

III. 관계와 분포의 시각화

관계의 시각화는 단순히 X 축 데이터의 분포에 따라 Y 축 데이터의 분포가 어떻게 분포하는지를 위주로 표현한다. 관계의 시각화에서 가장 중요한 정보는 상관관계인데 어떤 독립 변수가 어떤 종속 변수와 밀접하게 관계가 있는지에 대한 전반적인 관계를 먼저 관계의 시각화를 통해 확인할 수 있다. 관계의 시각화는 주로 산점도를 사용한다.

분포의 시각화는 전체 데이터가 어떻게 세부적으로 분포하는지를 표현하는 시각화 방법을 말한다. 보통 전체 데이터를 특정 구분자에 의해 분류하고 이에 대한 사례수나 비율을 나타내는 시각화가 이에 속한다. 대표적인 분포의 시각화는 히스토그램, 박스 플롯, 바이올린 플롯 등이 있다.

1. 산점도(scatter chart)

산점도는 `plotly` 뿐 아니라 데이터 시각화에서 가장 기본적인 시각화 방법이다. 산점도는 X, Y 축으로 구성된 데카르트 좌표계 위에 점을 사용하여 데이터의 분포를 표현하는 방법으로 매우 간단한 시각화이지만 데이터의 분포와 데이터의 관계성을 파악하는데 가장 효율적인 시각화이다. 데이터 분석을 시작할 때 대부분의 분석가들이 가장 먼저 시작하는 EDA(Exploratory Data Analysis)의 기초적인 시각화로 사용된다.

산점도는 X, Y 의 2 차원 축에 매핑되는 두개 혹은 세개의 데이터간의 관계성을 점으로 표현하는 시각화 방법이다. 기본적으로 2 차원 공간에 흩어져(scattered) 보이는 형태의 시각화이고, 2 차원 축에 매핑되어야 하기 때문에 2 개의 변수가 모두 연속형 수치 변수이어야 한다. 산점도는 'x-y 그래프'라고도 하며, 데이터의 흩어져 있는 형태의 시각화를 통해 데이터의 분포와 관계를 알아보는데 사용되는 방법중에 가장 많이 사용된다.

산점도를 통해 살펴볼 수 있는 패턴이나 상관관계는 보통 다음의 세 가지 정도이다.¹

¹ <https://medium.com/@paymantaei/what-is-a-scatter-plot-and-when-to-use-one-2365e774541>

- 선형 또는 비선형 상관 관계 : 선형 상관 관계는 데이터의 추세선이 직선을 형성하지만 비선형 상관 관계는 데이터의 추세선이 곡선 또는 기타 형태를 나타냄
- 강한 또는 약한 상관관계 : 강한 상관 관계는 데이터들이 추세선에 가까이 분포하지만 약한 상관 관계는 데이터들이 추세선에 더 멀리 분포해 있음
- 양의 또는 음의 상관 관계 : 양의 상관 관계는 추세선이 우상향하고(즉, x 값이 증가할 때 y 값이 증가) 음의 상관 관계는 추세선이 우하향함(즉, x 값은 증가할 때 y 값은 감소).

앞서 설명한 바와 같이 X, Y 축에 매핑되는 결과가 산점도인데 이를 상관관계의 측면에서 풀어본다면 X 축 변수는 독립변수이고 Y 축 변수는 종속변수로 볼 수 있다. 하지만 많은 경우 종속 변수를 결정하는 독립 변수는 하나 이상이다. 이렇게 하나 이상의 독립 변수를 표현하기 위해 대부분의 산점도는 점의 색상이나 형태, 크기등을 사용하여 추가적인 독립변수를 표현한다. 이렇게 X 축, 색, 점의 형태, 점의 크기를 모두 사용한다면 Y 축에 표현되는 종속 변수는 총 4 개의 독립 변수로 표현되는 산점도를 그릴 수 있는 것이다. 이중 점의 크기를 사용하는 산점도를 버블 차트라고 한다.

plotly 에서 산점도는 스캐터(scatter) 트레이스를 사용하여 구현한다. **plotly** 에서 스캐터 트레이스는 단지 산점도만을 그리는 것이 아니고 X, Y 축에 좌표상으로 표시되는 선 그래프를 포함하며 산점도와 선 그래프에 문자열을 표기하는 시각화까지 포함한다.

plotly 에서 스캐터 트레이스에 사용되는 주요 속성은 다음과 같다.

속성			속성 설명	python 속성값	R 속성값
mode			스캐터 trace 의 그리기 모드를 결정, 선, 점, 문자 중 하나가 오거나 +를 사용하여 두가지 이상을 동시에 표현할 수 있음	플래그 문자열. "lines", "markers", "text" 를 "+"로 조합. 또는 "none".	
marker	color		마커의 색상 설정, 특정한 색상이나 colorscale 의 최대값과 최소값(또는 marker.cmax 와 marker.cmin)에 상대적으로 매핑되는 수치 배열이 설정될 수 있다.	색상 또는 색상 배열	
	colorscale		색 스케일의 설정, marker.color 가 수치형 배열일 경우에만 효과가 있음. 'colorscale'은 rgb, rgba, hex, hsl, hsv, 문자형 색 이름의 배열이어야 함. 이러한 'colorscale' 배열 대신 팔레트 이름을 쓸 수 있음 (Blackbody, Bluered, Blues, Cividis, Earth, Electric, Greens, Greys, Hot, Jet, Picnic, Portland, Rainbow, RdBu, Reds, Viridis, YlGnBu, YlOrRd).	컬러 스케일	
	line	color	마커 선 색을 설정. 특정한 색상이나 colorscale 의 최대값과 최소값(또는 marker.cmax 와 marker.cmin)에 상대적으로 매핑되는 수치 배열이 설정될 수 있다.	색상 또는 색상 배열	

속성			속성 설명	python 속성값	R 속성값
		colourscale	마커 선의 색 스케일의 설정, marker.line.color 가 수치형 배열일 경우에만 효과가 있음. 'colourscale'은 rgb, rgba, hex, hsl, hsv, 문자형 색 이름의 배열이어야 함. 이러한 'colourscale' 배열 대신 팔레트 이름을 쓸 수 있음 : Blackbody,Bluered,Blues,Cividis,Earth,Electric,Greens,Greys,Hot,Jet,Picnic,Portland,Rainbow,RdBu,Reds,Viridis,YlGnBu,YlOrRd.	컬러 스케일	
		reversescale	True 일 경우, 마커 선 색상 매핑을 역순으로 바꾼다. Marker.line.color 가 수치형 배열일 경우에만 효과를 낸다.	논리값	
		width	px 단위의 선 두께 설정	0 과 같거나 큰 수치나 수치 배열	
	opacity		마커의 투명도 설정	0 과 같거나 큰 수치나 수치 배열	
	reversescale		True 일 경우, 마커 색상 매핑을 역순으로 바꾼다. Marker.line.color 가 수치형 배열일 경우에만 효과를 낸다.	논리값	
	size		px 단위의 마커 크기 설정	0 과 같거나 큰 수치나 수치 배열	
	symbol		마커 형태(symbol) 타입을 설정. 기본 도형의 번호에 100 을 더하면 '-open'형 심볼 이름이 되고, 200 을 더하면 '-dot'형 심볼 이름이 되고, 300 을 더하면 '-open-dot'으로 심볼이름이 설정됨	열거형 타입 또는 열거형 타입 배열	
	line	color	선의 색을 설정	색상	
		dash	선의 타입을 설정, 선 타입 이름을 설정)하거나 px 단위의 점선 길이 리스트를 설정	("solid", "dot", "dash", "longdash", "dashdot", or "longdashdot") 또는 점선 길이 리스트	
shape		라인 모양을 결정함. 'spline'은 spline 보간법을 사용한 선을 그림. 다른 값은 단계 형태의 선 값("hv" "vh" "hvh" "vhv")을 가짐	("linear" "spline" "hv" "vh" "hvh" "vhv")		
smoothing		shape 가 spline 일 경우 평활 정도를 설정	0 부터 1.3 사이의 수치		
width		px 단위의 선 두께 설정	0 과 같거나 큰 수치		
connectgaps			데이터간의 갭을 연결할지 여부를 결정	논리값	
fill			내부 색상의 채워지는 형태 설정	("none" "tozero" "tozerox" "tonexty" "tonextx" "toself" "tonext")	
fillcolor			라인 색, 마커 색, 마커 라인 색의 내부 색상 설정	색상	
fillpattern	bgcolor		패턴의 배경 색 설정	색상 또는 색상 배열	
	fgcolor		패턴의 전경 색 설정	색상 또는 색상 배열	
	fgopacity		패턴 전경 투명도 설정	0 과 1 사이의 수치	
	fillmode		marker.color 가 배경으로 사용되는지 전경으로 사용되는지를 설정	("replace" "overlay")	
	shape		패턴이 채워질 모양 설정	("" "/" "W" "x" "-" " " "+" ".")	
	size		픽셀 단위로 패턴이 채우질 크기의 설정	0 과 같거나 큰 수치 또는 수치 배열	

산점도를 그리는데 앞 장에서 `plotly` 를 그리기 위해 사용했던 `add_trace()` 를 사용할 수 있지만 R 과 python 모두 산점도를 위한 전용 함수를 제공한다.

- R

R 에서 산점도는 `add_markers()` 를 사용하여 만들 수 있다. `add_markers()` 에서 사용하는 속성은 `add_trace()` 에서 사용하는 속성 그대로 사용할 수 있다. 만약 이 중 여러개를 동시에 그리기 위해서는 R 자체적으로 제공하는 파이프(`|>`)나 `tidyverse` 에서 지원하는 파이프(`%>`)로 계속 겹쳐서 그릴 수 있다.

```
df_취업률_2000 |>
  plot_ly() |>
  add_markers(x = ~졸업자수, y = ~취업자수, color = ~대계열) |>
  layout(title = list(text = '<b>졸업자 대비 취업자수</b>', font = list(color = 'white')),
    margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25),
    paper_bgcolor = 'black', plot_bgcolor = 'black',
    xaxis = list(color = 'white', ticksuffix = '명'),
    yaxis = list(color = 'white', gridcolor = 'gray', ticksuffix = '명', dtick = 100),
    legend = list(font = list(color = 'white')))
```

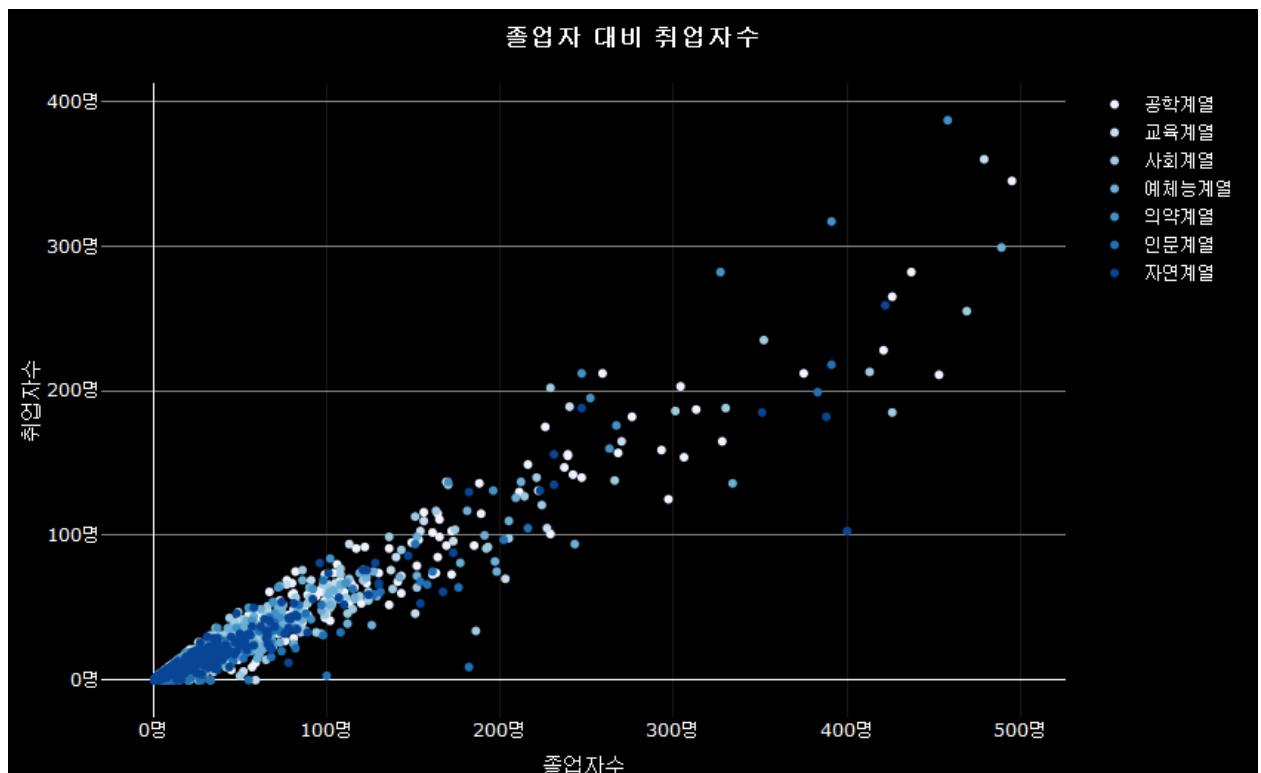


그림 III - 1R. R 의 기본 산점도

앞의 코드를 `add_trace()`를 사용하는 코드는 다음과 같다.²

```
df_취업률_2000 |>
  plot_ly() |>
  add_trace(type = 'scatter', mode = 'markers',
            x = ~졸업자수, y = ~취업자수, color = ~대계열) |>
  layout(title = list(text = '<b>졸업자 대비 취업자수</b>', font = list(color = 'white')),
        margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25),
        paper_bgcolor = 'black', plot_bgcolor = 'black',
        xaxis = list(color = 'white', ticksuffix = '명'),
        yaxis = list(color = 'white', gridcolor = 'gray', ticksuffix = '명', dtick = 100),
        legend = list(font = list(color = 'white')))
```

- python

앞선 2 장에서는 `add_trace()`에 'data' 속성을 딕셔너리로 구성하여 트레이스를 구성하였다. 이번 장 부터는 이 방법보다는 `add_trace()`와 `plotly.graph_objects`에서 제공하는 각 트레이스 함수를 사용하는 방법을 사용한다.

`plotly.graph_objects`로 산점도를 그리기 위해서는 `plotly.graph_objects.Scatter()`를 사용한다. 다음의 코드에서와 같이 초기화된 `plotly` 객체의 메소드로 `add_trace()`를 호출하고 `add_trace()`의 매개변수로 `plotly.graph_objects.Scatter()`를 설정한다.

