

23

Plotly Data Visualization and Storytelling

Plotly 统计可视化

用 Pandas + Plotly 讲故事：数据分析和可视化



别弄乱了我的圆！

Don't disturb my circles!

—— 阿基米德 (Archimedes) | 数学家、发明家、物理学家 | 287 ~ 212 BC



- ◀ `pandas.crosstab()` 创建交叉制表，根据两个或多个因素的组合统计数据的频数或其他聚合信息
- ◀ `pandas.cut()` 将数值列按照指定的区间划分为离散的分类，并进行标记
- ◀ `pandas.qcut()` 根据数据的分位数将数值列分成指定数量的离散区间
- ◀ `plotly.express.bar()` 创建交互式柱状图
- ◀ `plotly.express.box()` 创建交互式箱型图
- ◀ `plotly.express.density_heatmap()` 创建交互式频数/概率密度热图
- ◀ `plotly.express.imshow()` 创建交互式热图
- ◀ `plotly.express.parallel_categories()` 创建交互式分类数据平行坐标图
- ◀ `plotly.express.pie()` 创建交互式饼图
- ◀ `plotly.express.scatter()` 创建交互式散点图
- ◀ `plotly.express.scatter_matrix()` 创建交互式成对散点图
- ◀ `plotly.express.sunburst()` 创建交互式太阳爆炸图



本 PDF 文件为作者草稿，发布目的为方便读者在移动终端学习，终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有，请勿商用，引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载：<https://github.com/Visualize-ML>

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger：<https://space.bilibili.com/513194466>

欢迎大家批评指教，本书专属邮箱：jiang.visualize.ml@gmail.com

23.1 Plotly 常见可视化方案：以鸢尾花数据为例

自主探究学习时，我们一边完成运算，一边通常利用各种可视化方案完成数据分析和展示。本书第 12 章专门介绍过用 Seaborn 完成统计可视化操作，第 20 章则介绍了 Pandas 中“快速可视化”函数。

Plotly 库也有大量统计可视化方案，而且这些可视化方案具有交互化属性，特别适合探究式学习、结果演示。本章最后用鸢尾花数据再举一个例子，帮大家看到“Pandas 运算 + Plotly 可视化”的力量。

散点图 + 边缘分布

图 1 所示为利用 `plotly.express.scatter()` 绘制的散点图，横轴为鸢尾花花萼长度，纵轴为鸢尾花花瓣长度，而且用不同颜色展示鸢尾花分类。在这幅图上还绘制了边缘箱型图（box plot）。在配套的 Jupyter Notebook 中大家会发现包括图 1 在内的本节所有图片都具有交互性，光标悬停在图片具体对象上就会展示相关数值，很方便分析和展示。

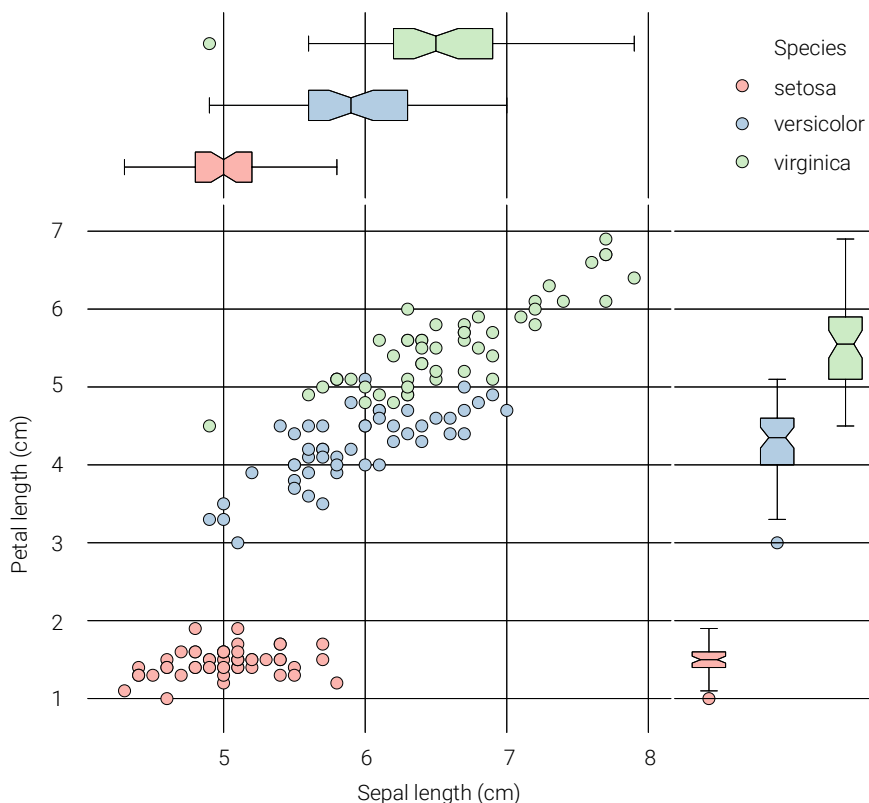


图 1. 用 Plotly 绘制散点图（横轴为花萼长度，纵轴为花瓣长度），边缘分布为箱型图，考虑鸢尾花分类

图 2 代码绘制图 1，下面聊聊其中核心语句。

a 从 Seaborn 库中导入鸢尾花数据集。

b 利用 `plotly.express.scatter()`，简做 `px.scatter()`，创建了一个叫 `fig` 的散点图对象。

本 PDF 文件为作者草稿，发布目的为方便读者在移动终端学习，终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有，请勿商用，引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载：<https://github.com/Visualize-ML>

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger：<https://space.bilibili.com/513194466>

欢迎大家批评指教，本书专属邮箱：jiang.visualize.ml@gmail.com

第一个参数 `df` 为鸢尾花数据集，数据格式为 Pandas `DataFrame`。

然后利用两个关键字参数指定横纵轴特征。数据集 `df` 中的 `sepal_length` 列作为 `x` 轴数据，`petal_length` 列作为 `y` 轴数据。

关键字参数 `color='species'` 指定了渲染编码的依据，即根据数据集中的 '`species`' 列的不同取值来区分不同种类的鸢尾花。

两个参数，`marginal_x='box'` 和 `marginal_y='box'`，分别表示在 `x` 轴和 `y` 轴的边缘添加一个箱型图，用于显示数据在每个轴上的分布情况。

Plotly 散点图还提供其他边缘分布的可视化方案，比如直方图"`histogram`"、毛毯图"`rug`"、小提琴图"`violin`"等，请大家练习使用。

参数 `template="plotly_white"` 设置了图片对象的主题风格，即使用"`plotly_white`"这种白色背景设计。

`width=600` 和 `height=500` 这两个参数分别设置了图表的宽度和高度，以像素为单位。

`color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1` 指定了颜色映射的调色板，即使用 Plotly Express 模块中提供的"`Pastel1`"调色板，以一组柔和的颜色来表示不同种类的花。

`labels={"sepal_length": "Sepal Length (cm)", "petal_length": "Petal length (cm)"}` 用于自定义图表的标签，将 `x` 轴标签设置为 "`Sepal Length (cm)`"，将 `y` 轴标签设置为 "`Petal length (cm)`"。

⚠ 注意，本节后代码中遇到类似参数，将不再重复介绍。

📄 在 JupyterLab 中以交互形式展示图像对象 `fig`。

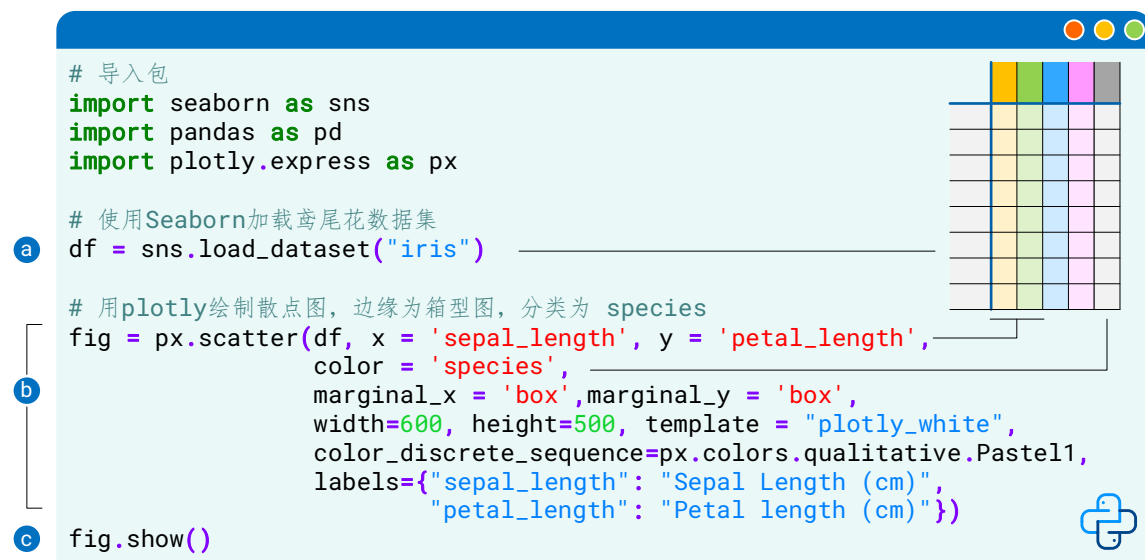


图 2. 用 Plotly 散点图可视化鸢尾花数据

图 3 代码绘制成对散点图矩阵，请大家在本章配套 Jupyter Notebook 中查看结果。^a 调用 `plotly.express.scatter_matrix()`，参数 `dimensions` 用来指定散点图的维度。

注意，不同于 `seaborn.pairplot()`，`plotly.express.scatter_matrix()` 可以展示分类数据维度。

^b 将对角线子图设为不可见。

```
# 绘制成对散点图
fig = px.scatter_matrix(df,
                        dimensions=["sepal_length", "sepal_width",
                                   "petal_length", "petal_width",
                                   "species"],
                        template = "plotly_white",
                        color = 'species', width = 600, height = 600)
fig.update_traces(diagonal_visible=False)
fig.show()
```

图 3. 用 Plotly 绘制成对散点图

23.2 增加一组分类标签

为了增加数据分析的复杂度，我们引入了“花萼面积”这个新特征。“花萼面积”用花萼长度和花萼宽度的乘积估计。然后，根据“花萼面积”的大小将 150 个样本数据几乎均匀地分成 5 个类别，并分别给它们新的标签 A、B、C、D、E，这一列列标签命名为 'Category'。这样除了 'species' 之外，我们有了第 2 个类别标签。表 1 所示为“花萼面积”在不同 'Category' 的统计量总结。

表 1. “花萼面积”在不同 Category 分类下的统计量

	Area (cm ²)						
Category	min	max	mean	median	std	Range	Number
A	10.00	15.00	13.42	13.70	1.28	5.00	30
B	15.04	16.80	15.91	15.91	0.54	1.76	30
C	16.83	18.30	17.62	17.68	0.44	1.47	31
D	18.36	20.77	19.70	19.61	0.73	2.41	29
E	20.79	30.02	22.53	21.63	2.27	9.23	30

图 4 代码完成上述运算分析，下面讲解其中关键语句。

^a 计算“花萼面积”，并将结果保存在原始数据帧中，列标签为 'area'。

^b 利用 `pandas.qcut()` 函数根据 'area' 列的大小将鸢尾花数据集大致均分为 5 个区间。同时，将生成的区间标签 'A'、'B'、'C'、'D'、'E' 分配给新创建的 'Category' 列。有很多情况会造成“不完全均分”的情况，比如样本数量不能被区间数量整除，再比如某些样本量值重复出现。

^c 定义了一个名为 `list_stats` 的列表，其中包含了要计算的统计量的名称，其中包括 `min`（最小值）、`max`（最大值）、`mean`（均值）、`median`（中位数）、`std`（标准差）。

本 PDF 文件为作者草稿，发布目的为方便读者在移动终端学习，终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有，请勿商用，引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载：<https://github.com/Visualize-ML>

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger：<https://space.bilibili.com/513194466>

欢迎大家批评指教，本书专属邮箱：jiang.visualize.ml@gmail.com

d 利用 `pandas.DataFrame.groupby()` 进行分组计算统计量。这个方法利用 'Category' 对 `df` 进行分组，针对 'area'，归纳 (agg) 计算 `list_stats` 中列出的统计量。计算结果储存在新的 `DataFrame` 中，如所示，每一行代表不同的 'Category'，每一列代表不同统计量。

