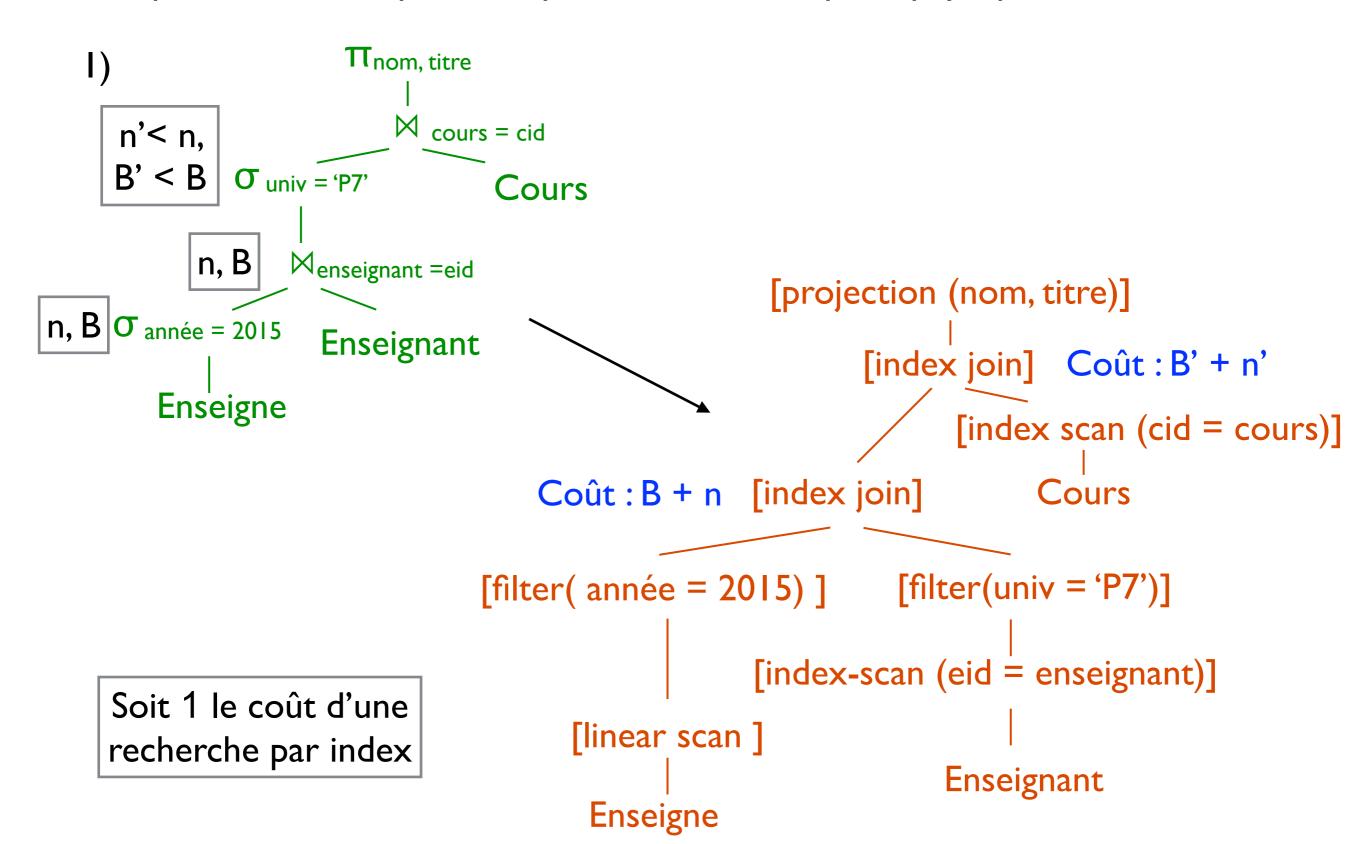


Comparaison des deux plans logiques obtenus

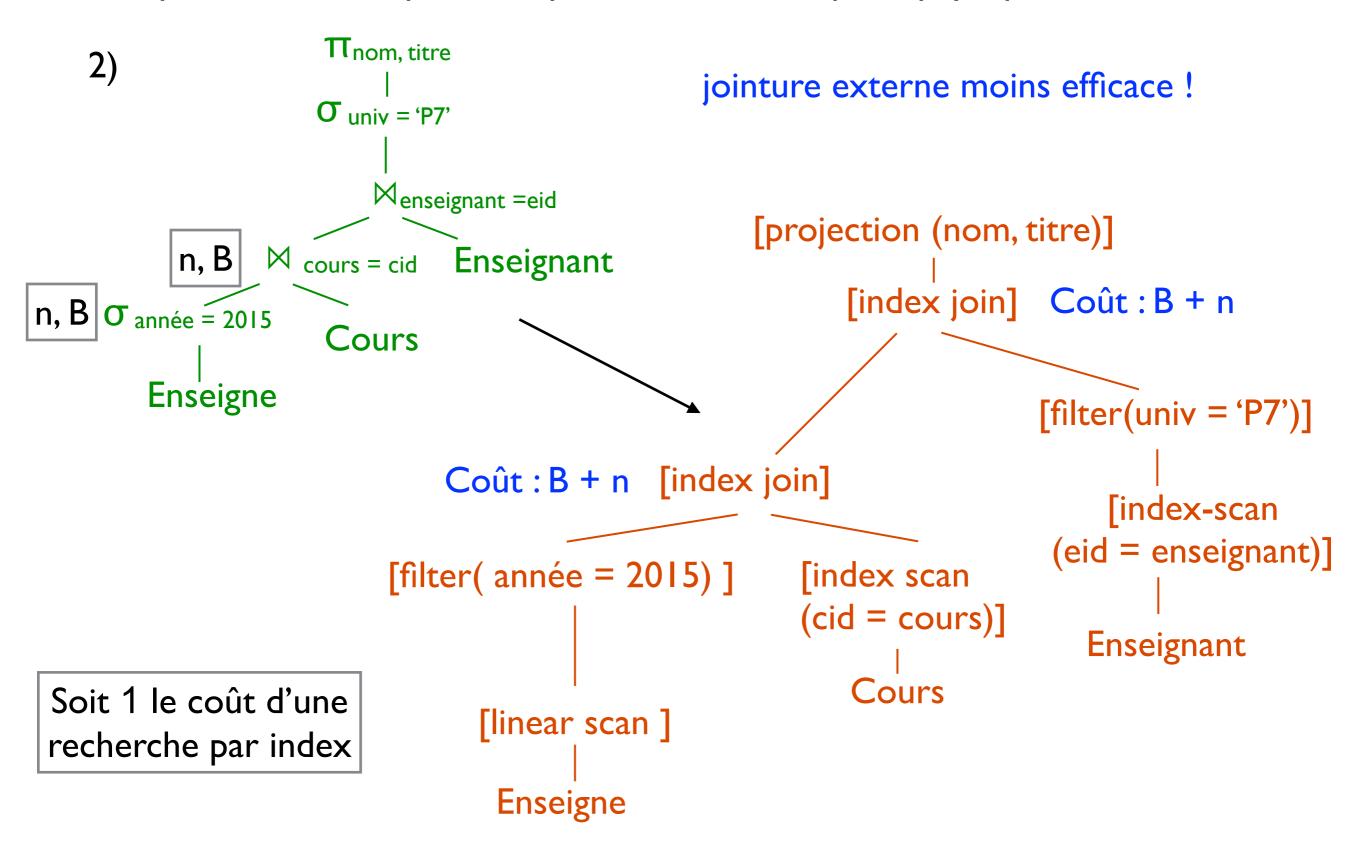


- Estimation des résultats intermédiaires :
 - résultat de la jointure la plus profonde : même taille que le résultat de la sélection sur année (attributs de jointure = clef étrangère)
- Première solution intuitivement meilleure : la jointure la plus externe a un operand plus petit

Plus précisément on peut comparer les coût des plans physiques visés



Plus précisément on peut comparer les coût des plans physiques visés



```
SELECT nom, titre
                                              Plans I) sélectionné:
FROM Enseignant, Cours, Enseigne
WHERE univ = 'P7'
                                            [projection (nom, titre)]
AND année = 2015
                                                  [index join]
AND cid = cours
                                                        [index scan (cid = cours)]
AND eid = enseignant
                                          [index join]
                                                             Cours
                         [filter(année = 2015)] [filter(univ = 'P7')]
                                           [index-scan (eid = enseignant)]
                               [linear scan ]
                                                       Enseignant
                                Enseigne
```