`plotly.graph_objects.Scatter()`는 스캐터 트레이스에 해당하는 속성들을 매개변수처럼 '='을 사용하여 속성값을 설정하는데 만약 하위 속성이 있는 경우 {}나 `dict()`를 사용하여 딕셔너리를 만들어 설정한다. 다음은 2 장에서 만들었던 졸업자 대비 취업자수를 `plotly.graph_objects.Scatter()`를 사용한 코드인데 'color' 속성 설정을 위해 `for` 루프를 사용하였고 'colors' 딕셔너리를 만들어 대계열의 이름에 따른 정수값을 매칭해주었다. 그 이후 배경색을 검정으로 설정하고 축의 색과 그리드 컬러, 눈금 라벨등의 'layout' 속성을 설정하였다.

```
import plotly.graph_objects as go

fig = go.Figure()

colors = {'의약계열': 0, '인문계열': 1, '사회계열': 2, '교육계열': 3, '공학계열': 4, '자연계열': 5, '예체능계열': 6}
```

² 이 후 R 에서 plotly 구현은 `add_trace()`를 중심으로 설명하겠다.

```

for cat, group in df_취업률_2000.groupby('대계열'):
    fig.add_trace(go.Scatter(
        mode = 'markers',
        x = group['졸업자수'], y = group['취업자수'],
        name = cat,
        marker = dict(color = colors[cat]),
        showlegend = True
    ))

fig.update_layout(title = dict(text = '<b>졸업자 대비 취업자수</b>', x = 0.5, font = dict(color = 'white')),
    margin = dict(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25),
    paper_bgcolor = 'black', plot_bgcolor = 'black',
    xaxis = dict(color = 'white', ticksuffix = '명', showgrid = False),
    yaxis = dict(color = 'white', gridcolor = 'gray', ticksuffix = '명', dtick = 100),
    legend = dict(font = dict(color = 'white')))
fig.show()

```

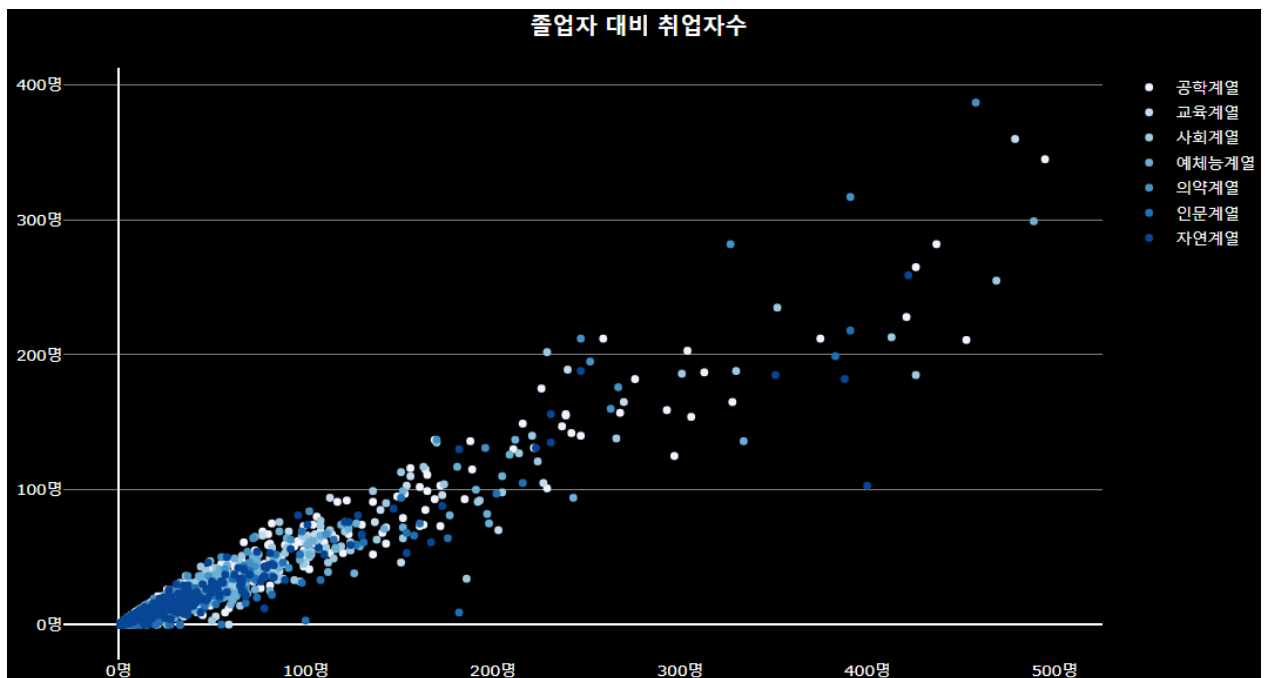


그림 III - 1P. python 의 기본 산점도

앞의 코드를 `plotly.express` 로 구현하면 다음과 같다.³ `plotly.express` 에서 제공하는 스캐터 트레이스를 그리는 함수는 `scatter()` 로 이 함수로 설정하는 모든 속성값은 매개변수로

³ 이후 python 에서 plotly 의 구현은 plotly.graph_objects 중심으로 설명하겠다.

사용된다. 따라서 'data'속성에서 하위 속성이 존재하는 속성들도 딕셔너리를 사용하는 방법이 아닌 매개변수와 같이 '='을 사용해 바로 설정하는데 각각의 속성에 따른 매개변수 이름을 확인해야하고 더러는 지원하지 않는 속성도 있다.

```
import plotly.express as px
fig = px.scatter(df_취업률_2000, x= '졸업자수', y="취업자수",
                 color = "대계열")

fig.update_layout(title = dict(text = '<b>졸업자 대비 취업자수</b>',
                                x = 0.5, font = dict(color = 'white')),
                  margin = dict(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25),
                  paper_bgcolor = 'black', plot_bgcolor = 'black',
                  xaxis = dict(color = 'white', ticksuffix = '명', showgrid = False),
                  yaxis = dict(color = 'white', gridcolor = 'gray',
                                ticksuffix = '명', dtick = 100),
                  legend = dict(font = dict(color = 'white'))

fig.show()
```

1.1. 추세 산점도

산점도가 가장 효과적으로 사용되는 경우는 변수간의 관계성을 살펴보는 것이다. 그렇다면 산점도에 뿌려지는 데이터에 어떤 상관관계가 있는지를 추세선으로 표시하면 데이터간의 관계성을 좀 더 확실히 알아 볼 수 있다.

이러한 상관관계는 상관계수라는 수치로 얼마나 강한 상관관계를 가지는지를 표현한다. 다음의 그림과 같이 상관관계가 높을 수록 추세선 주위에 데이터들이 모여있고 상관관계가 낮을 수록 데이터는 추세선과 관계없이 넓게 뿌려진다. 보통 0.7 이상의 상관계수는 매우 강한 상관관계가 있다고 간주되고 0.5 이상의 경우 적당한 상관관계가 있다고 간주된다.⁴

⁴ <https://www.reneshbedre.com/blog/correlation-analysis-r.html>

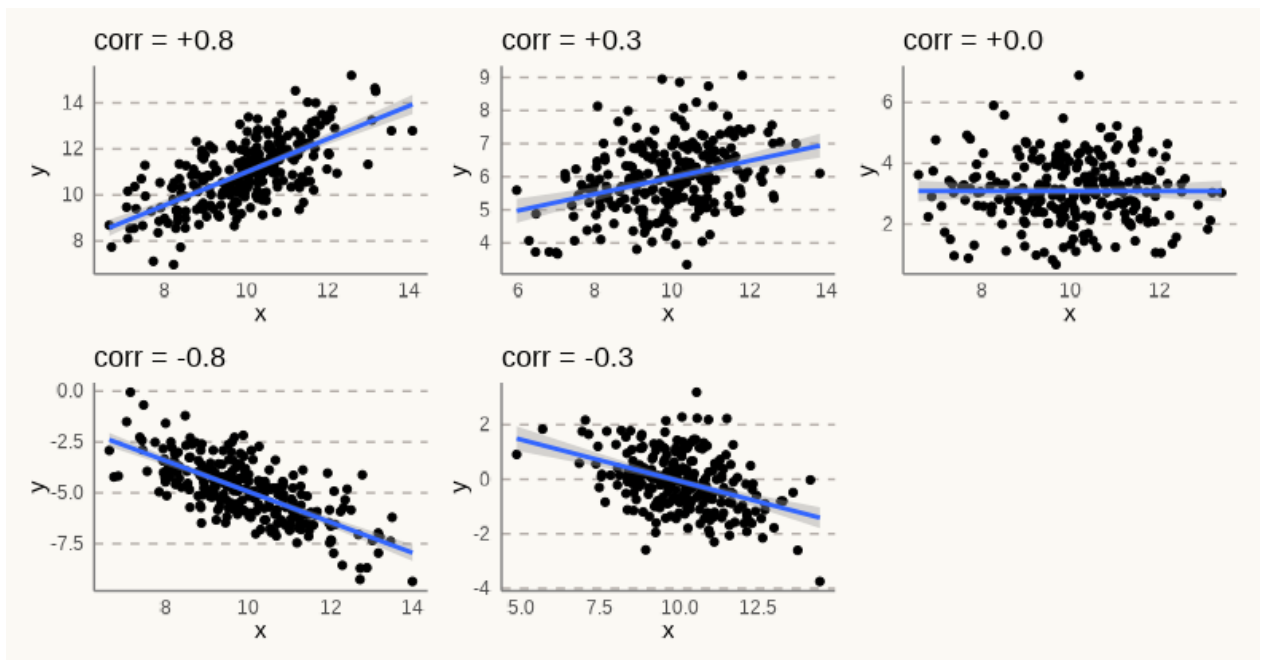


그림 III - 1 상관관계와 상관계수

`plotly` 에서 추세선의 추가는 python 에서는 매우 간단하게 추가할 수 있는 방법을 제공하지만 R 에서는 직접적으로 추세선을 그리는 기능을 제공하지 않는다.

- R

R 에서 추세선을 그리는데 가장 많이 사용하는 방법은 `ggplot2` 에서 제공하는 `geom_smooth()` 를 사용하는 방법이다. 하지만 `plotly` 의 R 패키지에서는 이런 기능을 제공하지 않는다. 따라서 선형회귀(lm)나 국소회귀(loess) 모델을 만들어 추세선을 그려야 한다.

선형 회귀 추세선 모델을 만들기 위해서는 R base 에서 제공하는 `lm()` 을 사용하여 상관관계를 파악하고자 하는 독립변수와 종속변수에 적용시켜 만든다. 이렇게 만든 모델에 `fitted()` 나 `predict()` 를 사용하여 독립변수(X 축)에 대응하는 종속변수(Y 축)에 대한 추세선을 그려준다. 만약 신뢰구간(Confidence Interval, CI)의 표현이 필요하다면 `add_ribbons()` 을 사용하여 그려줄 수 있다.

국소회귀 추세선(LOESS)을 `plotly` 로 그리는 방법은 앞서 설명한 바와 같이 `loess()` 을 사용하여 국소 선형 회귀 모델을 만들고 선형 회귀 추세선 처럼 `fitted()` 를 사용하여 해당 모델에 대한 적합치를 Y 축에 매핑함으로써 그려줄 수 있다. 다만 이 과정에서 X 축 변량의 순서대로 `fitted()` 값을 그려야 정상적인 추세선이 나타나기 때문에 이 데이터를 정렬하기 위해 임시 데이터프레임을 생성하여 사용하였다.


```
lm_trend <- lm(data = df_취업률_2000, 취업자수 ~ 졸업자수)

loess_trend <- loess(data = df_취업률_2000, 취업자수 ~ 졸업자수)

df_loess_trend <- data.frame(X = df_취업률_2000$졸업자수, Y = fitted(loess_trend)) |>
  arrange(X)

df_취업률_2000 |>
  plot_ly(type = 'scatter', mode = 'markers') |>
  add_trace(x = ~졸업자수, y = ~취업자수, showlegend = FALSE) |>
  add_trace(mode = 'lines', x = ~졸업자수, y = ~fitted(lm_trend),
            name = '선형 추세선', line = list(dash = 'dot')) |>
  add_trace(data = df_loess_trend, mode = 'lines',
            x = ~X, y = ~Y, name = 'loess 추세선'
  )
```

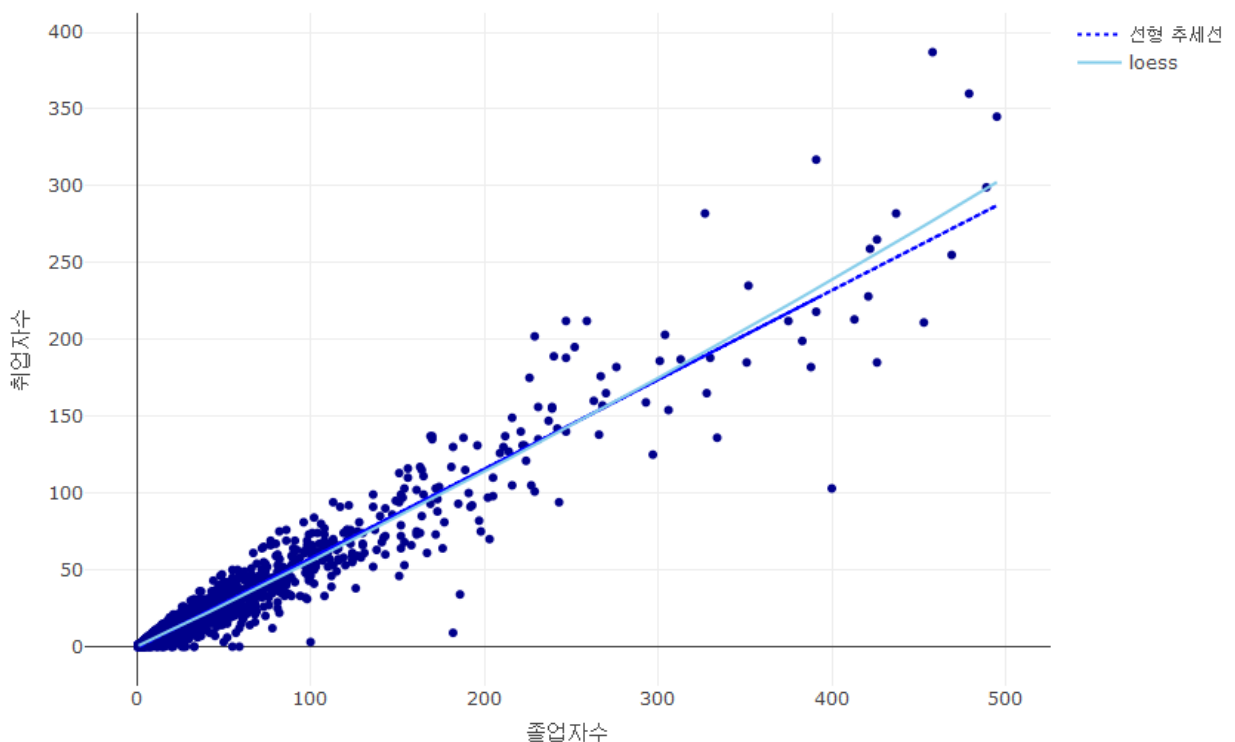


그림 III - 2R. R 의 추세 산점도

하지만 추세선은 이렇게 전체적인 흐름을 보기위해서도 그리지만, 많은 경우 세부 그룹별로 추세선을 그리는 경우도 많다. **plotly** 의 R 패키지에서 자체적으로 추세선을 지원하지 않기 때문에 세부 그룹별로 추세선을 그릴때는 **ggplot2** 로 그린후 **plotly** 로 변환하는 것이 훨씬 효율적이다.

```
p <- df_취업률_2000 |>
  ggplot(aes(x = 졸업자수, y = 취업자수, color = 대계열)) +
  geom_point() +
  geom_smooth(method = 'lm', se = FALSE) +
  geom_smooth(method = 'loess', se = FALSE, linetype = 2)
ggplotly(p)
```