当然，在选择分组维度时，我们也可以选择不止一个标签，大家马上就会看到同时用 'Category'、'species' 进行分组的例子。

- e** 计算极差 (range)，即最大值减去最小值。
- f** 计算每个每组的计数。当然，大家也可以在 `list_stats` 加入 'count' 来完成计数。
- g** 将分组统计结果存成 CSV 文件。可以在 JupyterLab 中打开查看，也可以用 Excel 打开查看。

```

# 用 花萼长度 * 花萼宽度 代表花萼面积
a df['area'] = df['sepal_length'] * df['sepal_width']

# 用花萼面积大小将样本等分为数量（大致）相等的5个区间
b df['Category'] = pd.qcut(df['area'], 5,
                           labels = ['A','B','C','D','E'])

# 按区间汇总（最小值，最大值，均值，标准差）
c list_stats = ['min', 'max', 'mean', 'median', 'std']
d stats_by_area = df.groupby('Category')['area'].agg(list_stats)

# 计算极差，最大值 - 最小值
e stats_by_area['Range'] = stats_by_area['max'] - stats_by_area['min']
# 每个区间的样本数量；还可以在list_stats中加 'count'
f stats_by_area['Number'] = df['Category'].value_counts()

# 将结果存为 CSV
g stats_by_area.to_csv('stats_by_area.csv')

```

图 4. 增加“花萼面积”特征，并根据其大小对鸢尾花数据分类分析；使用时配合前文代码；

图5所示为不同 'Category' 条件下的“花萼面积”散点图，对应图7中 **a**。图6不同 'Category' 条件下的“花萼面积”的“箱型图 + 散点图”，对应图7中 **b**。

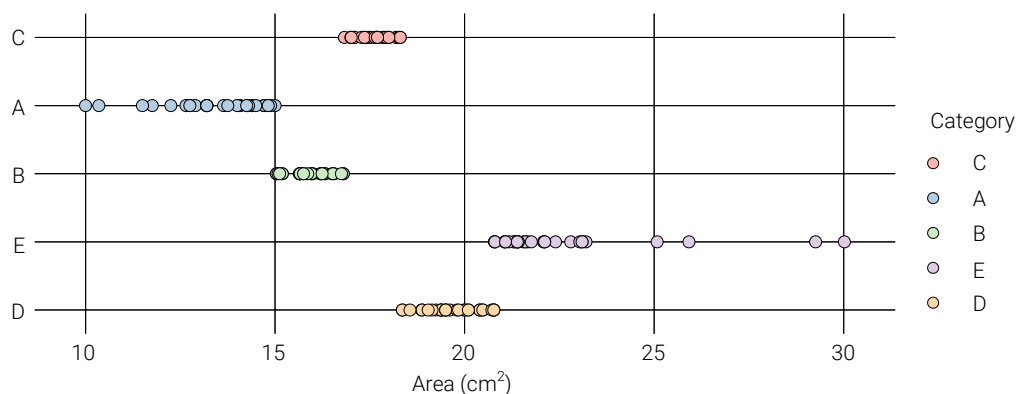


图 5. 用“花萼面积”对鸢尾花数据集再分割

本 PDF 文件为作者草稿，发布目的为方便读者在移动终端学习，终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有，请勿商用，引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载：<https://github.com/Visualize-ML>

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: <https://space.bilibili.com/513194466>

欢迎大家批评指教，本书专属邮箱：jiang.visualize.ml@gmail.com

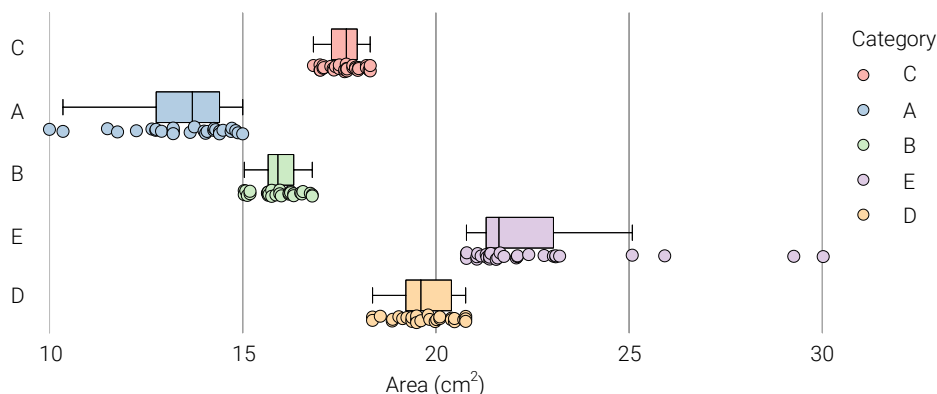


图 6. “花萼面积”的箱型图，考虑 'Category' 分类

```

# 用Plotly绘制散点图，维度为面积，分类为Category
fig = px.scatter(df, x = 'area', y = 'Category',
                 color = 'Category',
                 template = "plotly_white",
                 width=600, height=300,
                 color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1)

fig.show()

# 用Plotly绘制箱型图，维度为面积，分类为Category
fig = px.box(df, x = 'area', y = 'Category',
             color = 'Category', points="all",
             template = "plotly_white",
             width=600, height=300,
             color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1)

fig.show()

```

图 7. 用 Plotly 绘制散点图和箱型图，分类展示“花萼面积”；使用时配合前文代码

新标签下的原始特征

类似 'species' 这个分类标签，我们也可以使用 'Category' 这个新标签分析原始特征数据，比如花萼长度。图 8 所示为考虑 'Category' 分类情况下，鸢尾花长度的箱型图。图 9 所示为花萼长度、花萼宽度的散点图，用不同颜色渲染 'Category' 分类。边缘分布还是箱型图。

图 10 中 **a** 和 **b** 分别绘制图 8 和图 9，请大家根据前文讲解逐句注释。

值得一提的是，**a** 中 `category_orders={"Category": ["A", "B", "C", "D", "E"]}` 指定 'Category' 列的排序顺序。

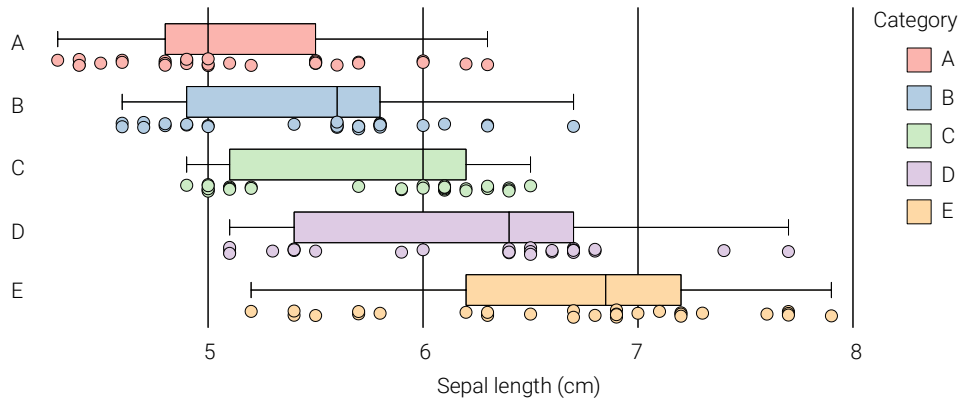


图 8. 花萼长度的箱型图，考虑 'Category' 分类

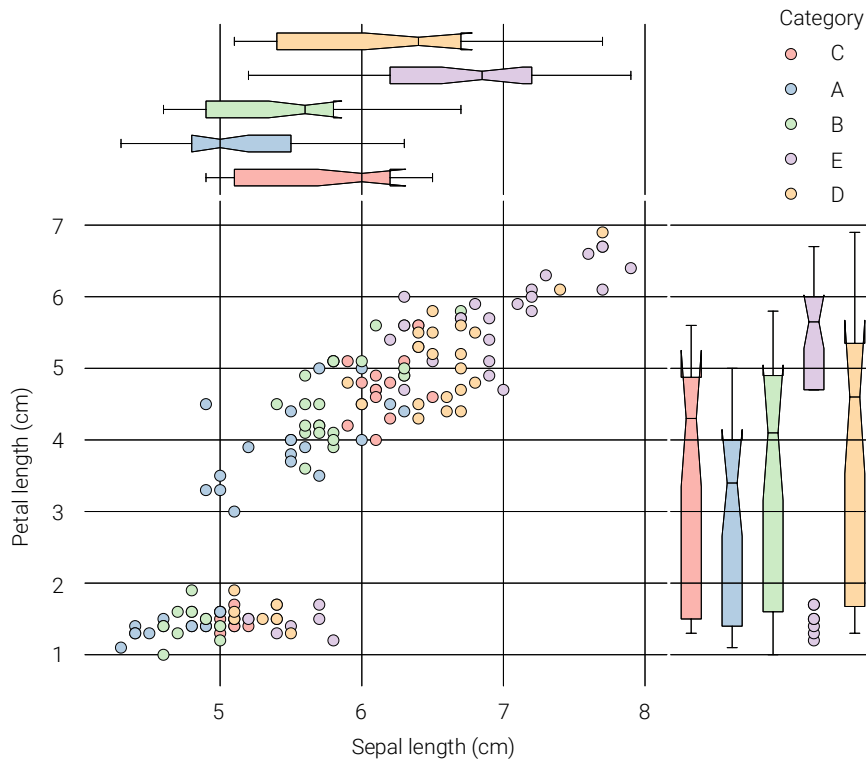


图 9. 用 Plotly 绘制散点图 (横轴为花萼长度，纵轴为花瓣长度)，边缘分布为箱型图，考虑“花萼面积”分类

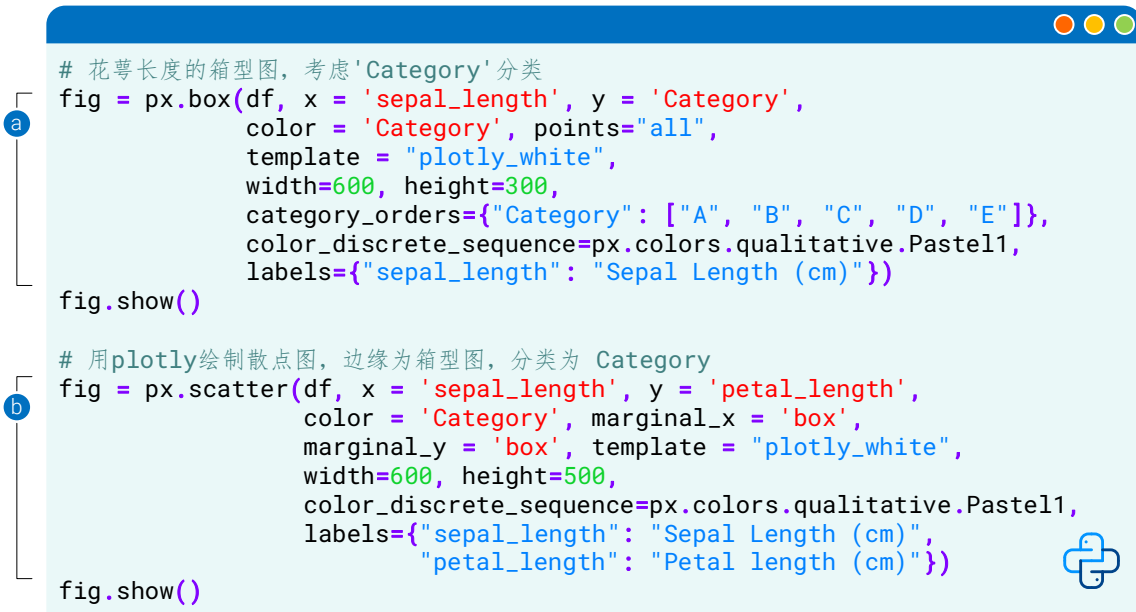


图 10. 用 Plotly 绘制散点图和箱型图，分类展示“花萼长度”；使用时配合前文代码

23.3 两组标签：两个维度

本节前文都是从单一维度分割 150 个样本数据，下面我们从两个维度，'species' 和 'Category'，分割数据。

如图 11 (a) 所示，从两个维度分割得到的结果为一个二维数组，即矩阵。图 11 (a) 的数值为频数 (frequency)，即计数。也就是说，每个格子的数值代表满足分类条件的样本具体数量。