Exemples d'optimisation - Exemple 2

Une optimisation possible de la requête :

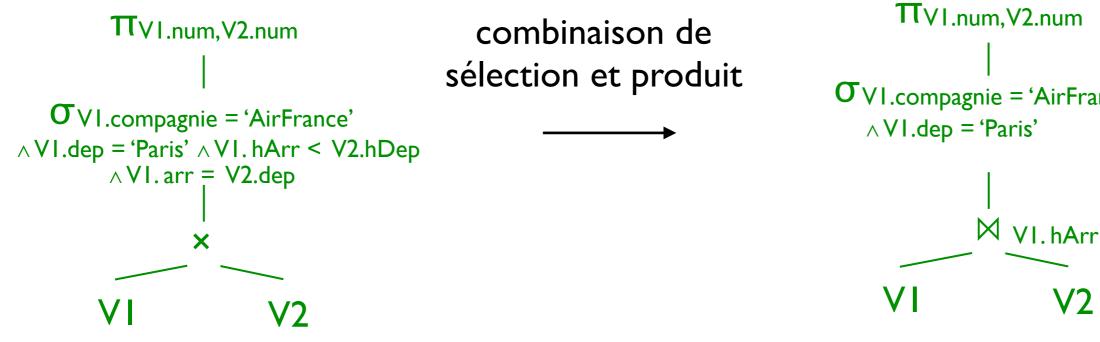
```
SELECT VI. num, V2. num

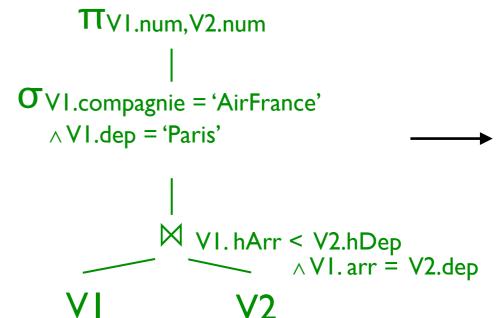
FROM Vol AS VI, Vol AS V2

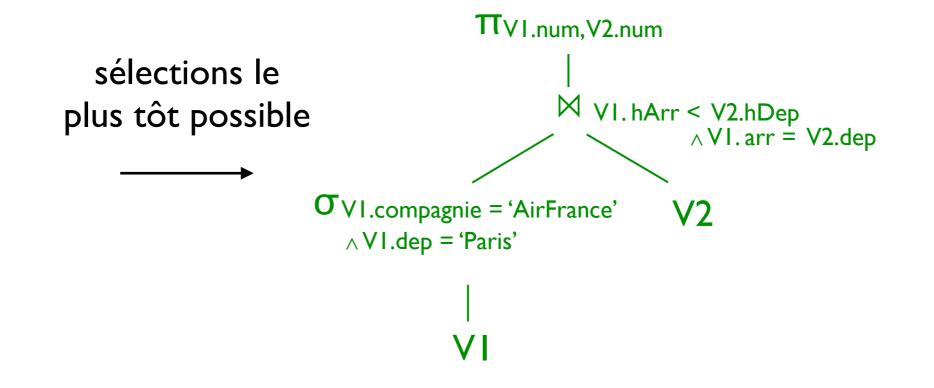
WHERE VI.compagnie = 'Air France' AND VI. dep = 'Paris'

AND VI.arr = V2.dep AND VI. hArr < V2.hDep
```