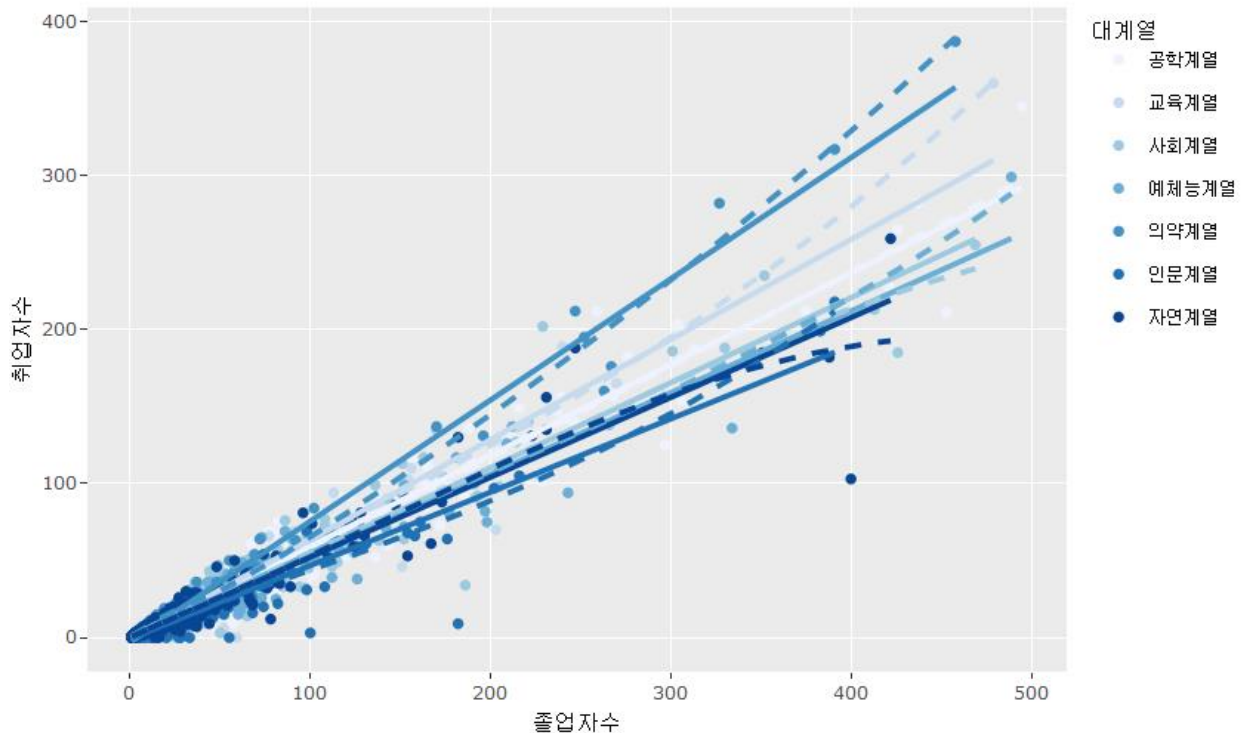


그림 III - 3R. ggplot2 에서 변환한 R 의 추세 산점도

- python

python 에서도 `plotly.graph_objects` 모듈에서는 추세선을 그리는 기능을 제공하지 않는다. 따라서 R 과 같이 선형회귀 모델이나 국소 선형회귀 모델을 만들고 이 모델에 적합한 값을 산출하여 이 선을 그려주는 방법을 사용하여야 한다.

python 에서 회귀 모델을 만들기 위해서는 먼저 `numpy` 와 `scikit-learn` 라이브러리의 `LinearRegression` 모듈을 import 하여 선형회귀 모델을 만든다. 이 후 독립변수와 종속변수를 numpy 배열로 만들고 이 두 개의 배열을 `LinearRegression` 로 만든 객체의 `fit()` 메소드를 사용하여 적합값을 생성한다. 생성된 적합값을 Y 축에 매핑하고 독립변수로 사용했던 변수를 X 축에 매핑하여 `plotly` 스캐터 트레이스의 선을 그려주면 추세선이 만들어진다.

또 loess 모델을 만들기 위해서 먼저 `statsmodels.api` 라이브러리를 'sm'으로 import 하고 `sm.nonparametric.lowess()`를 사용하여 각각의 독립변수 데이터에 대한 적합값으로 구성된 배열을 산출한다. 이 후 독립변수인 이 배열의 첫번째 열을 X 로 적합값인 두번째 열을 Y 로 매핑하여 `plotly` 스캐터 트레이스로 선을 그어주면 추세선이 만들어진다.

```
import numpy as np
import statsmodels.api as sm # to build a LOWESS model
from sklearn.linear_model import LinearRegression

##### 선형회귀 모델
linear_regr = LinearRegression()

X = df_취업률_2000['졸업자수'].values.reshape(-1,1)      # 독립변수 (NumPy 의 배열)
Y = df_취업률_2000['취업자수'].values                  # 종속변수 (Numpy 의 배열)

linear_regr.fit(X, Y)                                  # 선형 모델의 가중치를 학습
linear_fit = linear_regr.predict(X)
linear_fit

##### Loess 모델
lowess_fit = sm.nonparametric.lowess(df_취업률_2000['취업자수'], df_취업률_2000['졸업자수'])

fig = go.Figure()

fig.add_trace(go.Scatter(
    mode = 'markers',
    x = df_취업률_2000['졸업자수'], y = df_취업률_2000['취업자수'],
    showlegend = False
))

fig.add_trace(go.Scatter(
    mode = 'lines',
    x = df_취업률_2000['졸업자수'], y = linear_fit,
    name = '선형추세선',
    line = dict(dash = 'dot')
))

fig.add_trace(go.Scatter(
    mode = 'lines',
    x = lowess_fit[:,0], y = lowess_fit[:,1],
    name = 'loess'
))
```

```
fig.show()
```

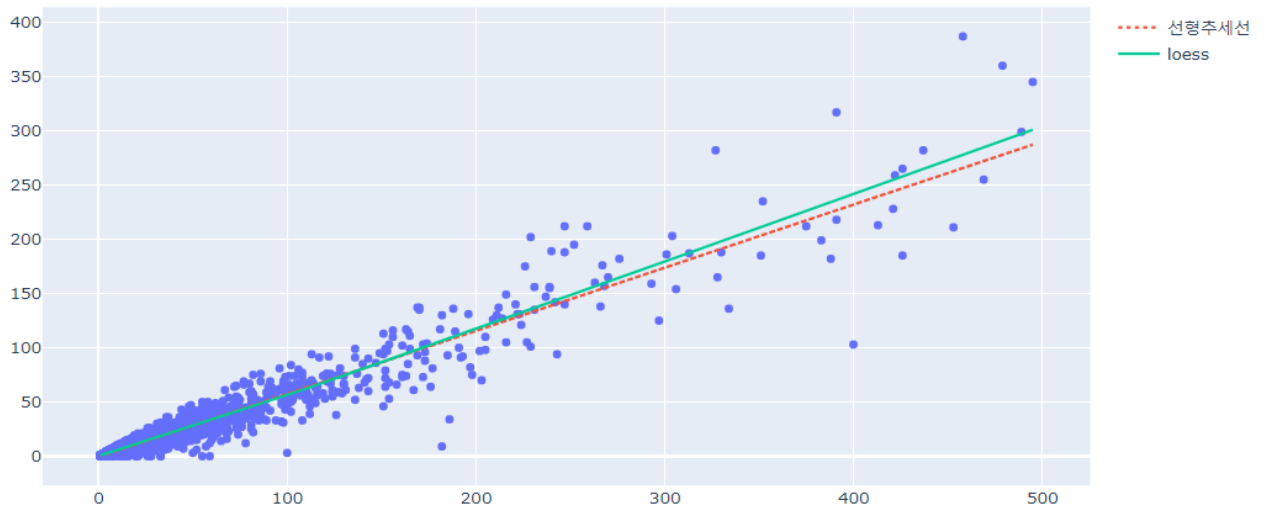


그림 III - 2P. python 의 추세 산점도

이렇게 각각의 회귀 모델을 만들어 추세선을 만들어 주는 것이 정상적 방법이지만 좀 복잡하다. 하지만 `plotly.express` 에서 제공하는 `scatter()` 는 'trendline'의 매개변수를 지정해 줌으로써 간단히 추세선을 만들 수 있다. 'trendline' 매개변수의 값은 'ols', 'lowess', 'rolling', 'expanding', 'ewm' 중에 하나가 사용된다. 'ols'는 'Ordinary Least Squares regression line'의 준말로 최소자승법을 사용한 회귀선으로 일반적으로 말하는 선형회귀선을 말한다. 국소 선형회귀선인 'lowess', 이동 평균선인 'rolling', 확장 평균선인 'expanding', 지수 가중 평균인 'ewm'을 설정할 수 있다.

```
import plotly.express as px

fig = px.scatter(df_취업률_2000, x= '졸업자수', y="취업자수",
                 color = "대계열", trendline = 'ols')

fig = px.scatter(df_취업률_2000, x= '졸업자수', y="취업자수",
                 color = "대계열", trendline = 'lowess')

fig.show()
```

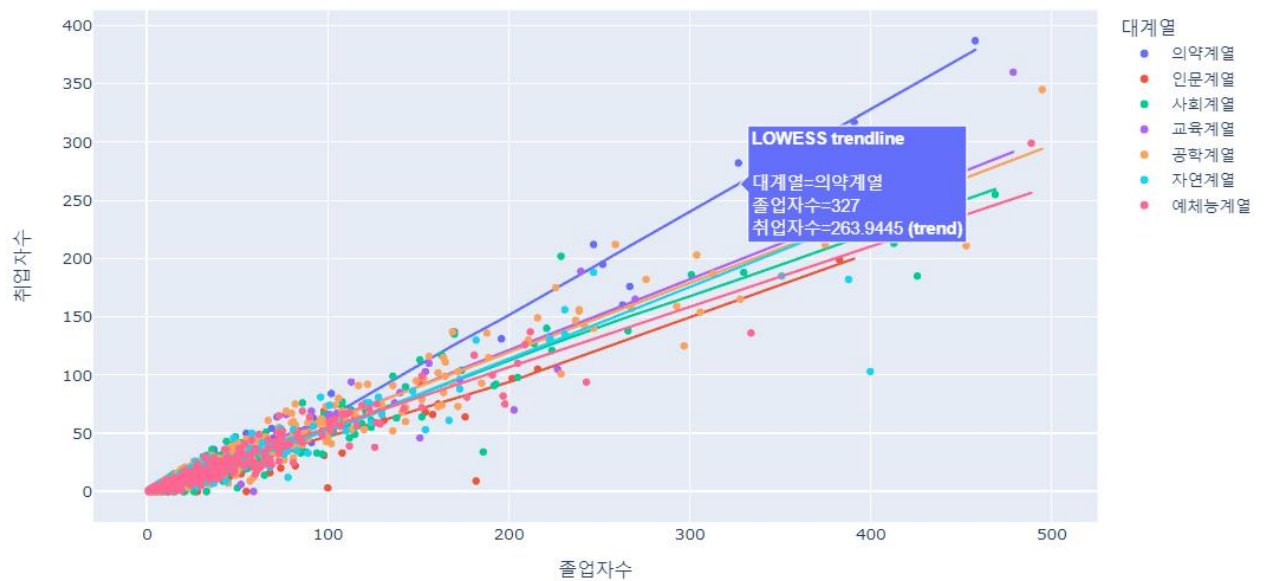


그림 III - 3P. plotly.express 를 사용한 python 의 추세 산점도

1.2. 버블 차트(Bubble Chart)

버블 차트는 풍선 차트라고도 하며 2 차원의 산점도에 표현되는 각각의 점의 크기를 추가적인 데이터 변수에 따라 다르게 표현함으로써 산점도를 3 차원으로 확장할 때 사용하는 차트이다. 물론 버블 차트처럼 3 차원 이상의 산점도를 표현하는데 점의 색이나 점의 모양으로 표현할 수도 있지만 점의 색이나 점의 모양을 사용할 때는 3 차원 변수가 연속형 변수가 아니고 이산형 변수일때 보다 효과적이다. 하지만 3 차원 변수가 연속형 변수일때는 점의 크기로 표현하는 버블 차트가 효과적이다.

버블 차트를 사용할 때 주의해야 하는 점이 있다. 첫 번째는 데이터가 너무 많이 표현되는 산점도에는 적절하지 않다는 것이다. 데이터가 표현되는 점의 크기로 세 번째 변수가 표현되는 만큼 데이터가 표시되는 간격이 적절하게 확보되어야 버블 차트의 효과가 높아진다. 두 번째는 데이터가 표현되는 점의 투명도를 잘 설정해야 한다는 것이다. 투명도가 너무 짙게 설정되면 데이터들이 서로 겹치는 부분의 데이터를 알아보기가 어려워질 수 있고 투명도가 너무 얇게 되면 데이터 자체를 알아보기 어려워질 수 있다. 세 번째는 점의 크기를 결정하는 세 번째 변수는 음의 값을 가지지 않는 데이터가 적합하다는 것이다. 음의 값을 가지면 데이터를 표현하는데 어려움이 있다. 네 번째로 사람의 눈은 일반적으로 원의 크기를 면적으로 인식한다고 알려져있기 때문에 원의 크기를 결정할 때는 가급적 지름의 크기로 설정하기 보다는 면적의 크기로 설정하는 것이 좋다.

plotly 로 버블 차트를 만들기 위해서는 스캐터 트레이스로 'mode'를 'markers'로 설정하여 만들 수 있다. 다음은 백신접종완료율 대비 인구백명당 부스터접종자수 산점도에 인구 십만명당 사망자수를 점의 크기로 하는 버블 차트를 그리는 R 과 python 코드이다. 버블의 크기를 면적 단위로 설정하기 위해 'sizemode'를 'area'로 설정하였다.