请大家用 Pandas 求和函数，计算图 11 (a) 所有值之和是否为 150。然后再分别计算图 11 (a) 沿行方向、沿列方向的求和，并用 `df['Category'].value_counts().sort_index()` 和 `df['species'].value_counts().sort_index()` 验证结果。

图 11 (b) 的每个格子代表满足特定分类条件的样本概率，即计数除以样本总数。也请大家分别计算图 11 (b) 所有数值总和，以及沿行方向、沿列方向的求和，并想办法验证结果。

下面聊聊图 12 代码中关键语句。

a 利用 `pandas.crosstab()` 创建交叉制表，对 `df` 指定两个列进行交叉分析。这个函数默认计算频率，也可以设置一个或多个聚合运算。

参数 `index = df['Category']` 指定了要用作交叉制表的行索引的列。当然，我们也可以指定两个或更多列，本章后文会介绍。'Category' 列的值将用作行索引，每个不同的值都将成为交叉制表中的一行。

参数 `columns = df['species']` 指定了要用作交叉制表的列索引的列。'species' 列的值将用作列索引，每个不同的值都将成为交叉表中的一列。

总结来说，这句代码生成一个交叉制表，其中的行表示 'Category' 列的不同值，列表示 'species' 列的不同值，而表格中的每个单元格则表示在这个维度组合下鸢尾花数据样本出现的频率 (frequency) 或计数 (count)。

b 利用 `plotly.express.imshow()` 创建热图对象。

参数 `text_auto=True` 用于控制是否自动在图中显示文本标签。将其设置为 `True`，表示在每个单元格中显示数值文本标签，以显示交叉制表的频率或计数值。

❷ 类似❶；不同的是参数 `normalize = 'all'` 指定标准化的方法，'all' 表示对整个交叉制表进行标准化，将每个频数除以样本数总和，以得到概率。这就是为什么图 11 (b) 中热图所有格子值的总和为 1。

❸ 类似；不同的是 `text_auto='.3f'`，表示数值以浮点数的格式保留三位小数显示。

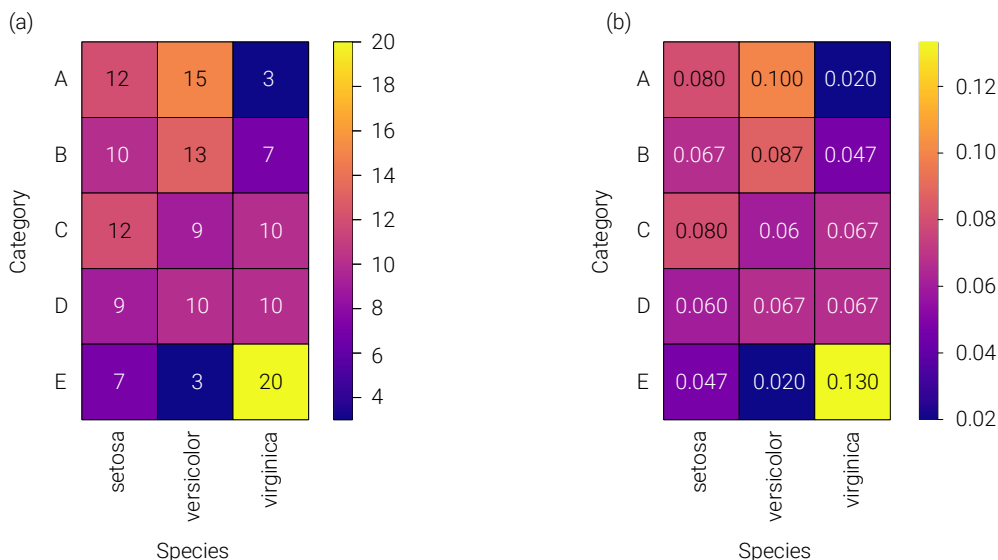


图 11. 用 `plotly.express.imshow()` 绘制频率和概率热图，两个分割维度

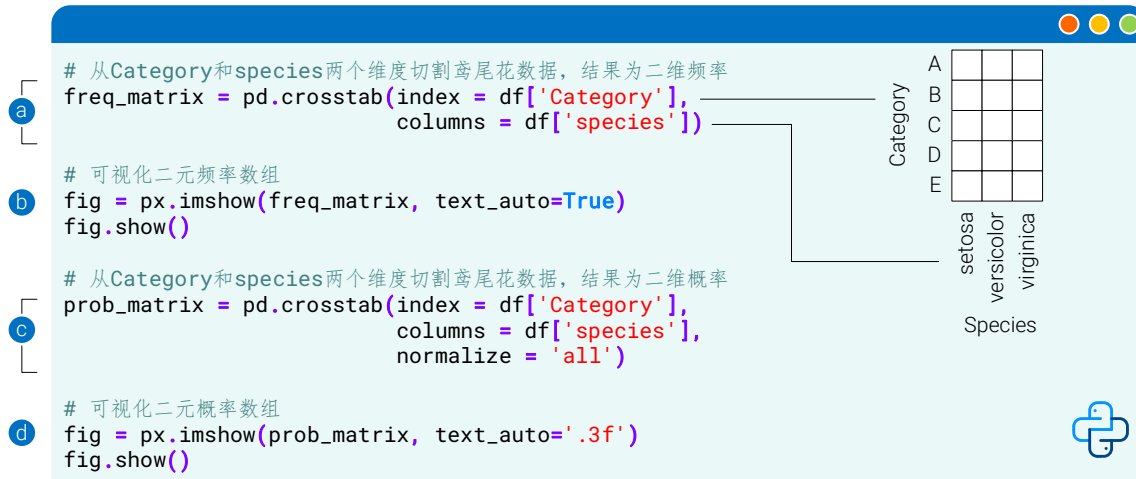


图 12. 用 `plotly.express.imshow()` 绘制频率和概率热图；使用时配合前文代码

图 11 两幅子图的结果是利用 `pandas.crosstab()` 计算得到的，当然我们也可以使用 `plotly.express.density_heatmap()` 跳过计算直接绘制类似图像，具体如图 13 所示。

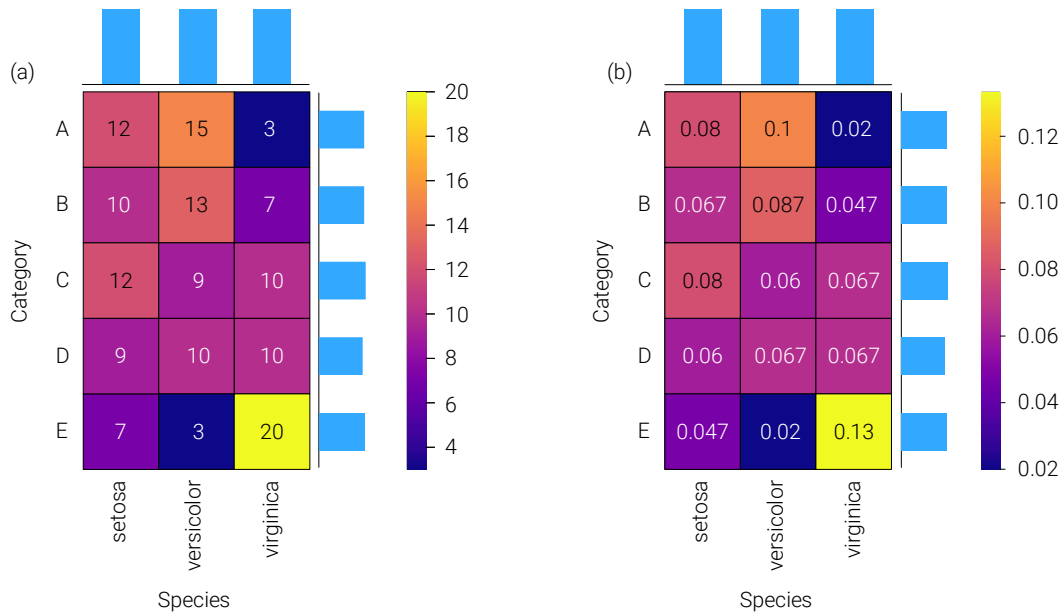


图 13. 用 `plotly.express.density_heatmap()` 绘制频率和概率热图，边缘分布为直方图，两个分割维度

图 14 中代码绘制图 13。^a 利用 `plotly.express.density_heatmap()` 绘制频数/概率热图。注意，默认计算频数，即计数。参数 `x = 'species'` 和 `y = 'Category'` 指定了在热图中要显示的数据的 `x` 轴和 `y` 轴变量。

再次强调，`category_orders={"Category": ["A", "B", "C", "D", "E"]}` 采用字典指定分类变量 'Category' 的顺序。大家也可以试着同时指定 `species` 的顺序。

`marginal_x="histogram"` 和 `marginal_y="histogram"` 这两个参数指定了在 `x` 轴和 `y` 轴上显示边际直方图。

^b 和 ^a 类似，不同的是参数 `histnorm='probability'` 指定直方图的标准方法。设置为 'probability' 表示热图中的数值标准化为概率密度。

```

# 绘制二维直方热图 + 边缘直方图，计数
fig = px.density_heatmap(df, x = 'species', y = 'Category',
                        category_orders={"Category":
                                         ["A", "B", "C", "D", "E"]},
                        marginal_x="histogram", marginal_y="histogram",
                        text_auto = True, width = 400, height = 500)
fig.show()

# 绘制二维直方热图 + 边缘直方图，概率
fig = px.density_heatmap(df, x = 'species', y = 'Category',
                        category_orders={"Category":
                                         ["A", "B", "C", "D", "E"]},
                        marginal_x="histogram", marginal_y="histogram",
                        histnorm = 'probability',
                        text_auto='.3f', width = 400, height = 500)
fig.show()

```

图 14. 用 `plotly.express.density_heatmap()` 绘制二维频率和概率热图；使用时配合前文代码

图 15 这幅图也是用 `plotly.express.density_heatmap()` 绘制。这幅图明显的特点是采用 5×3 子图布局。这样便于展示在不同分类组合条件下，其他量化特征的分布情况。

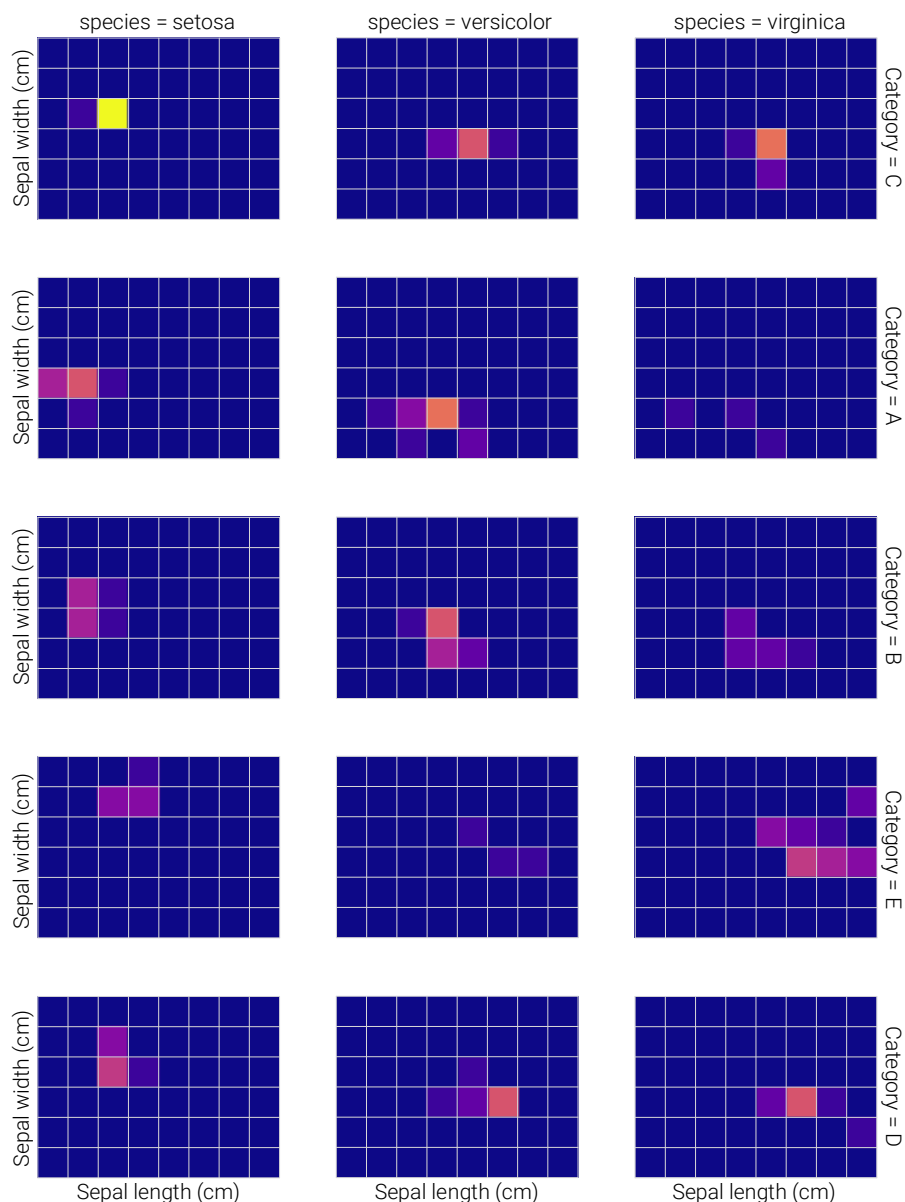


图 15. 频率热图，子图布局

图 16 代码绘制图 15。其中，`x="sepal_length"` 和 `y="sepal_width"` 这两个参数指定了在子图热图中要显示的数据的 `x` 轴和 `y` 轴变量。