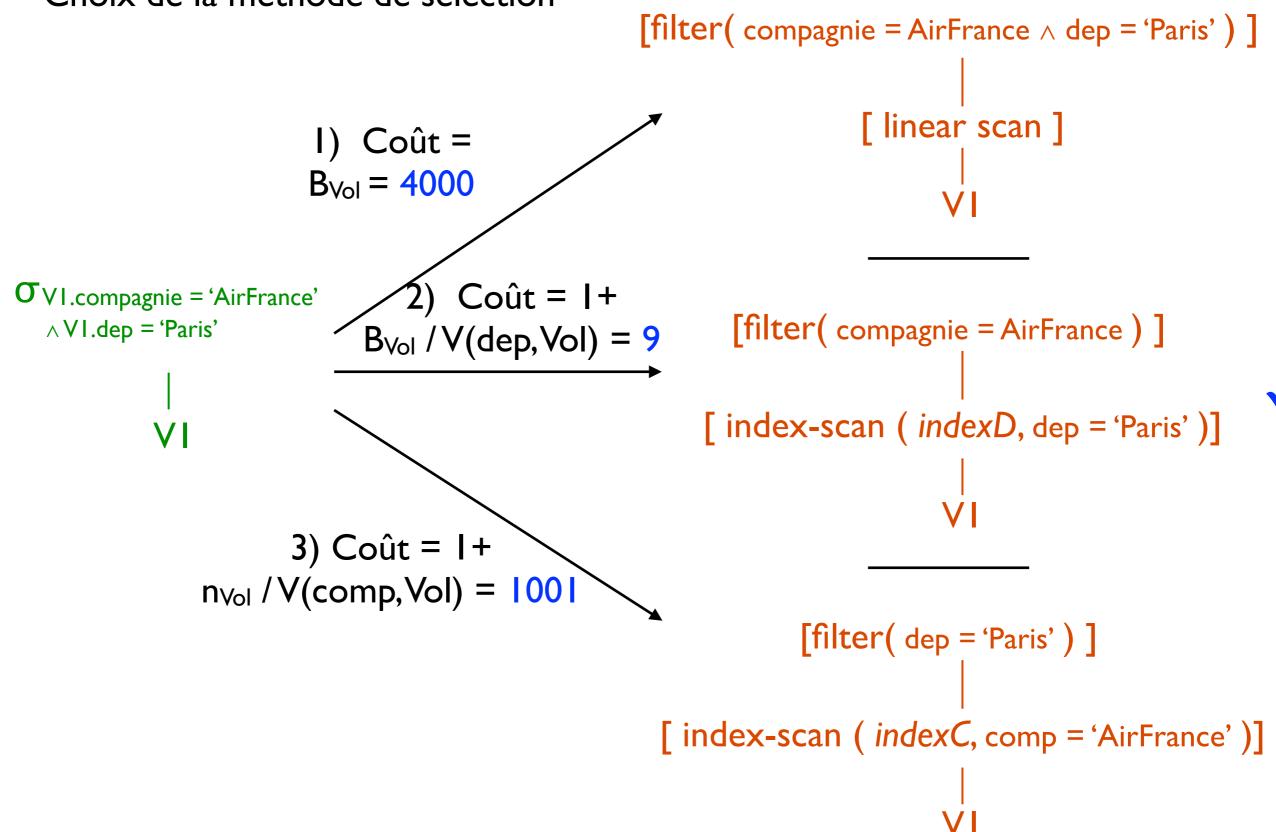
- Sur le schema : Vol (<u>num</u>, compagnie, dep, arr, hDep, hArr)
- Avec les statistiques suivantes :
 - $n_{Vol} = 100 000$, $B_{Vol} = 4000$
 - V (compagnie, Vol) = I00, V(dep, Vol) = I00
 - V(<compagnie, dep>, Vol) = 2000
- M = 4 blocs de buffer
- Index secondaire indexC sur Vol.compagnie
- Index primaire indexD sur Vol. dep





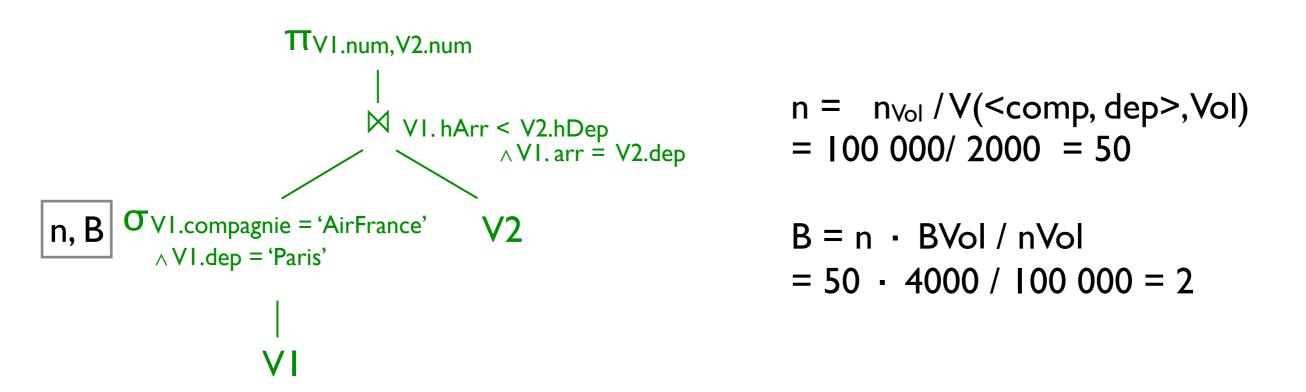


Choix de la méthode de sélection



Exemples d'optimisation - Exemple 2, cont.