- R

```
df_covid19_stat |>
  plot_ly() |>
  add_trace(type = 'scatter', mode = 'markers',
    x = ~백신접종완료율, y = ~인구백명당부스터접종자수, text = ~location,
    marker = list(size = ~십만명당사망자수, opacity = 0.5, sizemode = 'area'))
```

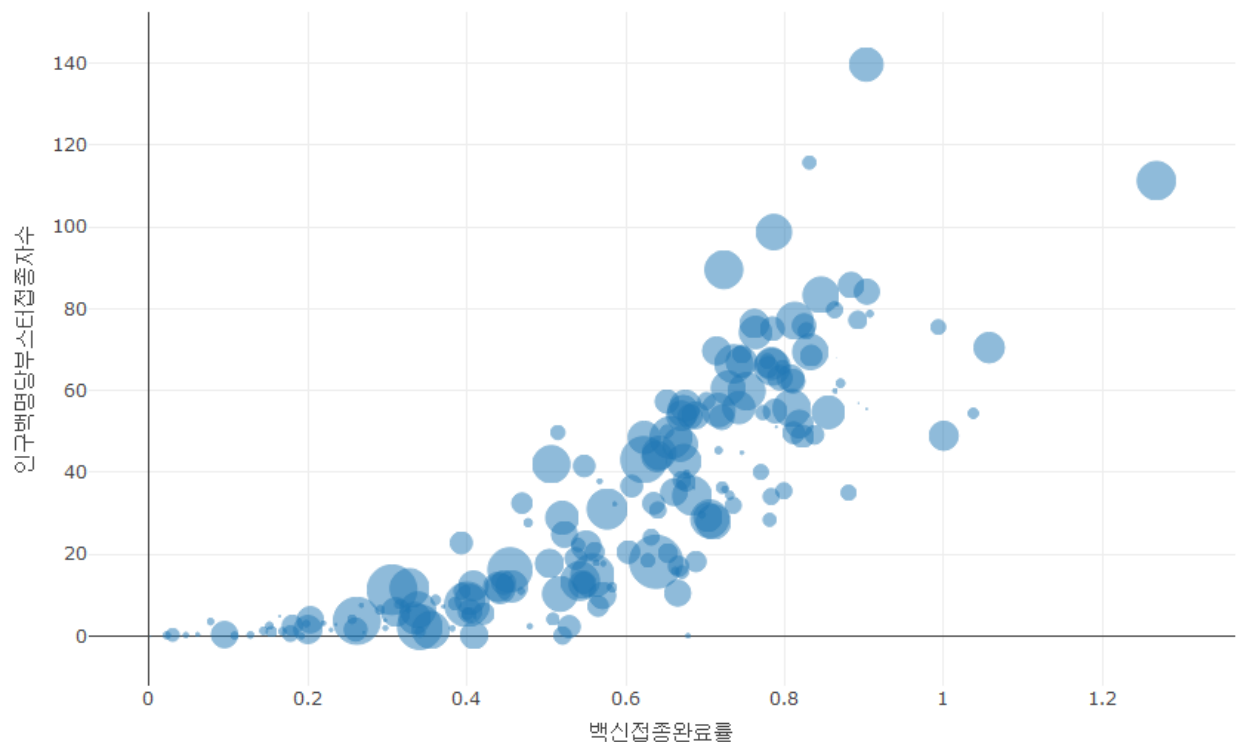


그림 III - 4R. R 의 버블 차트

- python

```
fig = go.Figure()

fig.add_trace(go.Scatter(
  mode = 'markers',
  x = df_covid19_stat['백신접종완료율'],
  y = df_covid19_stat['인구백명당부스터접종자수'],
  text = df_covid19_stat['location'],
```

```
marker = dict(size = df_covid19_stat['십만명당사망자수'], opacity = 0.5, sizemode = 'area')
))
fig.show()
```

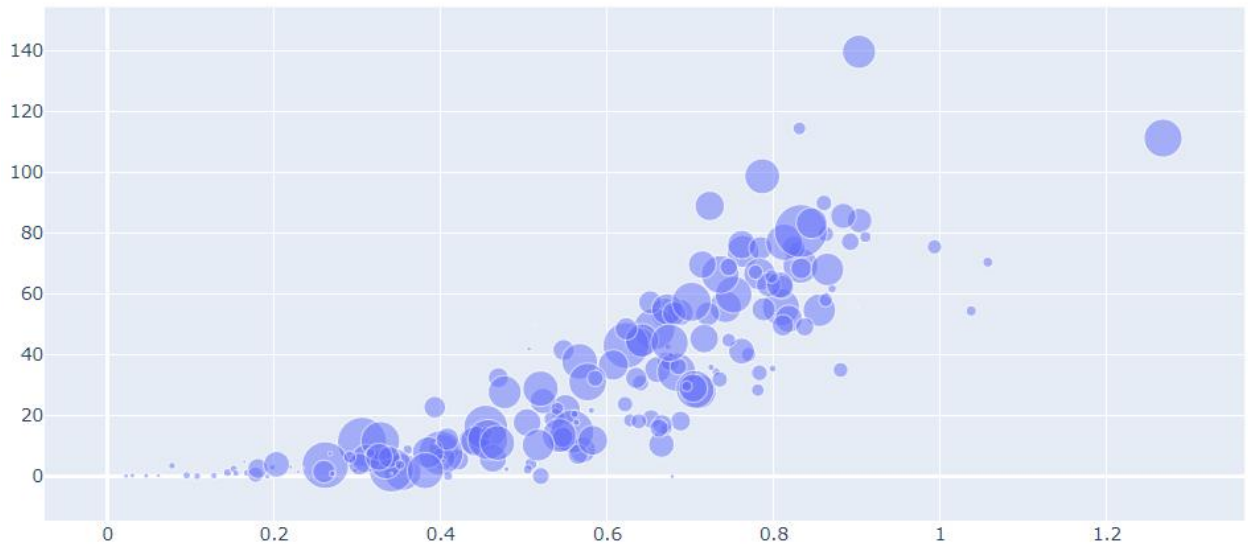


그림 III - 4P. python 의 버블 차트

2. 히스토그램(histogram)

히스토그램은 데이터의 특정 변수에 따른 사례수를 나타내는 시각화이다. 특정 변수의 일정한 급간에 몇개의 사례가 있는지는 도수분포라고하고 이를 시각화한 것이 도수분포표, 즉 히스토그램이다. 대부분의 탐색적 데이터 분석(Exploratory Data Analysis)에서 가장 기본적으로 사용하는 시각화가 히스토그램이다. 히스토그램은 일변량 데이터 시각화에 사용하고 보통의 경우 연속형 데이터에서 많이 사용한다.

히스토그램은 데이터의 빈도 분석, 데이터 대칭성 분석을 확인하는데 효과적으로 사용된다.

데이터의 빈도 분석은 어떤 구간에 데이터가 집중되어 있는지 파악하는 것이다.

히스토그램에서 각각의 막대를 bin 이라고 부른다. 데이터가 어떤 구간에 집중적으로 분포되어 있는지를 정확히 파악하기 위해서는 bin 의 크기를 적절하게 설정해야 한다.

데이터 대칭성 분석은 히스토그램의 전반적 형태가 어떻게 생겼는지를 확인하는 것이다. 데이터의 전반적 분포들이 평균에서 얼마나 떨어져 있는지, 양의 방향 또는 음의 방향으로 치우쳐 있는지를 확인할 수 있다.

히스토그램의 비대칭성은 평균과 중앙값과 밀접한 관계를 가진다. 일반적으로 평균이 중앙값보다 크다면 데이터는 양의 방향으로 치우친 데이터이다. 양의 치우침이 있는 데이터는 데이터의 수가 가장 많은 Peak 점이 중앙값(Median)보다 작고 중앙값은 평균보다 작다. 결국 중앙값을 기준으로 최빈값(Mode)가 왼쪽, 평균이 오른쪽에 위치한다. 그리고 오른쪽으로 더 길게 치우쳐진 꼬리를 가지게 된다.

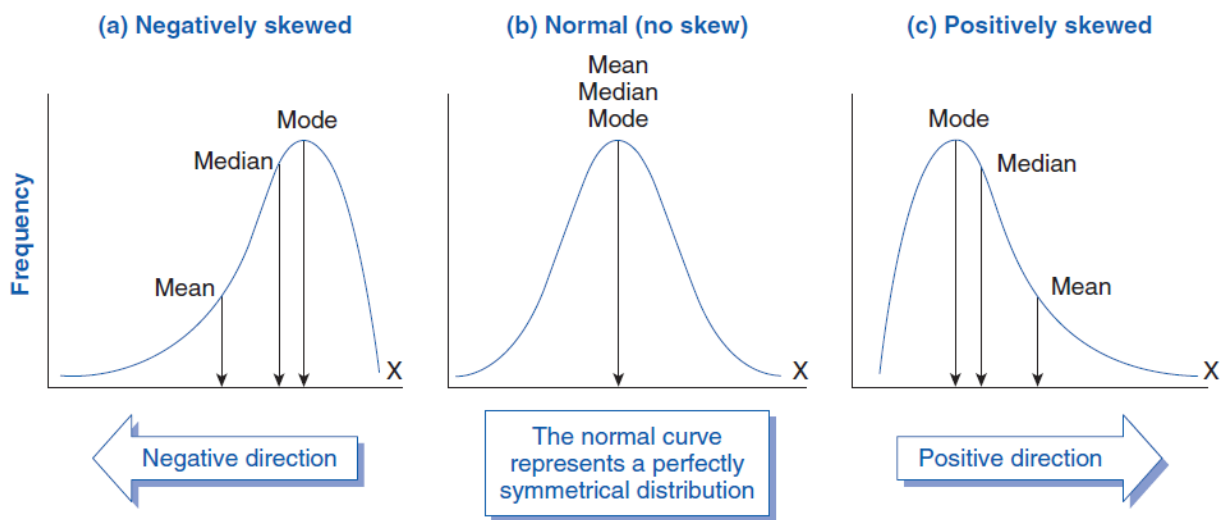


그림 III - 2 히스토그램의 치우침(<https://www.biologyforlife.com/skew.html>)

히스토그램을 그릴 때는 몇가지 주의할 점이 있다.

첫 번째는 앞에서 언급한 바와 같이 bin 의 크기를 잘 결정해야한다. bin 의 크기가 너무 넓으면 데이터들의 분포 특성이 묻개져서 데이터의 분포 특성을 알아내기 어렵다. 또 bin 의 크기를 너무 작게 하면 데이터의 전반적 분포를 파악하기 어렵고 이상치 값들로 인해 데이터의 왜곡도 발생할 수 있다.

두 번째는 동일한 bin 의 크기로 설정해야 한다. 맨 좌측이나 맨 우측의 긴 꼬리가 존재하는 경우 긴 꼬리쪽을 몇 개의 'bin'을 병합하여 넓은 bin 으로 설정한다면 데이터의 전반적 분포를 확인할 수 없다. 따라서 가급적 데이터의 처음부터 끝까지 동일한 bin 의 크기를 유지하는 것이 바람직하다.

세 번째는 히스토그램의 Y 축은 0 부터 시작하여야 한다는 것이다. 히스토그램은 각각의 bin 구간에 따른 샘플수를 표현하기 때문에 샘플이 없는 구간도 표현되어야 하기 때문에 0 부터 시작하는 것이 좋다.

마지막으로 히스토그램은 bin 사이의 간격을 두지 않는게 일반적이다. 이것이 막대 그래프와 히스토그램의 차이인데 막대 그래프는 막대와의 간격을 두어 막대간의 구별이 가능하도록 만들지만 히스토그램은 전체적 분포를 보기위해 사용하기 때문에 **plotly**의 기본값은 bin 간의 간격을 두지 않는다. 하지만 히스토그램의 x 변수를 연속형 변수가 아닌 이산형 변수를 설정하면 **plotly**는 bin 사이의 간격을 만드는데 사실 이것은 사실 히스토그램이라기 보다는 막대그래프로 보는 것이 맞을 것이다.

plotly에서 히스토그램을 그리기 위해서는 히스토그램 트레이스를 사용한다. R에서 R에서 히스토그램을 그리기 위해서 **add_histogram()**을 사용한다. 만약 **add_trace()**를 사용한다면 'type'을 'histogram'으로 설정하고, python에서 히스토그램을 그리기 위해서는 **plotly.graph_objects.Histogram()**이나 **plotly.express.histogram()**을 사용한다.

히스토그램 트레이스에서 주로 사용하는 속성은 다음과 같다.

속성		속성 설명	python 속성값 R 속성값
histfunc		히스토그램 트레이스의 bin 설정에 사용될 함수	("count" "sum" "avg" "min" "max")
histnorm		히스토그램 트레이스에서 사용될 정규화 타입 설정	("" "percent" "probability" "density" "probability density")
nbinsx		원하는 bin 의 최대 개수 설정	0 이상의 정수
nbinsy		원하는 bin 의 최대 개수 설정	0 이상의 정수
xbins	end	X 축 bin 의 마지막 값 설정	수치나 좌표계 범주 문자열
	size	X 축 bin 의 사이즈 설정	수치나 좌표계 범주 문자열
	start	X 축 bin 의 시작 값 설정	수치나 좌표계 범주 문자열
ybins	end	Y 축 bin 의 마지막 값 설정	수치나 좌표계 범주 문자열
	size	Y 축 bin 의 사이즈 설정	수치나 좌표계 범주 문자열
	start	Y 축 bin 의 시작 값 설정	수치나 좌표계 범주 문자열
textangle		눈금 라벨의 각도 설정	각도값
constrainttext		막대 내부 또는 외부의 텍스트 크기를 막대 자체보다 크지 않도록 제한	("inside" "outside" "both" "none")
cumulative	currentbin	현재 빈이 포함되는지, 제외되는지 또는 현재 누적 값에 해당 값의 절반이 포함되는지 여부를 설정	("include" "exclude" "half")
	direction	누적값이 더해지는 방향 설정	("increasing" "decreasing")
	enable	누적 히스토그램 사용여부 설정	논리값

다음은 각 학과의 취업률의 분포를 히스토그램으로 그리는 R 과 python 코드이다.
 히스토그램에서 표현할 단변량 변수인 취업률 변수는 X 축에 매핑해주고 bin 의 설정과
 관련하여 'xbins' 속성을 설정한다. 여기서는 bin 의 시작점 속성인 'start'를 0, 끝점
 속성인 'end'를 100, bin 의 크기를 2.5 로 설정하였다.

- R

```
## 취업률 데이터를 사용해 plotly 객체 생성
p_histogram <- df_취업률_2000 |> plot_ly()

p_histogram |>
  ## histogram trace 로 X 축을 취업률로 매핑, name 을 취업률로 설정
  add_histogram(x = ~취업률, name = '취업률',
    xbins = list(start = 0, end = 100, size = 2.5)) |>
  ## 제목과 여백 설정
  layout(title = '취업률 histogram', margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))
```

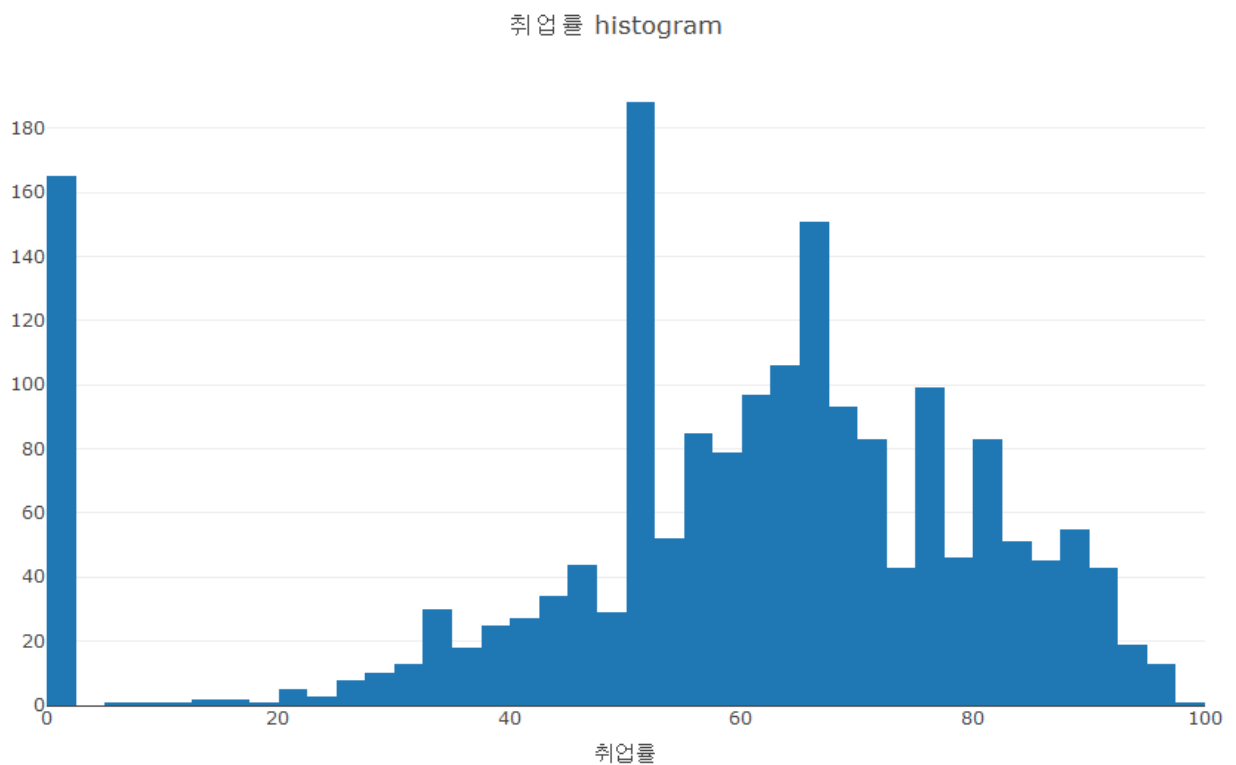


그림 III - 5R. R 의 히스토그램

- python

```
fig = go.Figure()
```

```
fig.add_trace(go.Histogram(x = df_취업률_2000['취업률'], name = '취업률',
                           xbins = dict(start = 0, end = 100, size = 2.5)))
fig.update_layout(title = dict(text = '취업률 Histogram', x = 0.5))
fig.show()
```