这两个参数，`facet_row="Category"` 和 `facet_col="species"` 用于进行子图布局。`facet_row` 将数据分成多行子图，每行对应于不同的 'Category' 值；`facet_col` 将数据分成多列子图，每列对应于不同的 'species' 值。

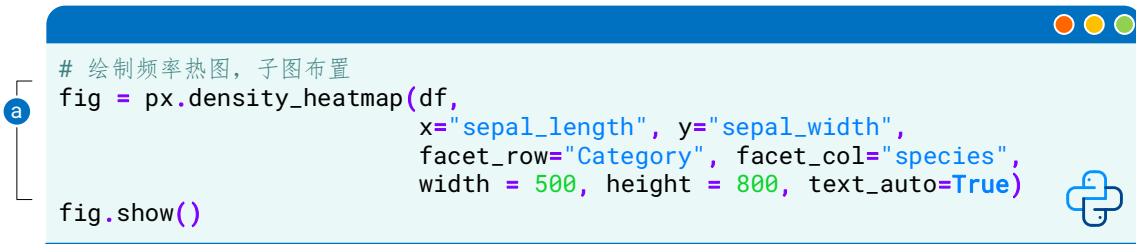


图 16. 用 plotly.express.density_heatmap() 绘制频率热图, 子图布置; 使用时配合前文代码

23.4 可视化比例: 柱状图、饼图

如果我们好奇鸢尾花数据集中不同标签数据对应的数据比例, 则可以用 `pandas.Series.value_counts(normalize=True)` 完成计算。

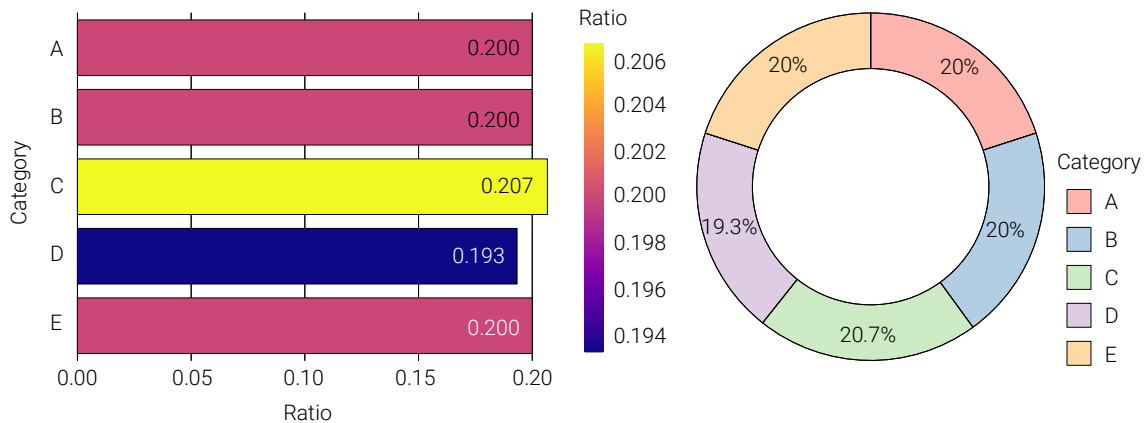


图 17. 用 plotly.express.bar() 和 plotly.express.pie() 可视化 'Category' 分类比例

```

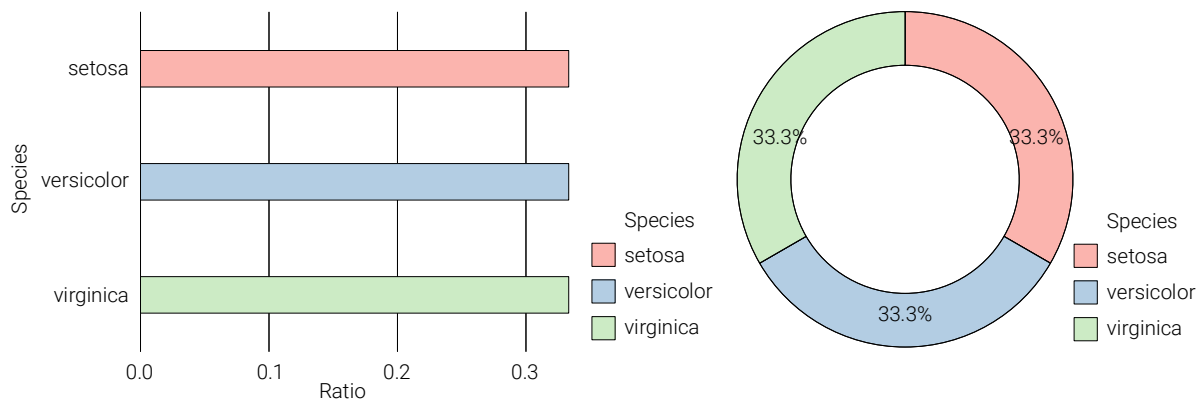
# 计算 Category 分类比例
a ctg_percent = df['Category'].value_counts(normalize=True)
b ctg_percent = pd.DataFrame({'Category':ctg_percent.index,
                             'Percent':ctg_percent.values})

# 用直方图展示 Category 分类比例
c fig = px.bar(ctg_percent,
               x="Percent", y="Category",
               category_orders={"Category": ["A", "B", "C", "D", "E"]},
               color = "Percent", orientation='h',
               text_auto = '.3f')
d fig.show()

# 用饼图可视化 Category 百分比
e fig = px.pie(ctg_percent,
               category_orders={"Category": ["A", "B", "C", "D", "E"]},
               color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1,
               values='Ratio', names='Category')
fig.update_traces(hole=.68)
fig.show()

```

图 18. 可视化 'Category' 分类比例，柱状图和饼图；使用时配合前文代码

图 19. 用 `plotly.express.bar()` 和 `plotly.express.pie()` 可视化 'species' 分类比例

```

# 计算 species 分类比例
a species_percent = df['species'].value_counts(normalize=True)
b species_percent = pd.DataFrame({'species':species_percent.index,
                                'Ratio':species_percent.values})

# 用柱状图可视化 species 分类比例
c fig = px.bar(species_percent,
               x="Ratio", y="species",
               category_orders={"species":
                               ["setosa", "versicolor", "virginica"]},
               color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1,
               color = "species", orientation='h',
               text_auto = '.3f')

fig.show()

# 用饼图可视化 species 分类百分比
d fig = px.pie(species_percent,
               category_orders={"species":
                               ["setosa", "versicolor", "virginica"]},
               color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1,
               values='Ratio', names='species')

fig.update_traces(hole=.68)
fig.show()

```

图 20. 可视化 'species' 分类比例，柱状图和饼图；使用时配合前文代码

23.5 钻取：多个层次之间的导航和探索

既然我们有两个不同分类维度，那么问题来了，我们能否量化并可视化不同 'Category' 中 'species' 的比例？

同理，我们能否量化并可视化不同 'species' 中 'Category' 的比例？

类似这种操作都叫做钻取 (drill down)。钻取常用于在数据的多个层次之间进行导航和探索，以深入了解数据的细节。简单来说，钻取就是不断细分；用大白话来说就是，不断切片切块、切丝切条。

下面，我们就利用 Pandas 和 Plotly 试着完成钻取运算和可视化。

注意，图 21 和图 22 中所有分段柱子之和均为 1。

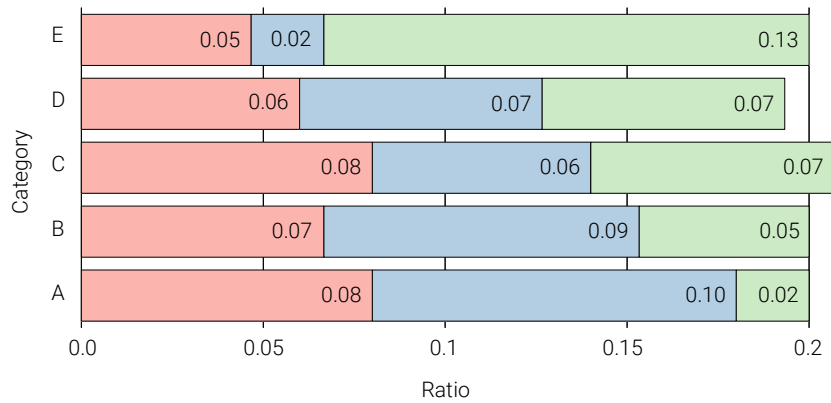


图 21. 用堆叠柱状图可视化 Category 中 species 的绝对比例；钻取顺序 Category → species；所有分段柱子之和为 1

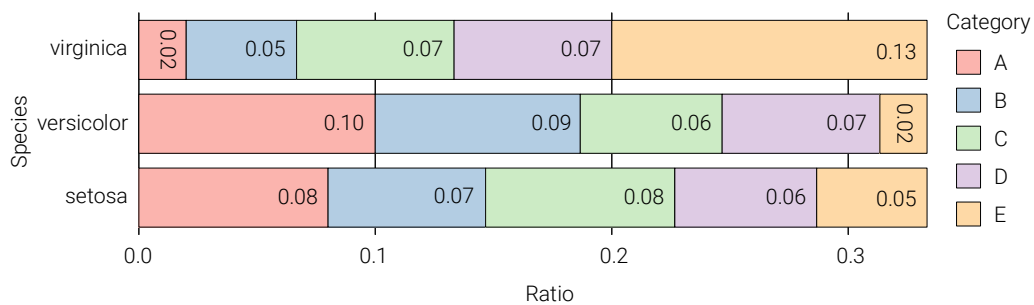


图 22. 用堆叠柱状图可视化 species 中 Category 的绝对比例；钻取顺序 species → Category；所有分段柱子之和为 1

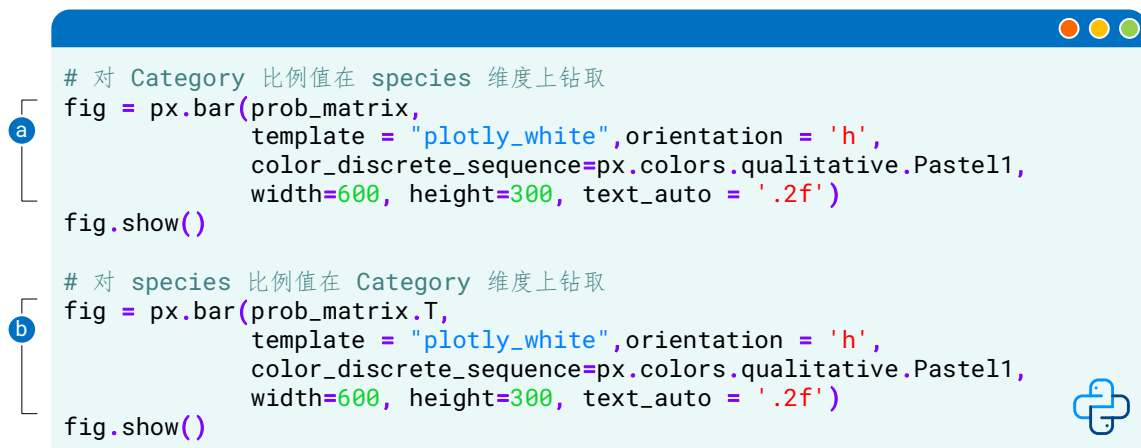


图 23. 用 plotly.express.bar() 绘制堆叠柱状图；使用时配合前文代码

相对比例钻取

图 21 有个缺陷，它不能直接回答“Category 为 A 时，setosa 的占比为多少？”