Choix de la méthode de jointure



⇒ le résultat intermédiaire de la sélection peut être stocké en mémoire principale
 (M = 4)

cela laisse dans le buffer un autre bloc d'entrée et un bloc de sortie pour effectuer une jointure à une passe (qu'on préfère malgré la possibilité d'index-join)

Exemples d'optimisation - Exemple 2, fin

[index-scan (indexD, dep = 'Paris)]

V2

```
SELECT VI. num, V2. num
FROM Vol AS VI, Vol AS V2
WHERE VI.compagnie = 'Air France'
AND VI. dep = 'Paris'
                                            Plan physique choisi
AND VI.arr = V2.dep
AND VI.hArr < V2.hDep
                                          [projection (VI.num, V2.num)]
                                                 [ one pass join ]
                                [filter( compagnie = AirFrance ) ] [linear scan]
```

Optimisation de requêtes imbriquées

 Requêtes imbriquées : sous-requêtes présentes dans la condition d'une autre requête :
 Ex.

```
SELECT DISTINCT nom

FROM Enseignant

WHERE EXISTS (

SELECT *

FROM Enseigne

WHERE enseignant = eid

AND année = '2015'
)
```

• Typiquement avec correlation : une condition dans la requête interne fait référence à des attributs de la requête externe (appelés paramètres de la requête imbriquée)

```
Ex. WHERE enseignant = eid (eid est le paramètre)
```

Optimisation de requêtes imbriquées

- L'évaluation sans optimisation préalable des requêtes avec imbrication est très inefficace (évaluation corrélée)
- Soit p l'attribut de la requête principale utilisé comme paramètre de la requête imbriquée
 - calculer le resultat de la partie FROM-WHERE de la requête externe
 - pour chaque tuple t de ce résultat :
 - évaluer la requête imbriquée avec valeur t[p] du paramètre
- Pour éviter l'évaluation corrélée les systèmes essaient d'éliminer l'imbrication en phase de création du plan logique (décorrelation)
- la requête obtenue est ensuite optimisée avec des techniques classiques
- décorrelation plus ou moins complexe selon les cas, et pas toujours possible

Un example simple de décorrelation

```
SELECT DISTINCT nom

FROM Enseignant

WHERE EXISTS (

SELECT *

FROM Enseigne

WHERE enseignant = eid

AND année = 2015

SELECT DISTINCT nom

FROM Enseignant, Enseigne

WHERE enseignant = eid

AND année = 2015
```

Un autre example simple

```
SELECT DISTINCT nom

FROM Etudiant

WHERE eid IN (

SELECT Etudiant

FROM Etudiant, Exam

WHERE eid = étudiant

FROM Exam

WHERE date = '01/06/2015'

)
```

- L'agrégation peut rendre la décorrelation plus complexe
- D'abord un exemple avec agrégation sans corrélation :

```
FROM Exam

WHERE note > = (

SELECT AVG (note)

FROM Exam, (SELECT AVG(note) as m

FROM Exam)

WHERE note > = m
```

Un example avec aggregation et correlation :

```
SELECT DISTINCT étudiant, matière

FROM Exam AS E

WHERE note > = (

SELECT AVG (note)

FROM Exam

WHERE matière = E. matière

SELECT DISTINCT étudiant, matière

FROM Exam, (SELECT matière AS s,

AVG(note) as m

FROM Exam

GROUP BY matière)

WHERE matière = s

AND note > = m
```

 Nécessaire de remonter les attributs de la sous-requêtes qui sont utilisés dans la corrélation, avant de pouvoir déplacer la sous-requête dans la clause FROM