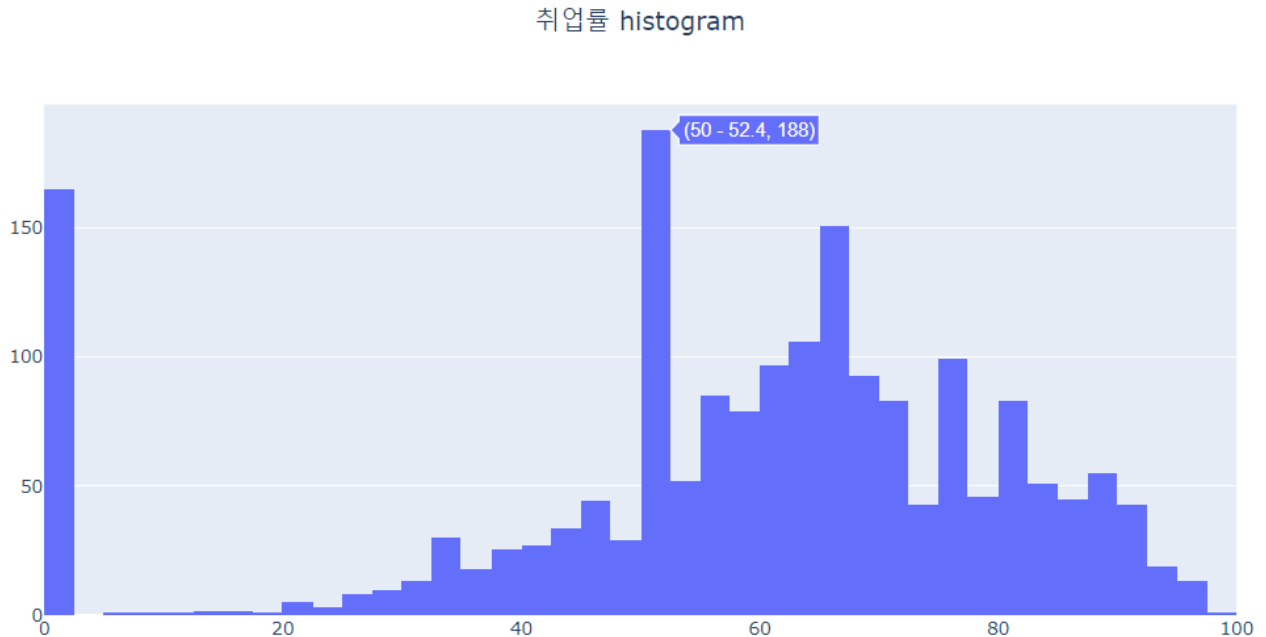


그림 III - 5P. python 의 히스토그램

2.1. 오버레이 히스토그램

히스토그램은 단일 연속형 변수에 대한 사례수를 표현하는 것이 목적이다. 하지만 이 몇 개의 카테고리로 그룹화한 단일 연속형 변수에 대한 히스토그램을 겹쳐서 그리면 각각의 카테고리에 분포를 한 눈에 비교할 수 있다. 이러한 히스토그램을 오버레이 히스토그램이라고 한다. 오버레이 히스토그램을 사용하면 서로 중첩된 여러 모집단을 시각화하고 비교할 수 있다.

plotly 에서 오버레이 히스토그램을 그리기 위해서는 먼저 시각화하고자 하는 데이터에 대한 히스토그램 트레이스를 각각 만들어주고 'layout'의 'barmode'를 'overlay'로 설정해주면 그려진다. 다만 이 과정에서 서로 히스토그램이 겹치기 때문에 'opacity' 속성을 사용하여 각각의 히스토그램 트레이스의 투명도를 적절히 설정해주어야 한다. 하나 주의해야 할 것은 'barmode' 속성은 'layout' 속성이지만 'opacity' 속성은 'data' 속성이기 때문에 각각의 트레이스에서 설정해주어야 한다는 것이다.

다음의 코드는 학과별 취업률 히스토그램을 학위 과정별로 그리고 이들을 서로 겹쳐서 표현하는 오버레이 히스토그램을 그리는 R 과 python 의 코드이다. 각각의 히스토그램 트레이스의 'opacity'는 0.4 로 설정하였다.

- R

R 에서 오버레이 히스토그램을 그리기 위해 설정하는 'barmode'는 `layout()`에서 설정해 준다.

```
## 취업률 데이터를 사용해 plotly 객체 생성
p_histogram <- df_취업률_2000 |> plot_ly()

p_histogram |>
  ## histogram trace 로 X 축을 취업률로 매핑, name 을 취업률로 설정
  add_histogram(x = ~취업률, color = ~과정구분, opacity = 0.4,
    xbins = list(size = 5)) |>
  ## 제목과 여백 설정
  layout(title = '취업률 histogram',
    barmode = "overlay",
    margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25)
  )
```

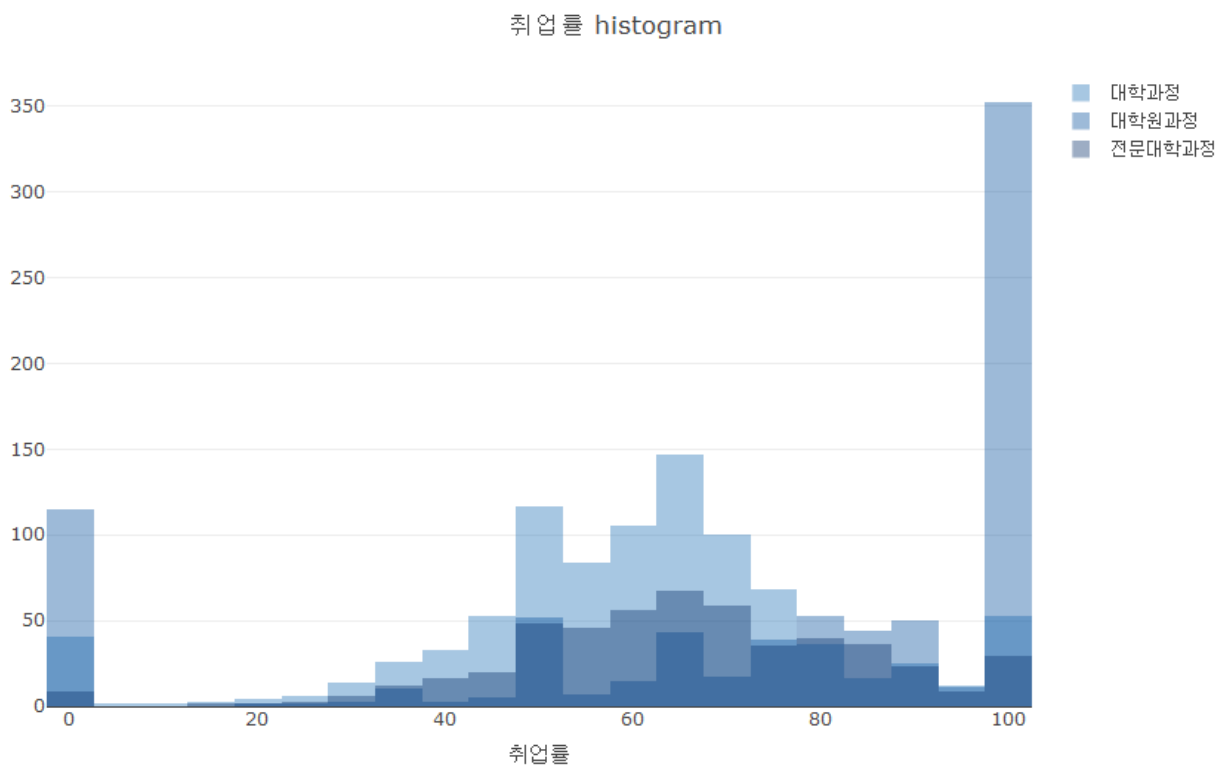


그림 III - 6R. R 의 오버레이 히스토그램

- python

python 에서 'barmode'의 설정은 `update_layout()`에서 설정한다. 아래의 코드는 각각의 히스토그램 트레이스 색상의 구분을 위해 '과정구분'에 따라 그룹화하고 각각의 그룹을 `for` 루프를 사용하여 각각 설정하였다.

```
fig = go.Figure()

categoreis = {'전문대학과정':'0', '대학과정':'1', '대학원과정':'2'}

for cat, group in df_취업률_2000.groupby('과정구분'):
    fig.add_trace(go.Histogram(
        x = group['취업률'],
        name = cat,
        xbins = dict(size = 10), opacity=0.4
    ))

fig.update_layout(barmode='overlay', title = dict(text = '취업률 Histogram', x = 0.5))

fig.show()
```

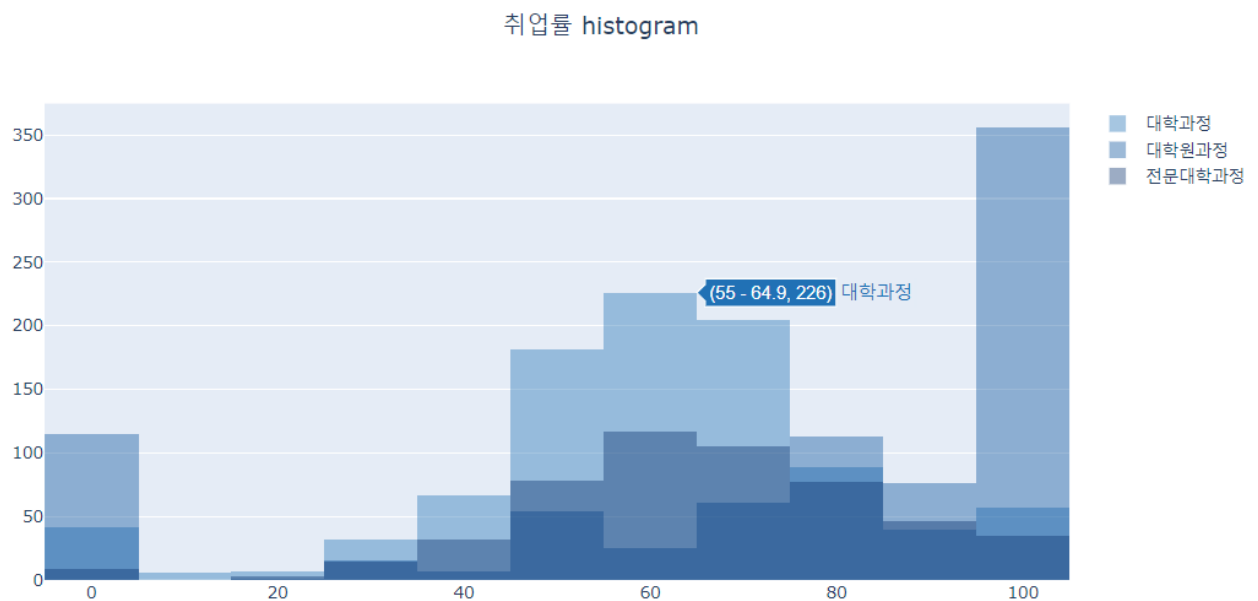


그림 III - 6P. python 의 오버레이 히스토그램

2.2. 누적 히스토그램

누적 히스토그램은 x 축에 매핑된 변수의 bin 에 표현되는 데이터의 사례수를 x 축의 양의 방향으로 지속적으로 누적하여 bin 의 사례수로 표현하는 히스토그램을 말한다. 누적

히스토그램은 누적 빈도 곡선을 만들 수 있는데, 많은 양의 데이터에서 중앙값이나 사분위수와 같은 통계적 정보를 확인해야 할 때 유용하게 활용된다.

누적 히스토그램을 그리기 위해서는 히스토그램 트레이스의 속성 중 'cumulative' 속성의 하위 속성인 'enabled'를 TRUE 로 설정한다. 다음은 R 과 python 에서 누적 히스토그램을 그리는 코드이다.