也就是说，我们不再关心“绝对比例值”，而是关心“相对比例值”。

想要回答这个问题，需要计算 $0.08 / (0.08 + 0.10 + 0.02)$ ，结果为 0.4。这个值在概率统计中也叫条件概率 (conditional probability)。

本 PDF 文件为作者草稿，发布目的为方便读者在移动终端学习，终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有，请勿商用，引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载：<https://github.com/Visualize-ML>

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: <https://space.bilibili.com/513194466>

欢迎大家批评指教，本书专属邮箱：jiang.visualize.ml@gmail.com

注意，图 24 和图 25 中所有分段柱子之和均为 1。



鸢尾花书《统计至简》将专门讲解条件概率。

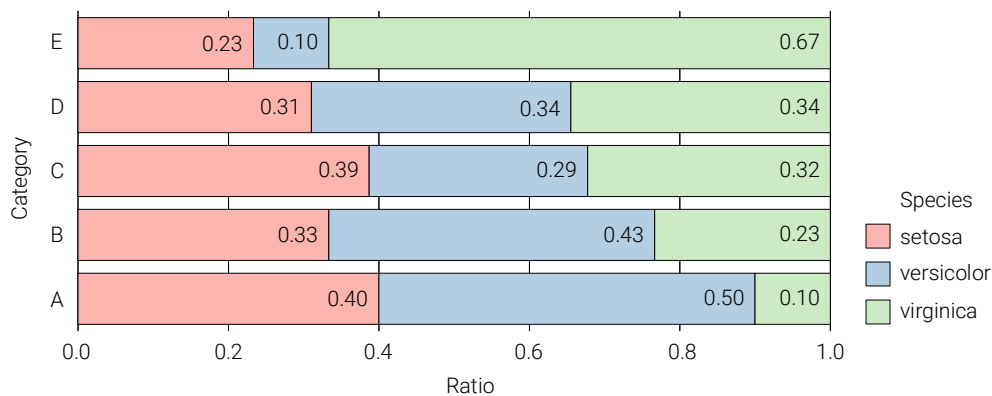


图 24. 用堆叠柱状图可视化 Category 中 species 的相对比例；钻取顺序 Category → species；每个柱子分段长度之和为 1

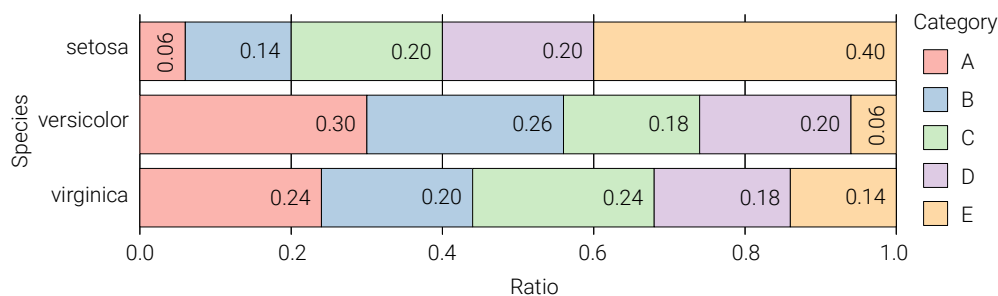


图 25. 用堆叠柱状图可视化 species 中 Category 的相对比例；钻取顺序 species → Category；每个柱子分段长度之和为 1

```

# 计算Category中species的相对比例
a ratio_species_in_category = pd.crosstab(index = df['Category'],
                                           columns = df['species'],
                                           normalize = 'index')

# 可视化
b fig = px.bar(ratio_species_in_category,
               template = "plotly_white", orientation = 'h',
               color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1,
               width=600, height=300, text_auto = '.2f')
fig.show()

# 计算species中Category的比例
c ratio_category_in_species = pd.crosstab(index = df['Category'],
                                           columns = df['species'],
                                           normalize = 'columns').T

# 可视化
d fig = px.bar(ratio_category_in_species,
               template = "plotly_white", orientation = 'h',
               color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1,
               width=600, height=300, text_auto = '.2f')
fig.show()

```

图 26. 计算并可视化相对比例；使用时配合前文代码

23.6 太阳爆炸图：展示层次结构

`plotly.express.sunburst()` 是 Plotly Express 库中用于创建太阳爆炸图 (Sunburst Chart) 的函数。太阳爆炸图一般呈太阳状或环状，通常用于展示层次结构或树状数据的分布情况，以及不同级别之间的关系。

下面，我们用太阳爆炸图可视化上述比例钻取。

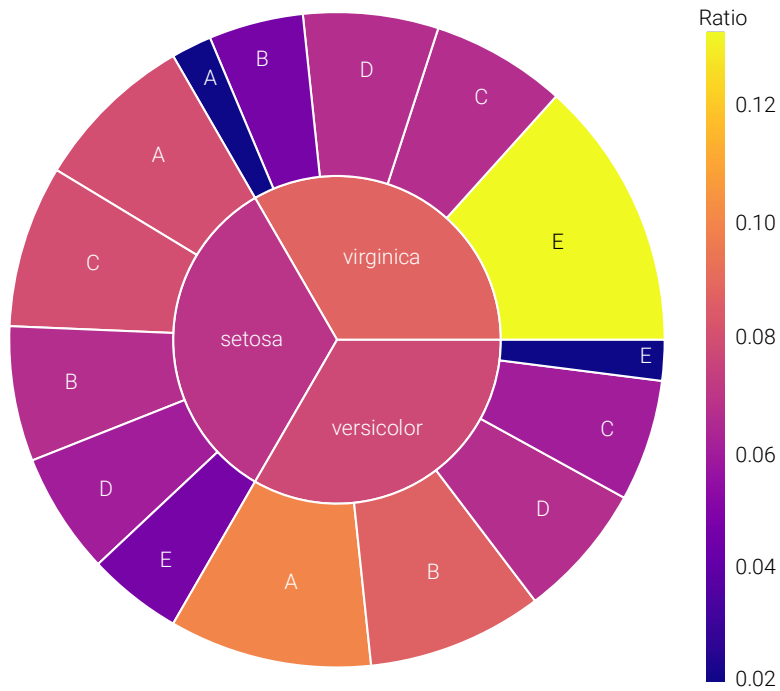


图 27. 太阳爆炸图可视化绝对比例钻取，钻取顺序 species → Category

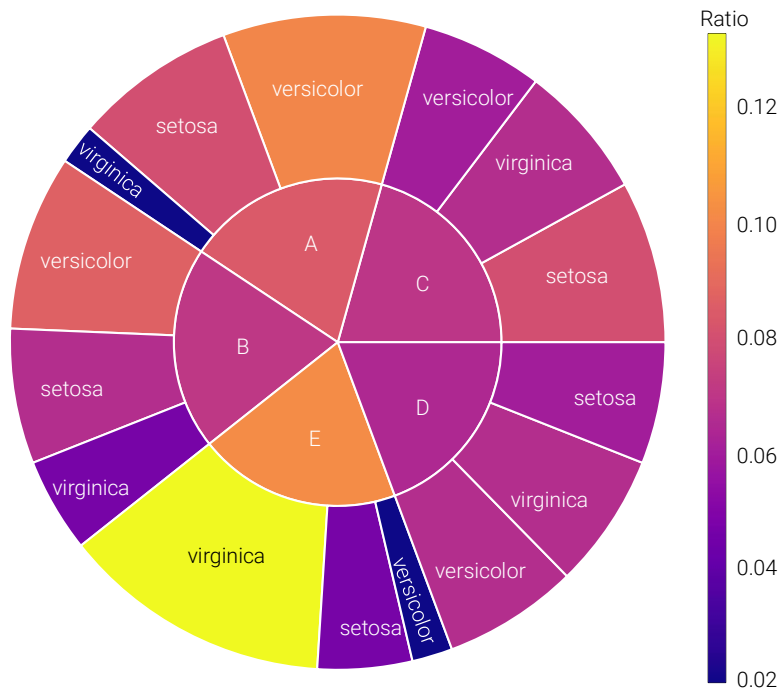


图 28. 太阳爆炸图可视化绝对比例钻取，钻取顺序 Category → species



请大家查询 Plotly 技术文档想办法修改太阳爆炸图的颜色映射。

本 PDF 文件为作者草稿，发布目的为方便读者在移动终端学习，终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有，请勿商用，引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载：<https://github.com/Visualize-ML>

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger：<https://space.bilibili.com/513194466>

欢迎大家批评指教，本书专属邮箱：jiang.visualize.ml@gmail.com

```

# 将概率值（比例值）stack 起来
a prob_matrix_stacked = prob_matrix.stack().reset_index().rename(
    columns={0: "Ratio"})

# 用太阳爆炸图进行钻取，先 species, 再 Category
b fig = px.sunburst(prob_matrix_stacked,
    path=['species', 'Category'],
    values='Ratio', color='Ratio',
    width = 600, height = 600)
fig.show()

# 用太阳爆炸图进行钻取，先 Category, 再 species
c fig = px.sunburst(prob_matrix_stacked,
    path=['Category', 'species'],
    values='Ratio', color='Ratio',
    width = 600, height = 600)
fig.show()

```

图 29. 用 plotly.express.sunburst() 绘制太阳爆炸图；使用时配合前文代码

23.7 增加第三分类维度

下面，我们进一步提升分析的复杂度！将 DataFrame 中的花萼长度数据根据指定区间分组，每一组添加一个标签。比如，“4 - 5 cm”表示 4 到 5，左闭右开，之间的花萼长度。

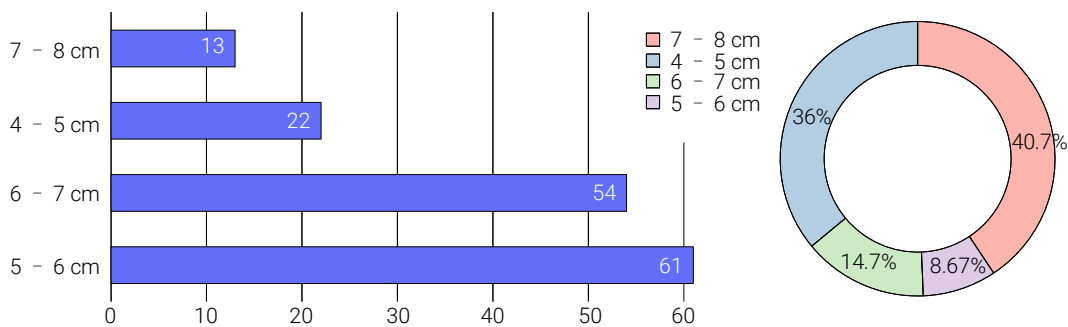


图 30. 可视化 sepal_length_bins 维度的样本计数

```

# 再增加一层钻取维度
# 设置标签
a labels = ["{0} - {1} cm".format(i, i+1) for i in range(4, 8)]
# 用pandas.cut() 划分区间
b df["sepal_length_bins"] = pd.cut(df.sepal_length, range(4, 9),
                                right=False, labels=labels)

# 计算频数
c sepal_length_bins_counts = df["sepal_length_bins"].value_counts()
d sepal_length_bins_counts = pd.DataFrame({
    'sepal_length_bins':sepal_length_bins_counts.index,
    'Count':sepal_length_bins_counts.values})

# 可视化第三维度样本计数
e fig = px.bar(sepal_length_bins_counts,
              x = 'Count', y = 'sepal_length_bins',
              orientation = 'h', text_auto=True)
fig.show()

# 可视化第三维度样本百分比
f fig = px.pie(sepal_length_bins_counts,
              color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1,
              values='Count', names='sepal_length_bins')
fig.update_traces(hole=.68)
fig.show()