- Quand la décorrelation est complexe
 - créer une table temporaire correspondante à la sous-requête sans le conditions de corrélation
 - > ajouter ensuite les conditions de correlation dans la requête principale

```
SELECT DISTINCT nom

FROM Enseignant

WHERE EXISTS (

SELECT *

FROM Enseigne

AND année = 2015

FROM Enseignant = eid

AND année = 2015

FROM Enseignant, T

WHERE enseignant = eid

WHERE enseignant = eid

WHERE enseignant = eid
```

- Quand la décorrelation est complexe
 - créer une table temporaire correspondante à la sous-requête sans le conditions de correlation
 - ajouter ensuite les conditions de correlation dans la requête principale

```
SELECT DISTINCT étudiant, matière

FROM Exam AS E

WHERE note > = (

SELECT AVG (note)

FROM Exam

WHERE matière = E. matière

CREATE TABLE T AS

SELECT matière AS s, AVG(note) as m

FROM Exam

GROUP BY matière

SELECT DISTINCT étudiant, matière

FROM Exam, T

WHERE matière = s

AND note > = m
```

Optimisation de requêtes imbriquées

- La décorrelation est difficile dans le cas général
- Plusieurs systèmes d'optimisation la réalisent en forme très limitée
- Le plus souvent
 - chaque bloc (i.e. sous-requête) de la requête est optimisé séparément
 - évaluation corrélée pour la requête obtenue
- Conséquence :
 - l'évaluation de requêtes imbriquées est en général très inefficace
 - l'efficacité est inversement proportionnelle au nombre de blocs imbriqués
 - bonne pratique pour l'utilisateur :
 éviter le plus possible d'écrire des requêtes imbriqués !

- SQL permet de visualiser le plan d'exécution d'une requête avant de l'exécuter
- Syntaxe dans la plupart des SGBD : EXPLAIN < requete >

• Ex.

```
EXPLAIN SELECT nom, titre

FROM Enseignant, Cours, Enseigne

WHERE univ = 'P7' AND année = 2015

AND cid = cours AND eid = enseignant
```

Construit un plan d'exécution et le visualise sans exécuter la requête

La syntaxe des plans d'exécutions affichés varie d'un SGBD à l'autre

- PostgreSQL affiche l'arbre du plan d'exécution par lignes
 - une ligne pour chaque noeud de l'arbre, flèches = relation enfant

```
Ex. EXPLAIN SELECT *
   FROM T1, T2
   WHERE T1.a = T2.a;
                   QUERY PLAN
Nested Loop (cost=2.37..553.11 rows=106 width=488)
   -> Seq Scan on T1 (cost=0.00..483.00 rows=7033 width=244)
   -> Index Scan using T2_a on T2 (cost=0.00..3.01 rows=1 width=244)
         Index Cond: (a = T1.a)
                                        [indexed nested loop]
  represente le plan :
                                [linear scan ] [index scan (T2_a, a = T1.a)]
```

 PostgreSQL représente pour chaque noeud de l'arbre des informations supplémentaires

```
-> Seq Scan on T1 (cost=0.00..483.00 rows=7033 width=244)
```

- une estimation du coût de l'opérateur pour obtenir le premier résultat
- une estimation du coût de l'opérateur (pour obtenir tous les résultats)
- une estimation du nombre de lignes du résultat
- une estimation de la taille moyenne des tuples dans le résultat

• Les coûts sont exprimés dans l'unité de coût adoptée par PostgreSQL, seuls les valeurs relatifs sont significatifs

- L'ensemble des opérateurs physiques varie aussi selon le SGBD
- En PostgreSQL :
 - Seq Scan ([linear scan]), Index Scan, Nested Loop, Hash Join etc...
 - Une variante de Index Scan : Bitmap Index Scan opère en deux phases
 - 1. première phase (Bitmap Index Scan) : à travers l'index récupère les pointeurs aux tuples et les trie par bloc du fichier de données
 - 2. deuxième phase (Bitmap Heap Scan) : récupère les tuples pointées par ces pointeurs dans le fichier de données
 - la phase de tri permet d'accéder une seule fois à chaque bloc du fichier de données contenant des tuples pointés

- On peut améliorer les performances du système d'optimisation en demandent périodiquement de recalculer les statistiques sur les tables :
- Syntaxe PostgreSQL:

```
ANALYZE recalcule les statistiques sur toutes les tables

ANALYZE Table sur une table en particulier

ANALYZE Table (att1,..., attk) sur les attributs spécifiés d'une table
```