- R

```
## 취업률 데이터를 사용해 plotly 객체 생성
p_histogram <- df_취업률_2000 |> plot_ly()

p_histogram |>
  ## histogram trace 로 X 축을 취업률로 매핑, name 을 취업률로 설정
  add_histogram(x = ~취업률, name = '취업률',
    xbins = list(start = 0, end = 100, size = 2.5),
    cumulative = list(enabled=TRUE)) |>
  ## 제목과 여백 설정
  layout(title = '취업률 histogram', margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))
```

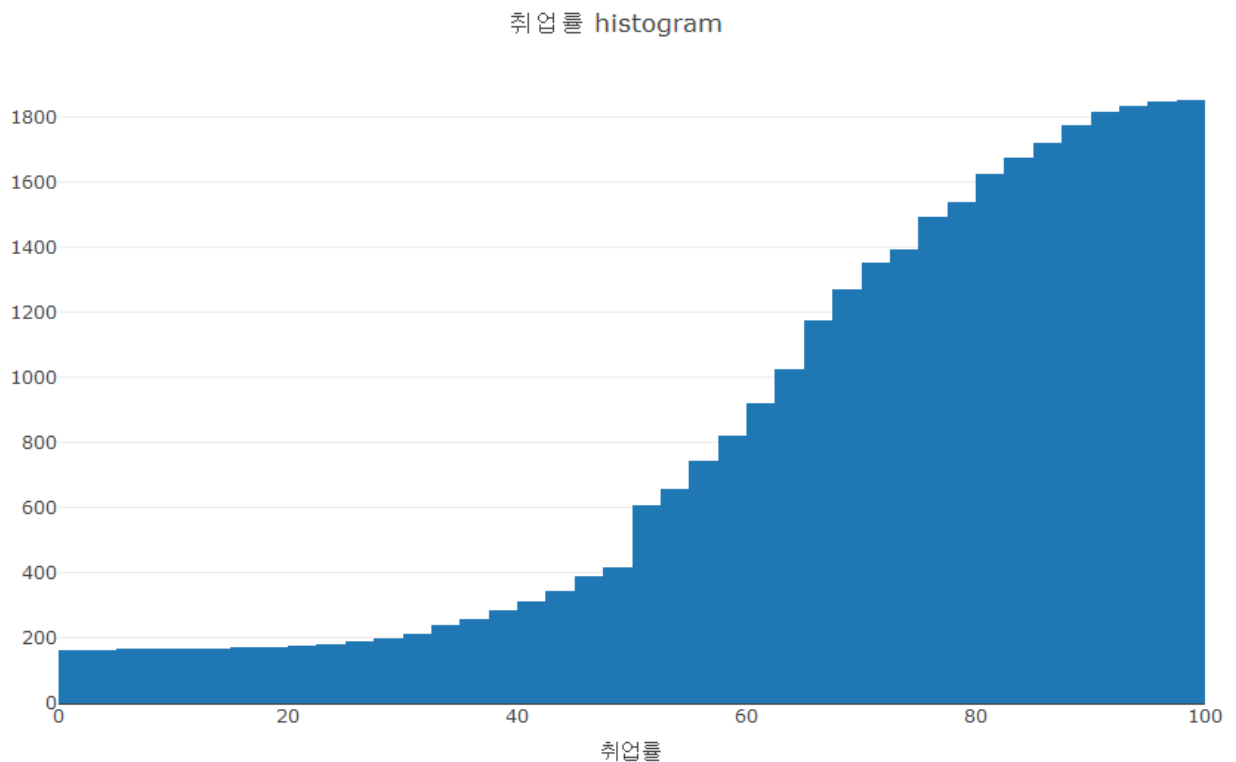


그림 III - 7R. R 의 누적 히스토그램

- python

```
fig = go.Figure()
```

```
fig.add_trace(go.Histogram(x = df_취업률_2000['취업률'], name = '취업률',
                           xbins = dict(start = 0, end = 100, size = 2.5),
                           cumulative = dict(enabled = True)))

fig.update_layout(title = dict(text = '취업률 Histogram', x = 0.5))
fig.show()
```

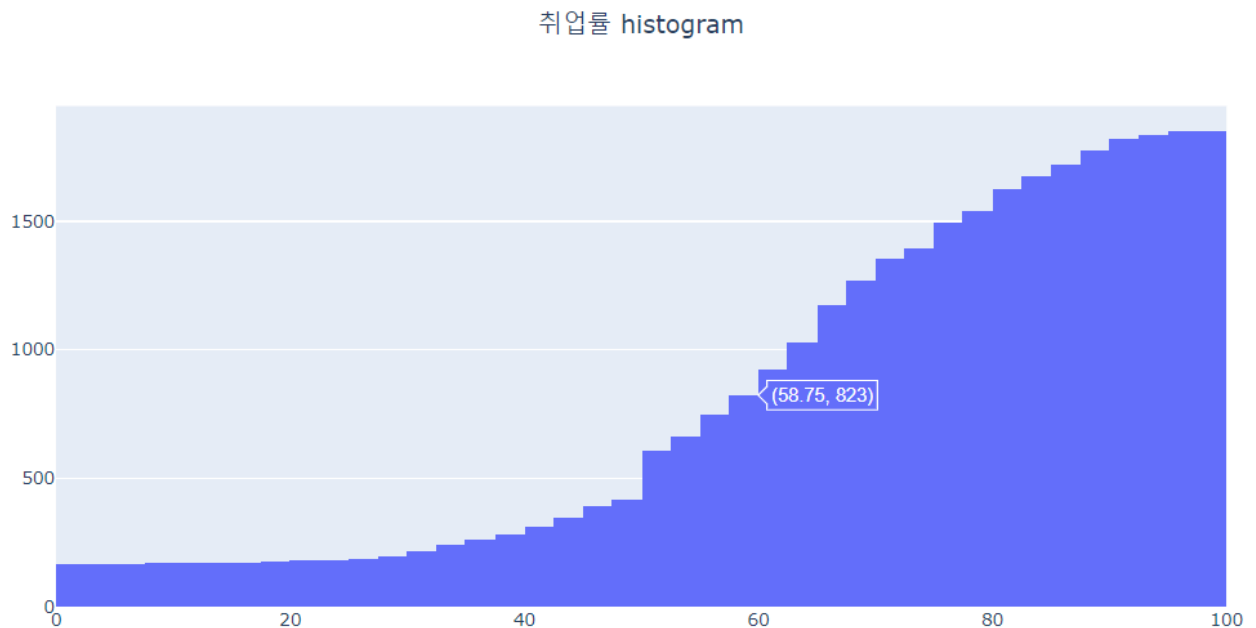


그림 III - 7P. python 의 누적 산점도

2.3. 히스토그램 함수의 사용

보통 히스토그램은 bin 의 크기에 따라 설정된 범위에 속한 데이터의 사례수, 즉 데이터 카운트를 표현한다. **plotly** 에서도 기본적인 히스토그램은 데이터 사례수를 표현하는 방법으로 히스토그램을 그리지만 이 값을 특정한 함수의 값으로 대체하는 방법도 제공한다. **plotly** 에서 히스토그램 함수로 제공하는 것은 사례수를 표시하는 “count”, bin 에 속한 값의 합을 표시하는 “sum”, 평균을 표시하는 “avg”, 가장 작은 값을 표시하는 “min”, 가장 큰 값을 표시하는 “max”의 5 개이다. 히스토그램 함수는 히스토그램 트레이스의 ‘histgunc’ 속성에 함수명을 설정함으로써 사용할 수 있다. 만약 ‘count’ 외의 함수를 사용한다면 각각의 함수에 적용되어야 하는 ‘y’ 속성을 설정해 주어야 한다.

다음은 대학의 각 계열별로 ‘count’, ‘sum’, ‘avg’, ‘max’ 함수를 사용하는 히스토그램을 그리는 R 과 python 코드이다.

- R

R 에서 'count' 이외의 히스토그램 함수를 사용할 때 하나 주의해야 할 점은 Y 축에 매핑되는 'y' 속성에 설정되는 값은 수치형이 아닌 문자열로 설정해야한다는 것이다.

```
p_histogram |>
add_trace(type = 'histogram', ## add_histogram() 과 동의 함수
  x = ~대계열,
  ## 히스토그램 막대 함수를 'count'로 설정
  histfunc = 'count') |>
layout(title = '취업률 histogram', margin = margins,
  yaxis = list(title = list(text = '학과수')),
  margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))

p_histogram |>
add_trace(type = 'histogram', x = ~대계열, y = ~as.character(취업률),
  ## 히스토그램 막대 함수를 'sum'으로 설정
  histfunc = 'sum') |>
## Y 축을 선형으로 설정
layout(yaxis=list(type='linear',title = list(text = '취업률 합계')),
  title = '취업률 histogram',
  margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))

p_histogram |>
add_trace(type = 'histogram', x = ~대계열, y = ~as.character(취업률),
  ## 히스토그램 막대 값을 'average'로 설정
  histfunc = 'avg') |>
## Y 축을 선형으로 설정
layout(yaxis=list(type='linear',title = list(text = '취업률 평균')),
  title = '취업률 histogram',
  margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))

p_histogram |>
add_trace(type = 'histogram', x = ~대계열, y = ~as.character(취업률),
  ##히스토그램 막대 값을 'max'로 설정
  histfunc = 'max') |>
## Y 축을 선형으로 설정
layout(yaxis=list(type='linear',title = list(text = '취업률 최대값')),
  title = '취업률 histogram',
  margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))
```


취업률 histogram

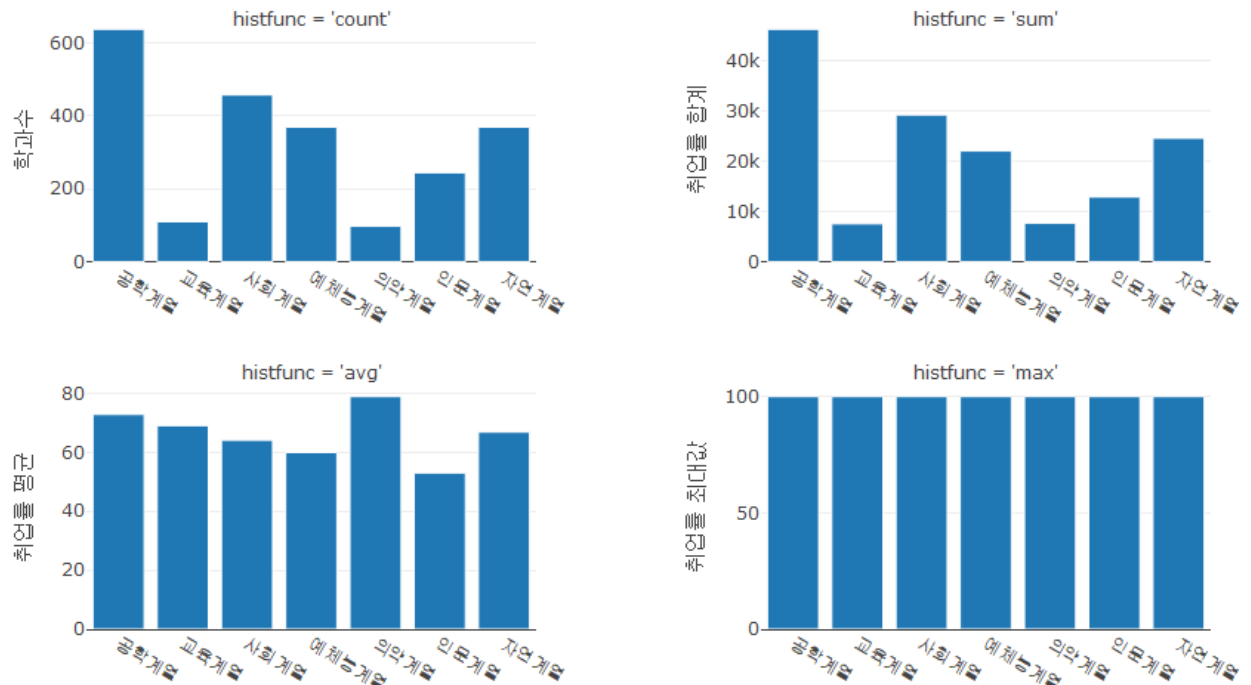


그림 III - 8R. histfunc 에 따른 R 의 히스토그램

- python

```
#####
fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Histogram(x = df_취업률_2000['대계열'], y = df_취업률_2000['취업률'],
                           histfunc = 'count', showlegend = False))
fig.update_layout(title = dict(text = '취업률 Histogram', x = 0.5))
fig.show()

#####
fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Histogram(x = df_취업률_2000['대계열'], y = df_취업률_2000['취업률'],
                           histfunc = 'sum', showlegend = False))
fig.update_layout(title = dict(text = '취업률 Histogram', x = 0.5))
fig.show()

#####
fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Histogram(x = df_취업률_2000['대계열'], y = df_취업률_2000['취업률'],
                           histfunc = 'avg', showlegend = False))
fig.update_layout(title = dict(text = '취업률 Histogram', x = 0.5))
fig.show()
```

```
#####
fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Histogram(x = df_취업률_2000['대계열'], y = df_취업률_2000['취업률'],
                           histfunc = 'max', showlegend = False))
fig.update_layout(title = dict(text = '취업률 Histogram', x = 0.5))
fig.show()
```

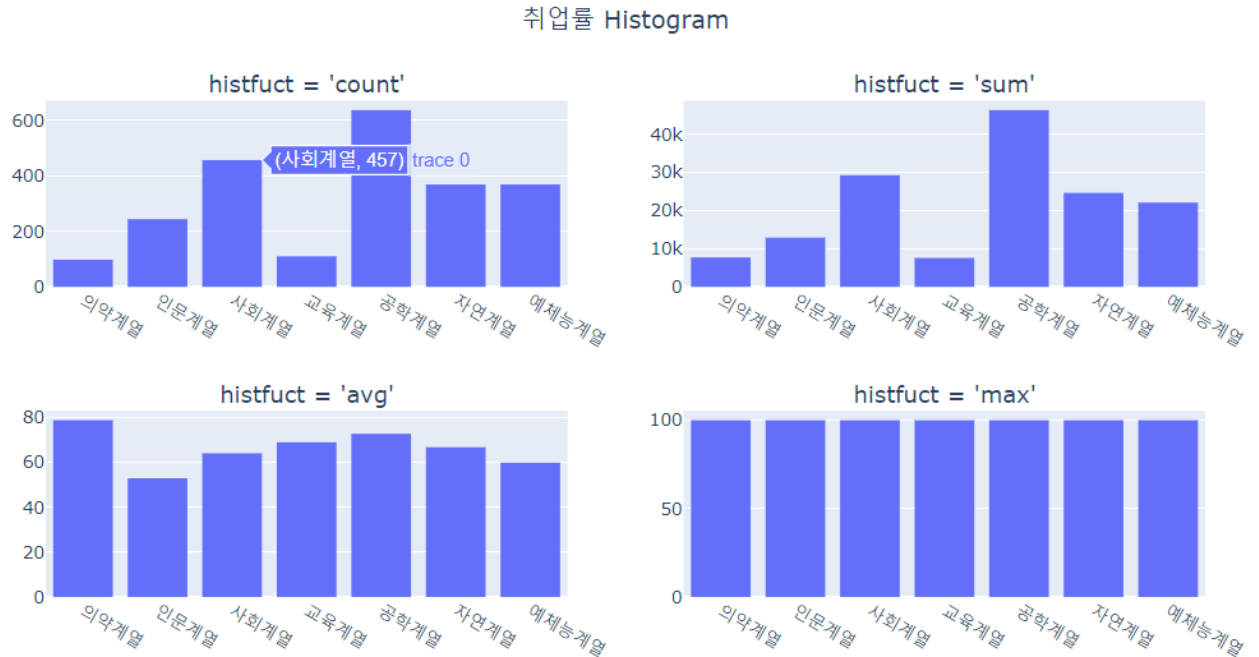


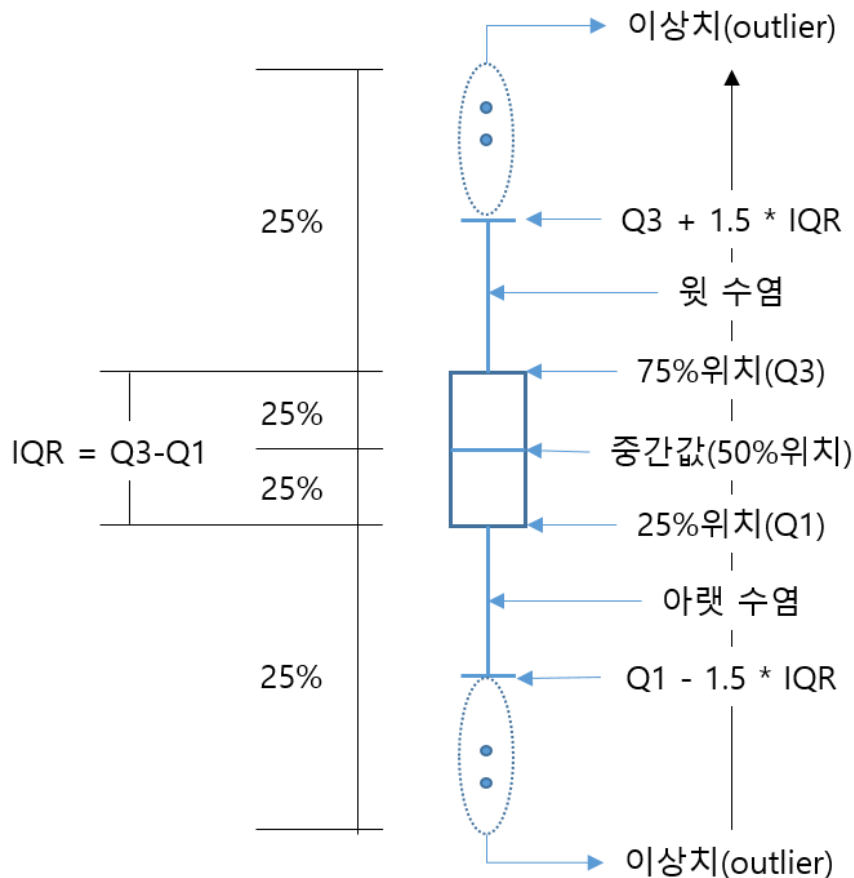
그림 III - 8P. histfunc 에 따른 python 의 히스토그램

3. 박스(Box) 플롯

박스 플롯⁵은 연속된 수치형 데이터의 전체 분포를 완벽하게 보여줄 수 있는 플롯이다. 앞서 설명한 산점도는 X, Y 축 모두 연속형 수치 데이터를 사용하지만 박스 플롯은 X 축은 이산형 데이터를 매핑하여 이산형 데이터로 분류되는 데이터의 전반적 분포를 시각화할 수 있다는 점에서 활용도가 크다. 또 산점도(Scatter Plot)에서는 표현할 수 없었던 중간값, IQR 범위, 이상치 등의 추가적인 통계적 정보를 같이 볼 수 있다는 장점이 있다.