```



图 31. 根据花萼长度再增加一个分类维度；使用时配合前文代码

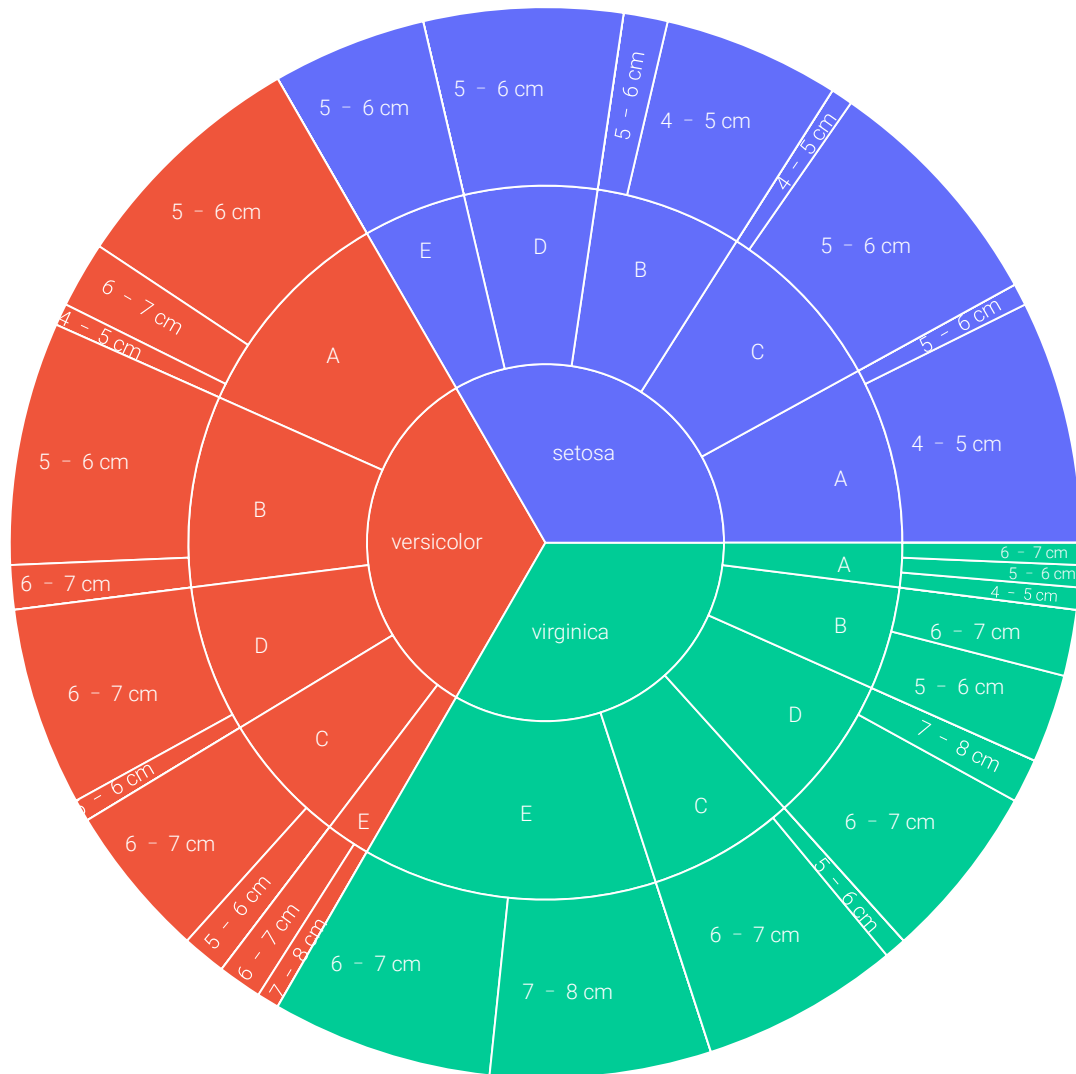


图 32. 太阳爆炸图可视化绝对比例钻取，钻取顺序 species → Category → sepal_length_bins

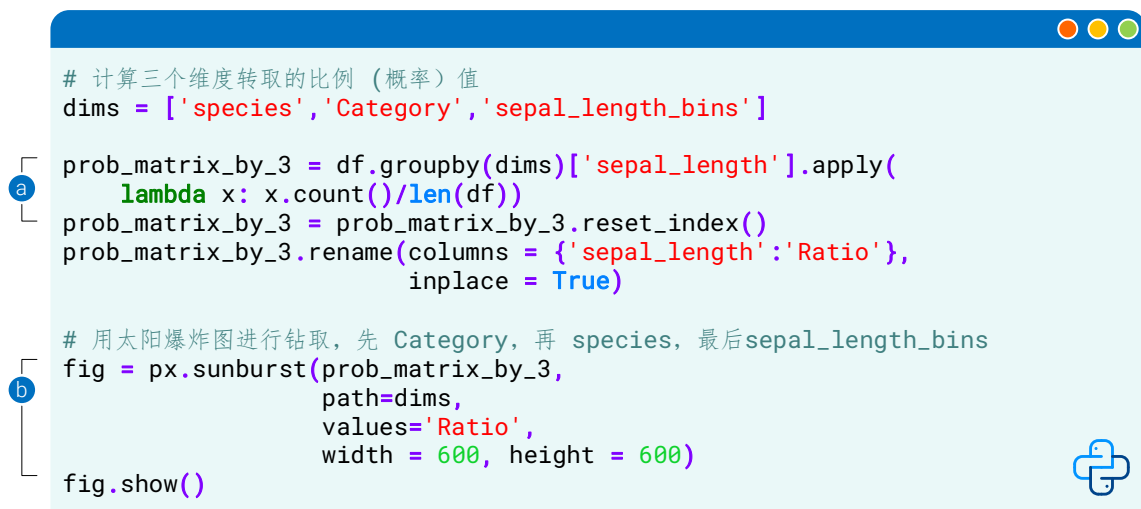


图 33. 太阳爆炸图，三个维度；使用时配合前文代码

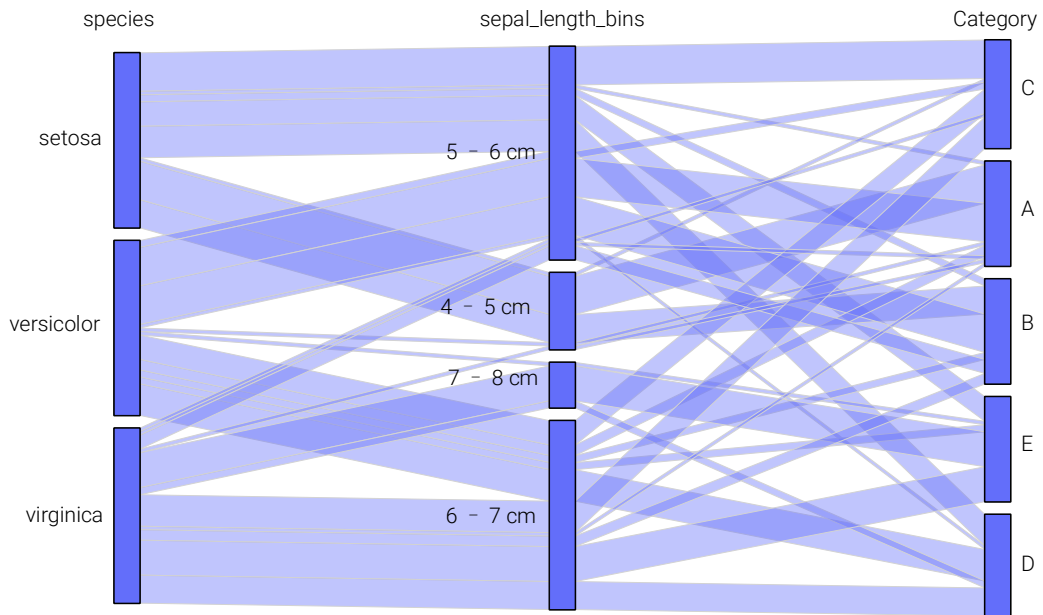


图 34. 分类数据平行坐标图，钻取顺序 species → sepal_length_bins → Category；单一颜色

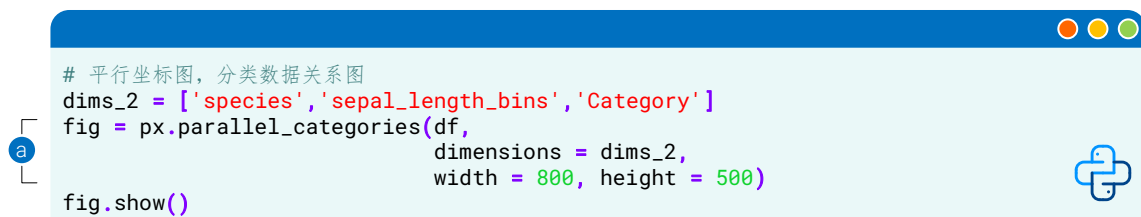


图 35. 分类数据平行坐标图；使用时配合前文代码

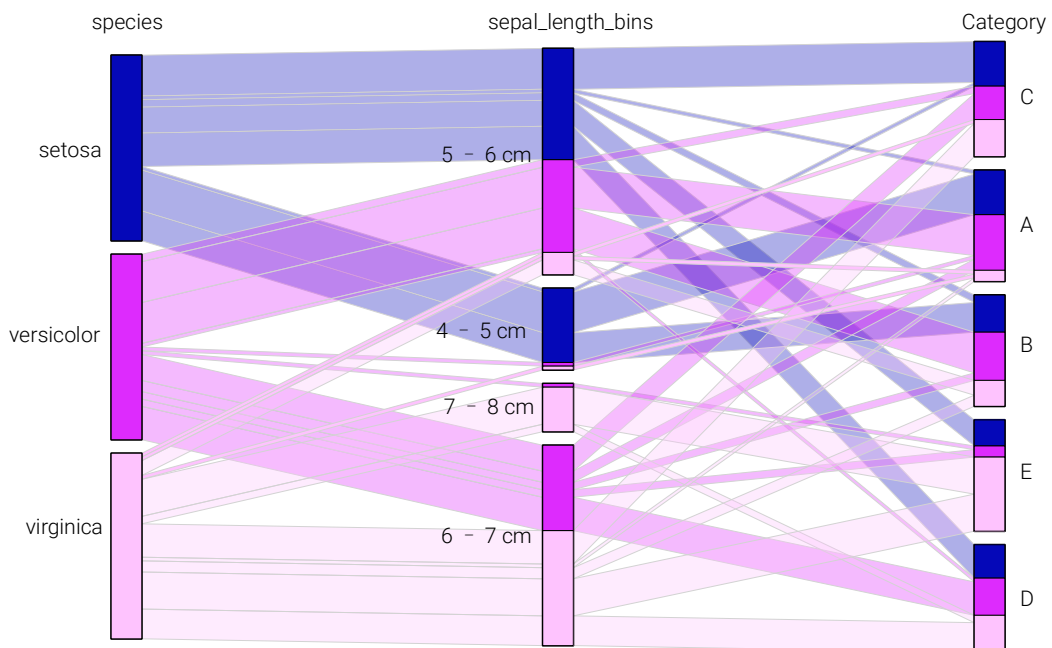


图 36. 分类数据平行坐标图，钻取顺序 species → sepal_length_bins → Category；用颜色区分另外一个特征

本 PDF 文件为作者草稿，发布目的为方便读者在移动终端学习，终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有，请勿商用，引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载：<https://github.com/Visualize-ML>

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger：<https://space.bilibili.com/513194466>

欢迎大家批评指教，本书专属邮箱：jiang.visualize.ml@gmail.com


```

# 将species分类转为数值
a df["species_numerical"] = df["species"].map(
b   {"setosa": 0, "versicolor": 1, "virginica": 2})
c cmap = px.colors.sequential.Plotly3

# 可视化
fig = px.parallel_categories(df, dimensions = dims_2,
                             color = "species_numerical",
                             color_continuous_scale = cmap,
                             width = 800, height = 500)
fig.show()

