**ダイアグラム, 概略図

自動的に生成された説明Fig. S1.** Maximum-likelihood tree based on 1,883 genes; the number on each branch indicates UF bootstrap value and PP.

グラフ, タイムライン

自動的に生成された説明

**Fig. S2.** ML tree showing the presence of peribranchial budding. The pie charts indicate EAPs of the characteristics in the nodes.

グラフ

自動的に生成された説明

**Fig. S3.** ML tree showing the presence of vascular budding. The pie charts indicate EAPs of the characteristics in the nodes.

グラフ

自動的に生成された説明

**Fig. S4.** ML tree showing the presence of common cloacal cavity. The pie charts indicate EAPs of the characteristics in the nodes.

グラフ

自動的に生成された説明

**Fig. S5.** ML tree showing the presence of basal budding. The pie charts indicate EAPs of the characteristics in the nodes.