⁵ 박스 플롯은 우리말로 상자 수염 그림, 상자 수염 차트 등으로 해석되는데 여기서는 박스 플롯으로 표현하겠다.

박스 플롯으로 표현되는 상자의 중심은 중앙값이다. 중앙값은 가로선으로 표현되며 그 주위를 상자가 둘러싸고 있다. 상자의 상단과 하단은 관측값들의 25%와 75%를 나타낸다. 상자의 상단과 하단 범위를 벗어나면 사분위 범위의 1.5 배에 해당하는 '수염(whisker)'으로 표현된다. 수염 밖에 존재하는 값은 점으로 표기하며 이상치로 간주된다.



plotly 에서 박스 플롯을 생성하기 위해서는 박스 트레이스를 사용한다. 박스 트레이스를 만들기 위해서 R 에서는 `add_trace(type = 'box')`를 사용하거나 `add_boxplot()`을 사용하고 python 에서는 `plotly.graph_objects.Box()`를 사용하거나 `plotly.express.box()`를 사용한다.

박스 트레이스에서 주로 사용하는 속성은 다음과 같다.

속성		속성 설명	python 속성값 R 속성값
marker	color	점 색상 설정	색상이나 색상 배열
	line color	점 외곽선 색 설정	색상이나 색상 배열
	outliercolor	이상치 점 외곽선 색 설정	색상

속성			속성 설명	python 속성값 R 속성값
		outlierwidth	이상치 점 외곽선 두께 설정	0 이상의 수치
		width	점 외곽선 두께 설정	0 이상의 수치
	opacity		점 투명도 설정	0 과 1 사이의 수치나 수치 배열
	outliercolor		이상치 점 색 설정	색상
	size		점 크기 설정	0 과 1 사이의 수치나 수치 배열
	symbol		점의 형태 설정	열거형 타입 또는 열거형 타입 배열
line	color		박스 플롯 경계선 색 설정	색상
	width		박스 플롯 경계선 두께 설정	0 과 1 사이의 수치나 수치 배열
boxmean			박스의 평균값 표시 설정	(True "sd" False)
boxpoints			박스 플롯에서 표시되는 데이터 점의 설정	("all" "outliers" "suspectedoutliers" False)
notched			중앙값의 양쪽에 움푹 패인 모양 설정	논리값
notchwidth			노치 두께 설정	0 부터 0.5 사이의 수치
whiskerwidth			박스의 두께에 비례한 수염의 두께	0 부터 1 까지의 수치
quartilemethod			중앙값의 처리에 따른 Q1 과 Q3 의 계산 방법을 설정	("linear" "exclusive" "inclusive")
fillcolor			박스 내부 색상 설정	색상
pointpos			점들이 표시되는 위치의 박스 너비에 대한 상대적 거리	-2 이상 2 이하의 수치
jitter			점들이 표시되는 범위의 박스 너비에 대한 상대적 거리	0 이상 1 이하의 수치

다음은 대학 학과의 계열별로 취업률의 분포를 박스 플롯으로 그린 R 과 python 코드이다.

- R

```
df_취업률 |>
plot_ly() |>
add_boxplot(x = ~대계열, y = ~취업률_계)|>
## boxmode 를 group 으로 설정
layout(title = list(text = '대학 계열별 취업률 분포'),
margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))
```

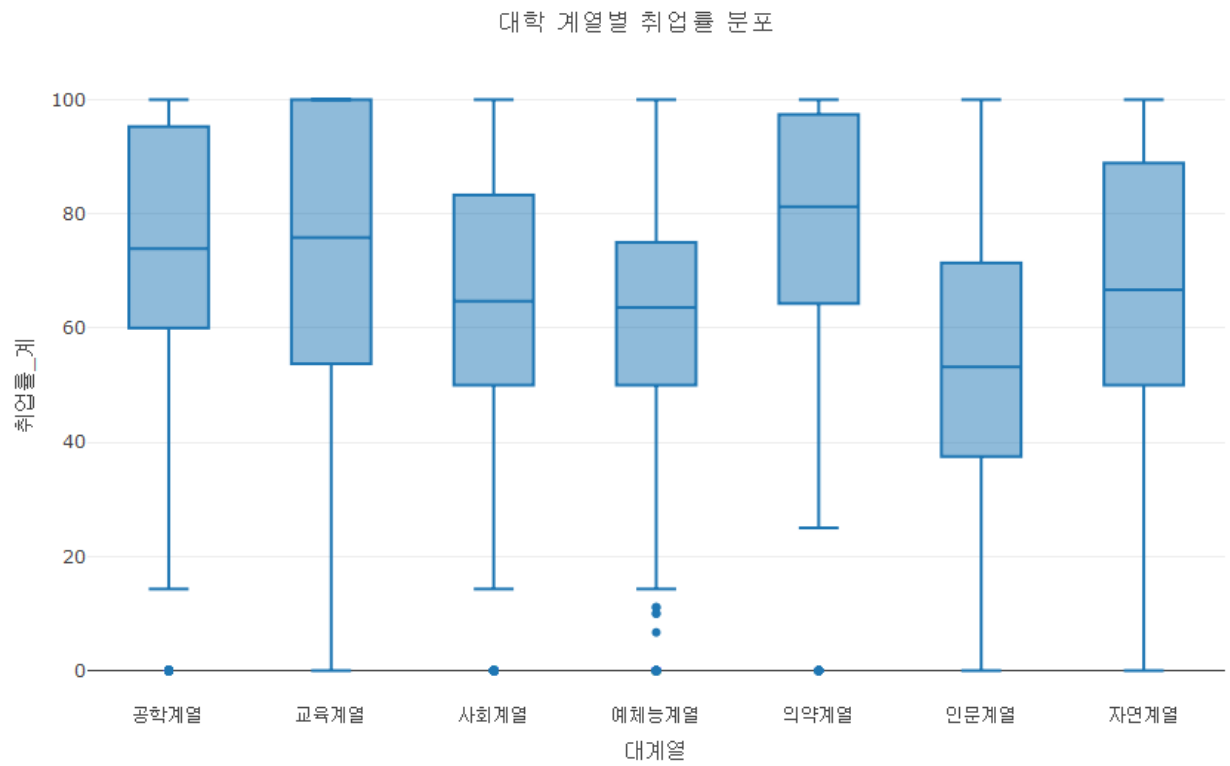


그림 III - 9 R의 박스 플롯

- python

```
fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Box(
    x = df_취업률['대계열'], y = df_취업률['취업률_계']))
fig.update_layout(title = dict(text = '대학 계열별 취업률 분포', x = 0.5))
fig.show()
```

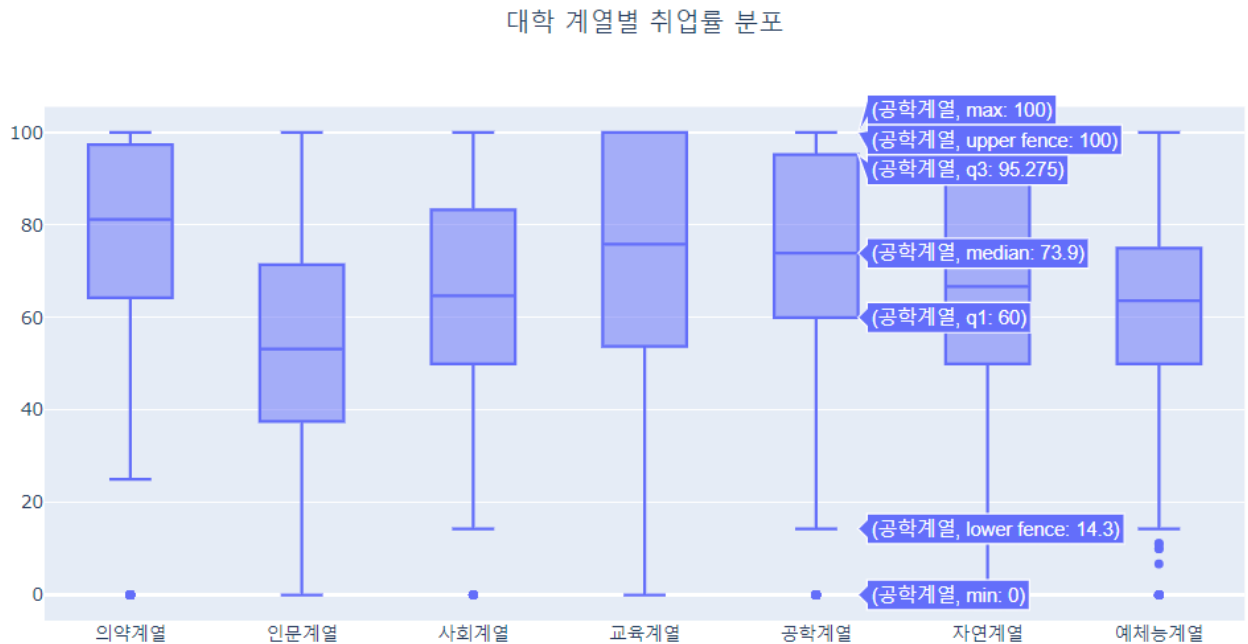


그림 III - 9P. python 의 박스 플롯

3.1. 평균, 표준편차가 포함된 박스 플롯

일반적으로 가장 많이 사용되지만 박스 트레이스에서 제공되지 않는 요약 통계가 바로 평균(mean)이다. 보통 박스 플롯의 상자 안에 표시되는 가로선을 평균으로 오해하는 경우가 많지만 이는 중간값이다. **plotly**에서는 평균값을 표시해주는 속성인 'boxmean'을 제공한다. 'boxmean'은 TRUE, "sd", FALSE 의 세가지 속성값을 가질 수 있는데 평균값 선을 표기하거나 표기하지 않는 TRUE/FALSE 의 논리값, 평균값에 표준편차가 추가로 표시되는 'sd'를 설정한다.

다음은 평균과 표준편차가 표시된 박스 플롯을 그리는 R 과 python 코드이다. 박스 트레이스의 'boxmean' 속성을 'sd'로 설정하였다. 또 중간값과 평균을 구분하기 위해 'notched' 속성을 사용하여 중앙값이 표시되는 박스의 외관을 움푹 들어가도록 표현해주었다. 'notched'는 TRUE/FALSE 의 논리값을 사용하여 표시할지 여부를 결정한다.

- R

```
df_취업률 |>
plot_ly() |>
add_boxplot(x = ~대학계열, y = ~취업률_계, boxmean = 'sd', notched = TRUE)|>
## boxmode 를 group 으로 설정
layout(title = list(text = '대학 계열별 취업률 분포'),
margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))
```

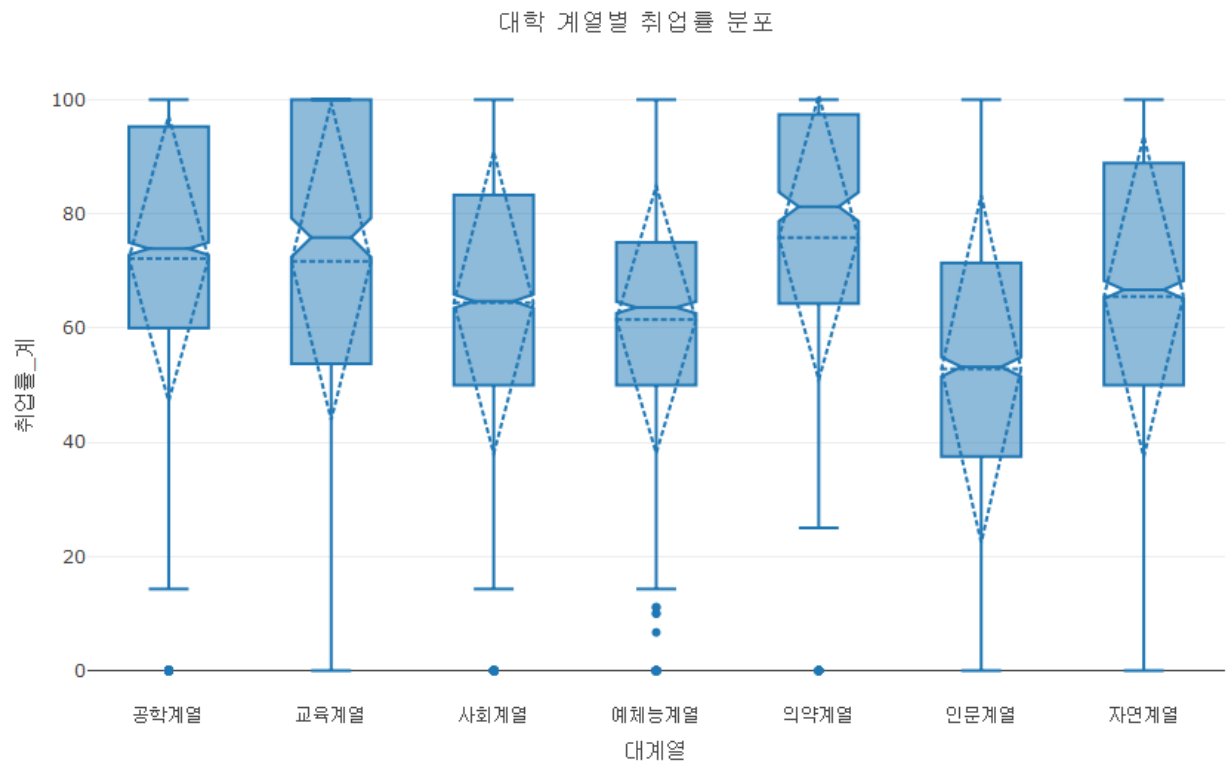


그림 III - 10R. 평균, 표준편차가 포함된 R 의 박스 플롯

- python

```
fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Box(
    x = df_취업률['대학 계열'], y = df_취업률['취업률_계'],
    boxmean = 'sd', notched = True))
fig.show()
```