```

图 37. 分类数据平行坐标图，增加颜色特征；使用时配合前文代码

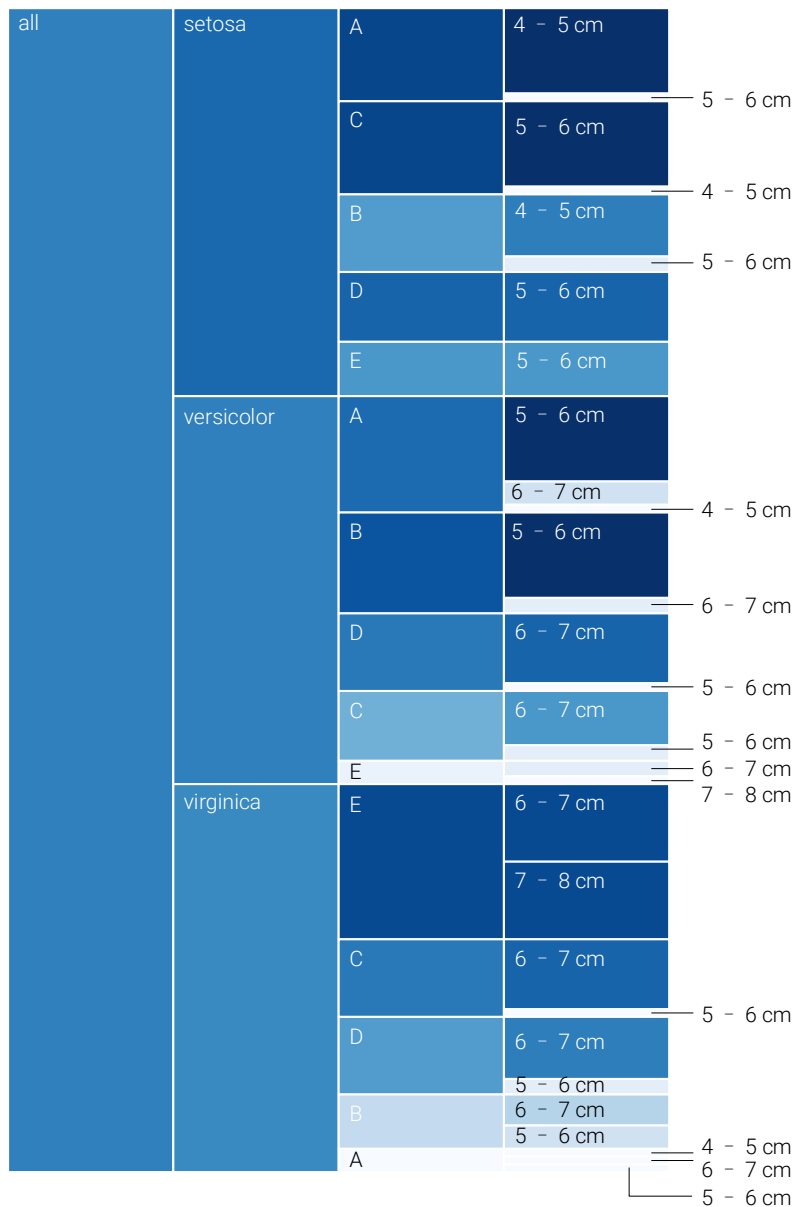


图 38. 冰柱图可视化计数；钻取顺序 species → Category → sepal_length_bins

本 PDF 文件为作者草稿，发布目的为方便读者在移动终端学习，终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有，请勿商用，引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载：<https://github.com/Visualize-ML>

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger：<https://space.bilibili.com/513194466>

欢迎大家批评指教，本书专属邮箱：jiang.visualize.ml@gmail.com

```

# 交叉计数，计数
count_matrix = pd.crosstab(index = [df.species, df.Category],
                           columns = df.sepal_length_bins,
                           values=df.petal_length, aggfunc='count')

count_matrix = count_matrix.stack().reset_index()
count_matrix.rename(columns = {0:'count'}, inplace = True)
count_matrix = count_matrix[count_matrix['count'] != 0]
# 删除 'count' 列值为0的行

# 冰柱图
fig = px.ichicle(count_matrix,
                 path=[px.Constant("all"),
                      'species', 'Category', 'sepal_length_bins'],
                 values = 'count',
                 color_continuous_scale='Blues',
                 color = 'count',
                 width = 600, height = 800)

fig.show()

```

图 39. 冰柱图可视化计数；使用时配合前文代码

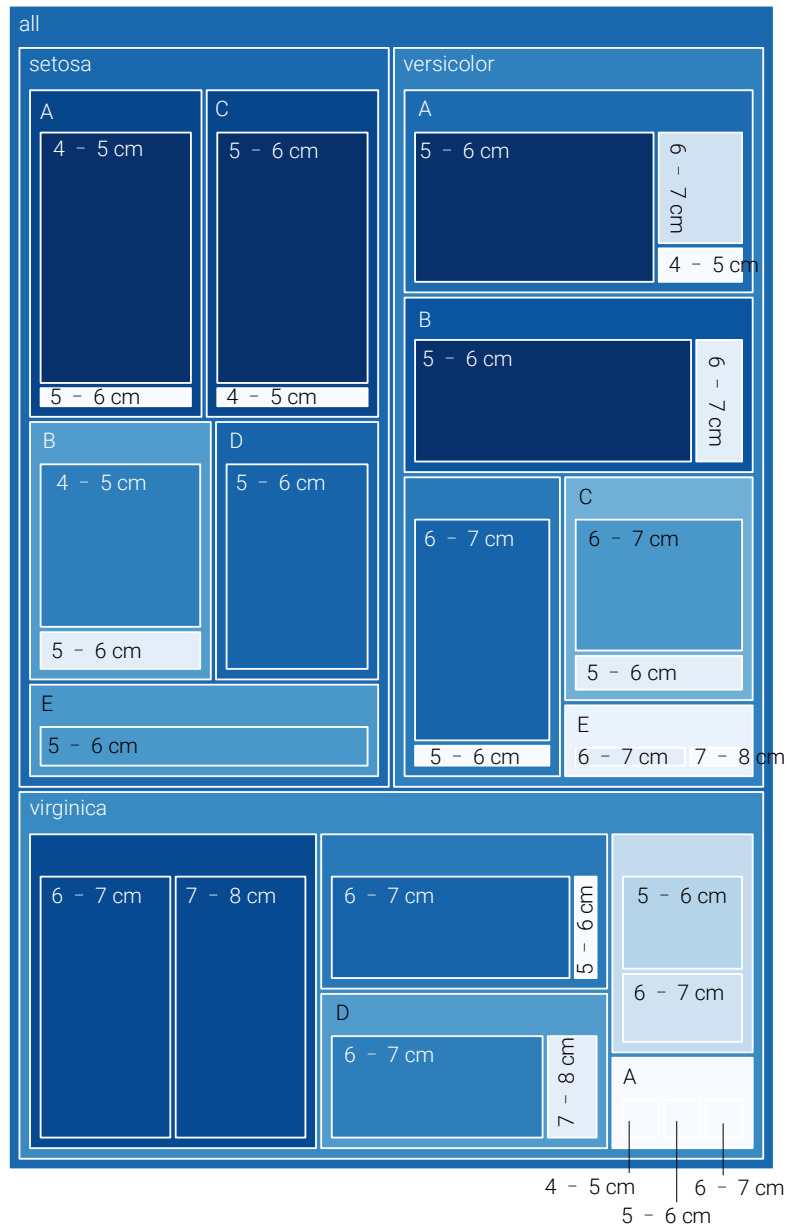


图 40. 矩阵树形图可视化计数；钻取顺序 species → Category → sepal_length_bins

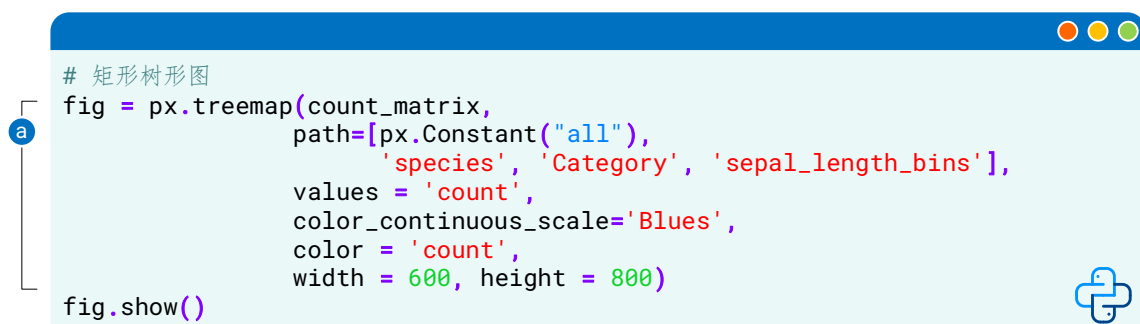


图 41. 矩阵树形图可视化计数；使用时配合前文代码

23.8 平均值的钻取

图 42 所示为在不同 Category 分类条件下，花萼长度均值。这种均值又叫条件均值 (conditional average)，或条件期望 (conditional expectation)。

比如，给定 `Category == 'A'` 的条件下，花萼长度条件均值为 2.95。

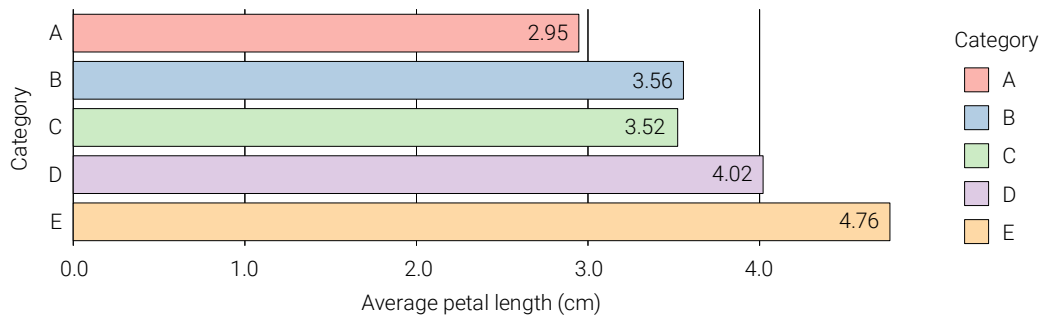


图 42. 可视化花萼长度条件均值，Category 分类

```
# 分别计算每个子类 (Category) petal_length均值
petal_length_mean_by_ctgr = df.groupby(['Category'])['petal_length'].mean().reset_index()
fig = px.bar(petal_length_mean_by_ctgr,
             x = 'petal_length', y = 'Category',
             color = 'Category',
             color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1,
             width=600, height=300,
             text_auto = '.2f', orientation = 'h',
             template = "plotly_white")
fig.show()
```

图 43. 计算并可视化花萼长度条件均值，Category 维度；使用时配合前文代码

大家可以计算一下，图 44 中 A 中三个数值的平均值不等于图 42 中 A 的平均值。大家可以自己算算其他 Category 分类，都支持这个结论。这是为什么？

原因其实藏在图 24 中！

也就是说，A 中 *setosa*、*versicolor*、*virginica* 相对占比不同，计算平均值时要考虑图 24 权重。

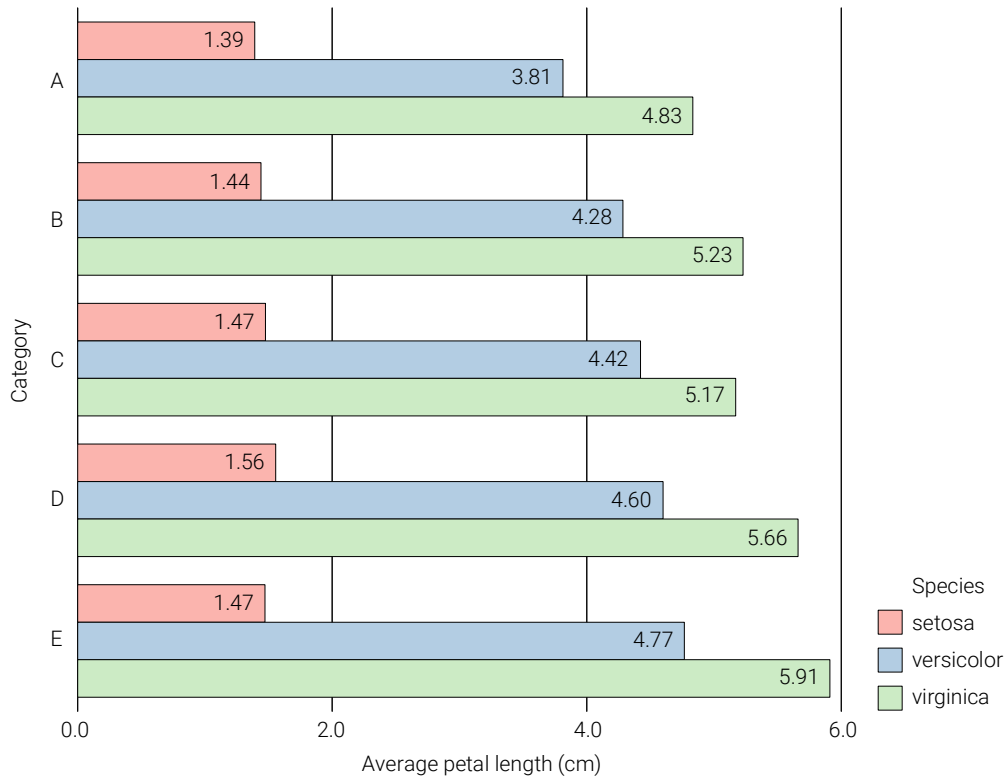


图 44. 可视化花萼长度均值，钻取顺序 Category → species

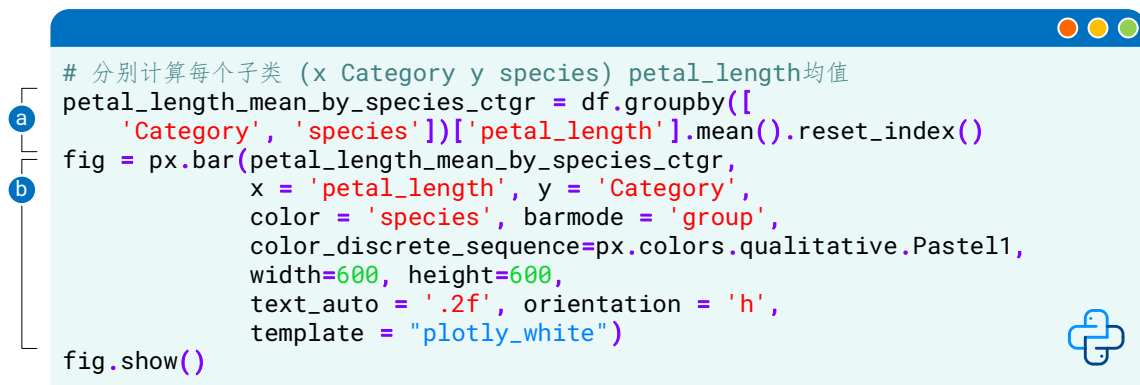


图 45. 计算花萼长度均值，钻取顺序 Category → species；使用时配合前文代码

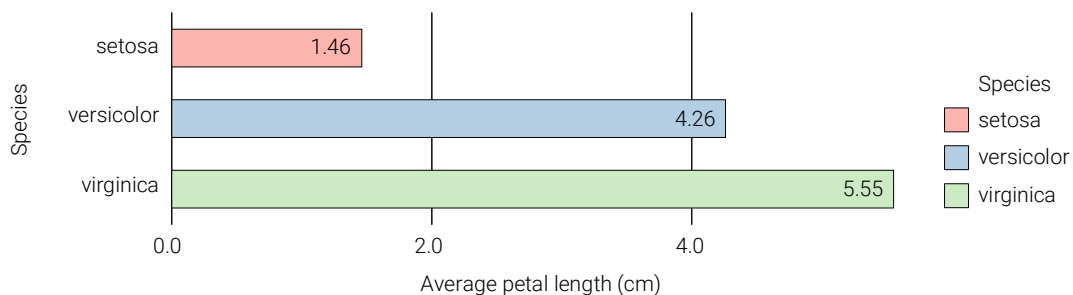


图 46. 可视化花萼长度条件均值，species 维度

```

# 另外一种计算方法
# 创建交叉指标，计算petal_length平均值
# 行: Category; 列: species
a pd.crosstab(index = df.Category, columns = df.species,
               values=df.petal_length, aggfunc='mean')

# 分别计算每个子类 (species) petal_length均值
b petal_length_mean_by_species = df.groupby(['species'])['petal_length'].mean().reset_index()
c fig = px.bar(petal_length_mean_by_species,
               x = 'petal_length', y = 'species',
               color = 'species',
               color_discrete_sequence=px.colors.qualitative.Pastel1,
               width=600, height=300,
               text_auto = '.2f', orientation = 'h',
               template = "plotly_white")

fig.show()

```

图 47. 计算并可视化花萼长度条件均值，species 维度；使用时配合前文代码

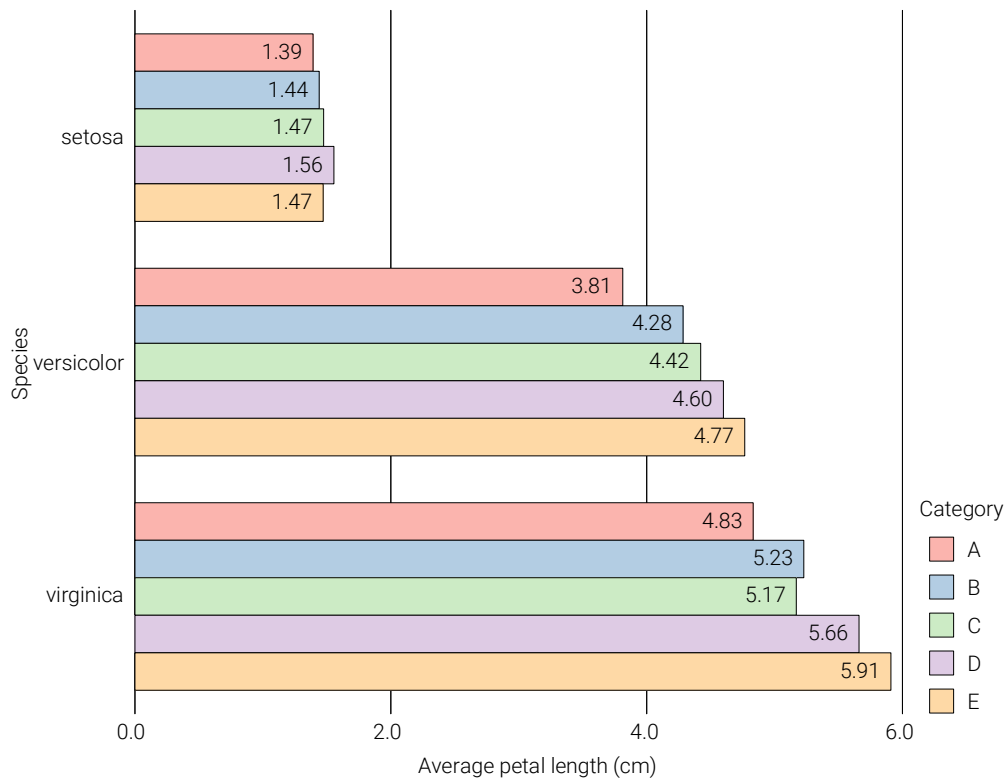


图 48. 可视化花萼长度均值，钻取顺序 species → Category

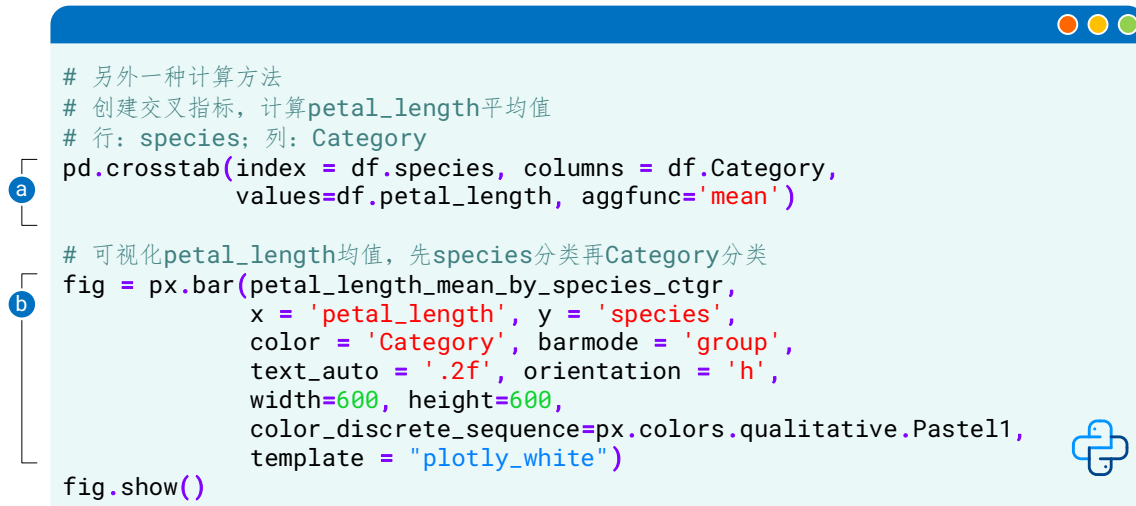


图 49. 计算并可视化花萼长度均值，钻取顺序 species → Category；使用时配合前文代码

函数 `pandas.crosstab()` 的使用方法可以很灵活。表 2 和表 3 条件均值都是用这个函数计算得到的。

表 2. 花萼长度均值；行: sepal_length_bins；列: species → Category

species	setosa					versicolor					virginica				
Category	A	B	C	D	E	A	B	C	D	E	A	B	C	D	E
sepal_length_bins															
4 - 5 cm	1.37	1.48	1.40			3.30					4.50				
5 - 6 cm	1.60	1.30	1.48	1.56	1.47	3.73	4.15	4.20	4.80		5.00	5.05	5.10		
6 - 7 cm						4.30	5.00	4.49	4.58	4.80	5.00	5.47	5.18	5.45	5.56
7 - 8 cm										4.70				6.50	6.26

表 3. 花萼长度均值；行: species → Category；列: sepal_length_bins

species	Category	4 - 5 cm	5 - 6 cm	6 - 7 cm	7 - 8 cm
setosa	A	1.37	1.60		
	B	1.48	1.30		
	C	1.40	1.48		
	D		1.56		
	E		1.47		
versicolor	A	3.30	3.73	4.30	
	B		4.15	5.00	
	C		4.20	4.49	
	D		4.80	4.58	
	E			4.80	4.70
virginica	A	4.50	5.00	5.00	
	B		5.05	5.47	
	C		5.10	5.18	
	D			5.45	6.50
	E			5.56	6.26

本 PDF 文件为作者草稿，发布目的为方便读者在移动终端学习，终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。

版权归清华大学出版社所有，请勿商用，引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载：<https://github.com/Visualize-ML>

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: <https://space.bilibili.com/513194466>

欢迎大家批评指教，本书专属邮箱：jiang.visualize.ml@gmail.com

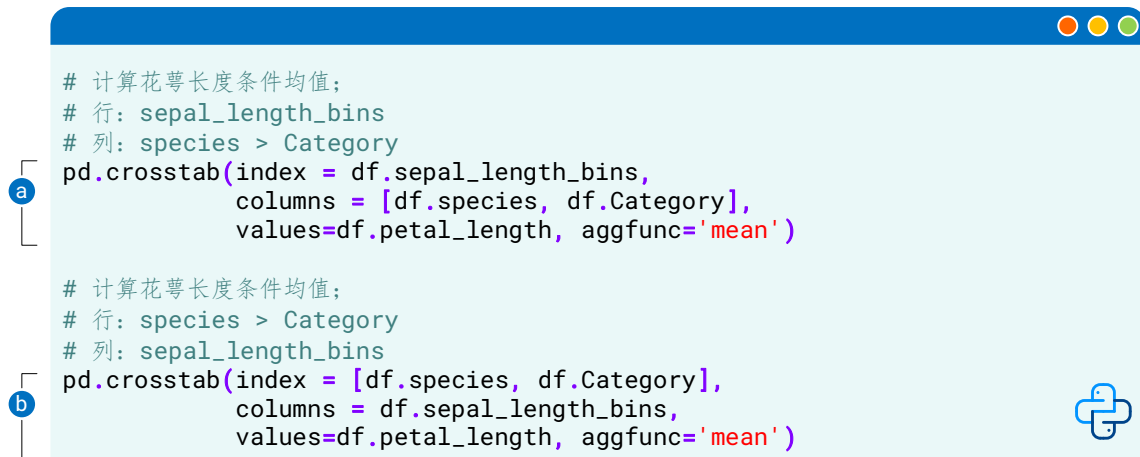



图 50. 计算并可视化花萼长度条件均值，更复杂的条件组合；使用时配合前文代码

 大家会发现本节在设置不同 Plotly 可视化方案时，有几个共享设置，比如风格、类别顺序等。请大家思考我们如何仅仅创建一个变量 kwarg，然后在代码不同位置拆包调用 kwarg。