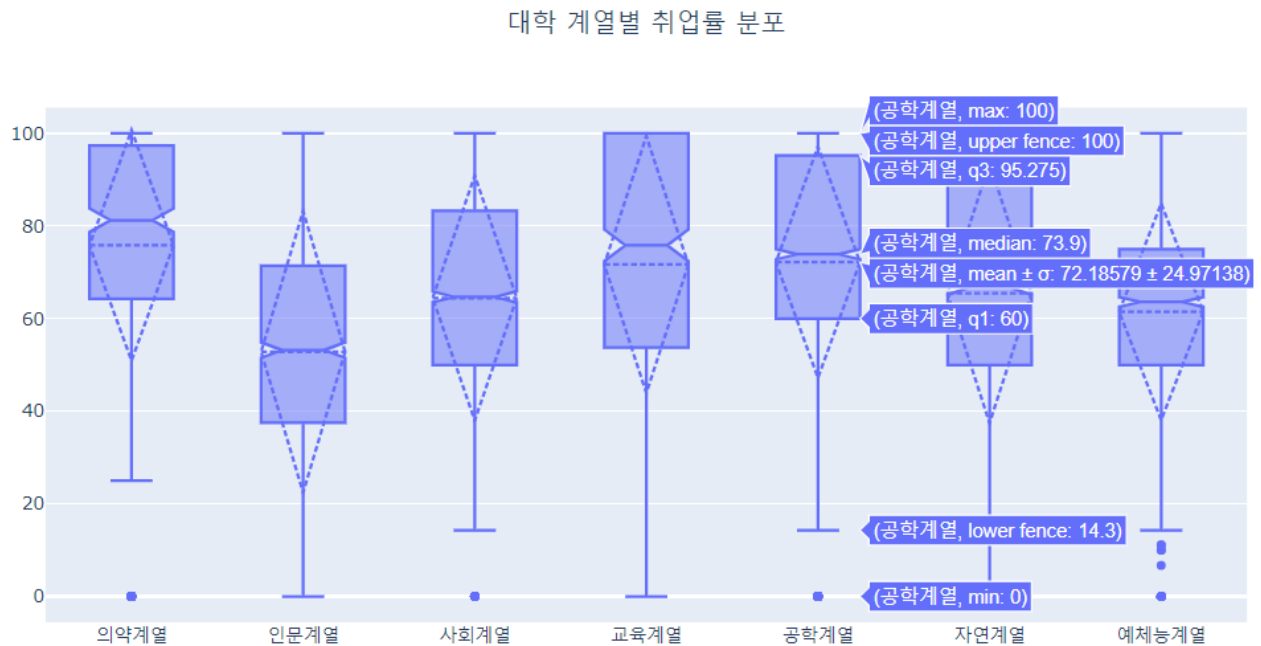


그림 III - 10P. 평균, 표준편차가 포함된 python 의 박스 플롯

3.2. 그룹 박스 플롯

박스 트레이스는 그룹화한 변수를 `color` 나 `linetype` 등의 속성에 매핑시켜서 다수의 박스 트레이스를 같은 박스 플롯으로 만들거나 각각의 박스 트레이스를 추가하여 같은 박스 플롯을 만들 수도 있다. 이렇게 여러개의 박스 트레이스를 하나의 박스 플롯에 그릴 때 그 구성 형태를 결정하기 위해서는 차후 설명할 'layout' 속성의 'boxmode' 속성을 설정함으로써 가능하다.⁶

'boxmode' 속성은 'group'과 'overlay'의 두 가지를 속성값을 설정할 수 있다. 'group'은 각각의 박스들이 옆으로 배치되면서 전체 박스 플롯이 완성되고 'overlay'는 각각의 박스들이 겹쳐져 그려지면서 완성된다. 다음의 코드는 'color'로 과정구분을 매핑하여 'group'형 박스 플롯을 생성하는 R 과 python 코드이다.

- R

```
df_취업률 |>
  plot_ly() |>
  add_boxplot(x = ~대계열, y = ~취업률_계,
    ## color 를 과정구분으로 매핑
```

⁶ boxmode 를 사용할 때 'Warning message'를 내는 경우가 있는데 이는 Plotly Community Forum 에서도 적절치 않은 경고 메시지로 지적되고 있어 무시해도 무방하다.


```

color = ~과정구분)|>
## boxmode 를 group 으로 설정
layout(boxmode = "group", title = list(text = '대학 계열별 취업률 분포'),
margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))

```

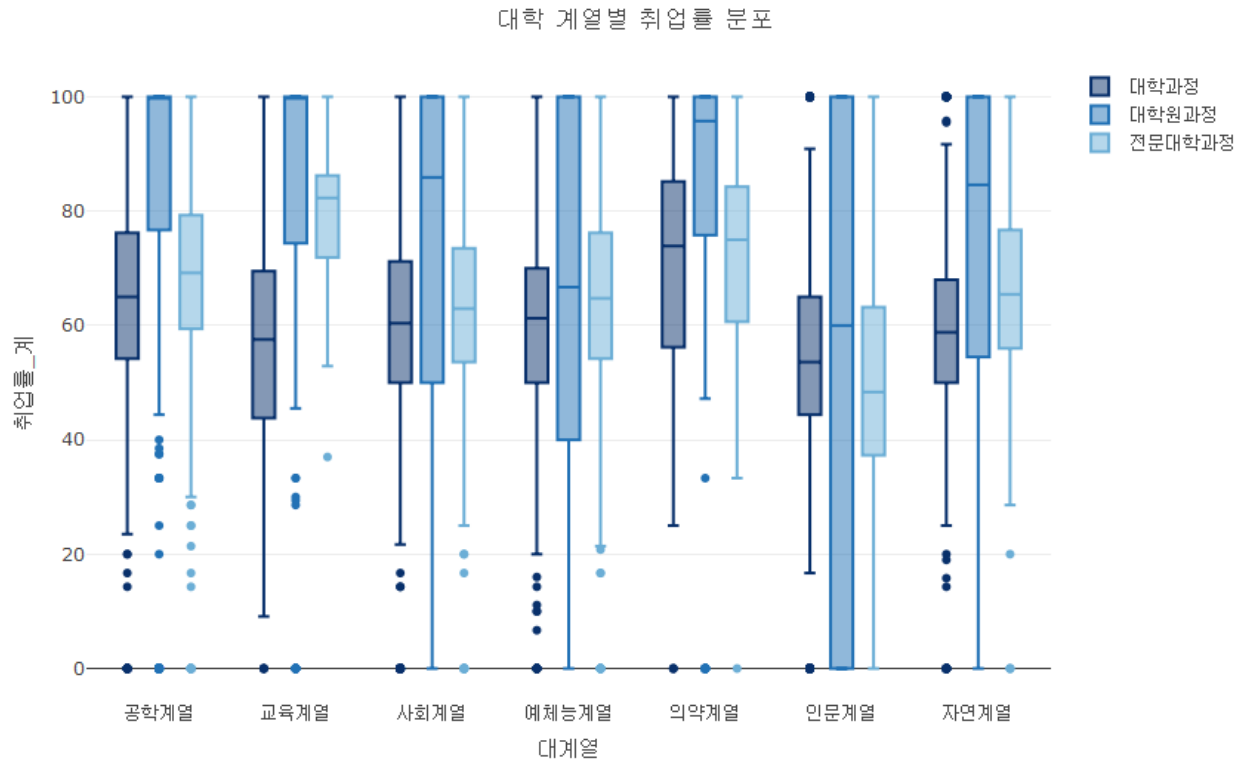


그림 III - 11R.R 의 그룹 박스 플롯

- python

```

fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Box(
    x = df_취업률.loc[df_취업률['과정구분'] == '전문대학과정', '대계열'], y =
df_취업률['취업률_계'],
    name = '전문대학과정')
))

fig.add_trace(go.Box(
    x = df_취업률.loc[df_취업률['과정구분'] == '대학과정', '대계열'], y = df_취업률['취업률_계'],
    name = '대학과정')
))

fig.add_trace(go.Box(
    x = df_취업률.loc[df_취업률['과정구분'] == '대학원과정', '대계열'], y =
df_취업률['취업률_계'],
    name = '대학원과정')
))

```

```

    )

fig.update_layout(boxmode = 'group',
                  title = dict(text = '학위과정별 취업률 분포', x = 0.5, xanchor = 'center')
                  )

fig.show()

```

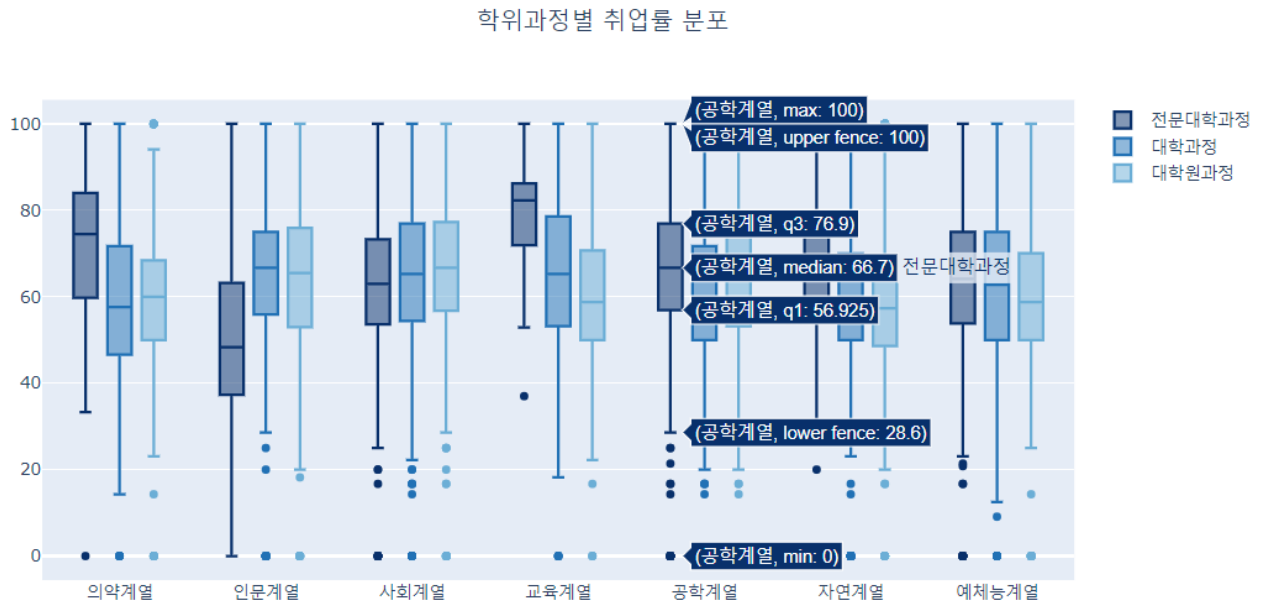


그림 III - 11P. python 의 그룹 박스 플롯

3.3. 지터(jitter) 박스 플롯

박스 플롯은 데이터의 분포를 여러 통계값을 사용하여 알아볼 수 있다는 점에서 매우 유용하지만 주의해야 할 점도 있다. 박스 플롯에는 데이터가 통계값으로 요약되기 때문에 이 요약으로 인해 잃게 되는 정보도 있다는 점이다. 가장 큰 것은 데이터의 사례수가 밀집된 구간이 표현되지 않는다는 점이다. 앞서의 그룹 박스 플롯과 같이 여러 데이터를 비교하는 경우 박스 플롯상에서 중간값, 25%, 75% 값이 다른 그룹보다 높게 있더라도 그 그룹에 포함된 데이터 자체가 다른 그룹보다 현저하게 적다면 이 부분을 다시 한번 검증해봐야 하지만 박스 플롯만으로는 이 부분을 알아내기가 어렵다. 이러한 단점을 보완하기 위해 실 데이터를 흩뿌려주는 산점도를 병합하는 방법을 사용하곤 한다.

박스 플롯에 산점도를 병합하는 방식은 지터 박스 플롯은 여전히 산점도가 가지고 있는 오버플로팅 문제가 존재한다. 이를 피하기 위해 설명한 여러 방법(샘플수 조정, 투명도 조정

등)을 사용할 수 있지만 가장 많이 사용되는 방법은 데이터를 좌우로 흩뿌려 주는(jitter) 방법이다.

plotly 에서 지터 박스 플롯을 만들기 위해서는 'boxpoints', 'jitter', 'pointpos' 등의 속성을 설정한다. 'boxpoints'는 지터로 표시할 데이터의 범위를 설정하는 속성으로 전체 데이터를 표시하기 위한 "all", 이상치만을 표시하기 위한 "outliers", 이상치 중에서도 좀더 극단치 이상치에 해당하는 이상치를 부각시키는 "suspectedoutliers", 지터를 사용하지 않는 FALSE 의 속성값을 가진다. 'jitter'는 데이터가 흩뿌려지는 범위를 결정하는 속성으로 0 부터 1 까지의 값을 가진다. 0 은 데이터가 흩뿌려지지 않고 직선위에 표시되며 1 은 박스의 너비만큼의 범위에 데이터가 흩뿌려진다. 'pointpos'는 데이터 점이 표시되는 위치를 설정하는데 박스의 중심에서부터 거리를 설정한다. 이 값은 -2 에서 2 사이의 값을 가지는데 음수값은 박스의 좌측으로, 양수값은 박스의 우측으로 데이터가 표시되며 1 은 박스 너비만큼 박스 중심에서부터 떨어진 곳에 데이터가 위치한다.

다음은 코로나 19 의 한국과 대륙별 일별 확진자수에 대한 지터 박스 플롯을 그리는 R 과 python 코드이다.

'boxpoints'는 'all'로 설정하여 데이터 전체를 표시하고, 'jitter'를 0.3 으로 설정하여 박스 너비의 30%에 해당하는 너비만큼 데이터가 흩뿌려지게 설정하였고, 'pointpos'를 -1.8 로 설정하여 박스의 좌측으로 박스 너비의 1.8 배 되는 곳에 데이터가 표시되도록 설정하였다.

- R

```
fig <- df_covid19_100_wide |> plot_ly()

fig <- fig |>
  add_boxplot(y = ~확진자_한국, name = '한국', boxpoints = "all", jitter = 0.3,
    pointpos = -1.8)

fig <- fig |>
  add_boxplot(y = ~확진자_아시아, name = '아시아', boxpoints = "all", jitter = 0.3,
    pointpos = -1.8)

fig <- fig |>
  add_boxplot(y = ~확진자_유럽, name = '유럽', boxpoints = "all", jitter = 0.3,
    pointpos = -1.8)

fig <- fig |>
  add_boxplot(y = ~확진자_북미, name = '북미', boxpoints = "all", jitter = 0.3,
    pointpos = -1.8)

fig <- fig |>
  add_boxplot(y = ~확진자_남미, name = '남미', boxpoints = "all", jitter = 0.3,
```

```

pointpos = -1.8)

fig <- fig |>
add_boxplot(y = ~확진자_아프리카, name = '아프리카', boxpoints = "all", jitter = 0.3,
pointpos = -1.8)

fig <- fig |>
add_boxplot(y = ~확진자_오세아니아, name = '오세아니아', boxpoints = "all", jitter = 0.3,
pointpos = -1.8)

## boxmode 를 group 으로 설정
fig |> layout(title = list(text = '한국 및 대륙별 일별 확진자 분포'),
axis = list(title = '대륙명'),
yaxis = list(title = '확진자수(명)'),
margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25),
paper_bgcolor='lightgray', plot_bgcolor='lightgray')

```

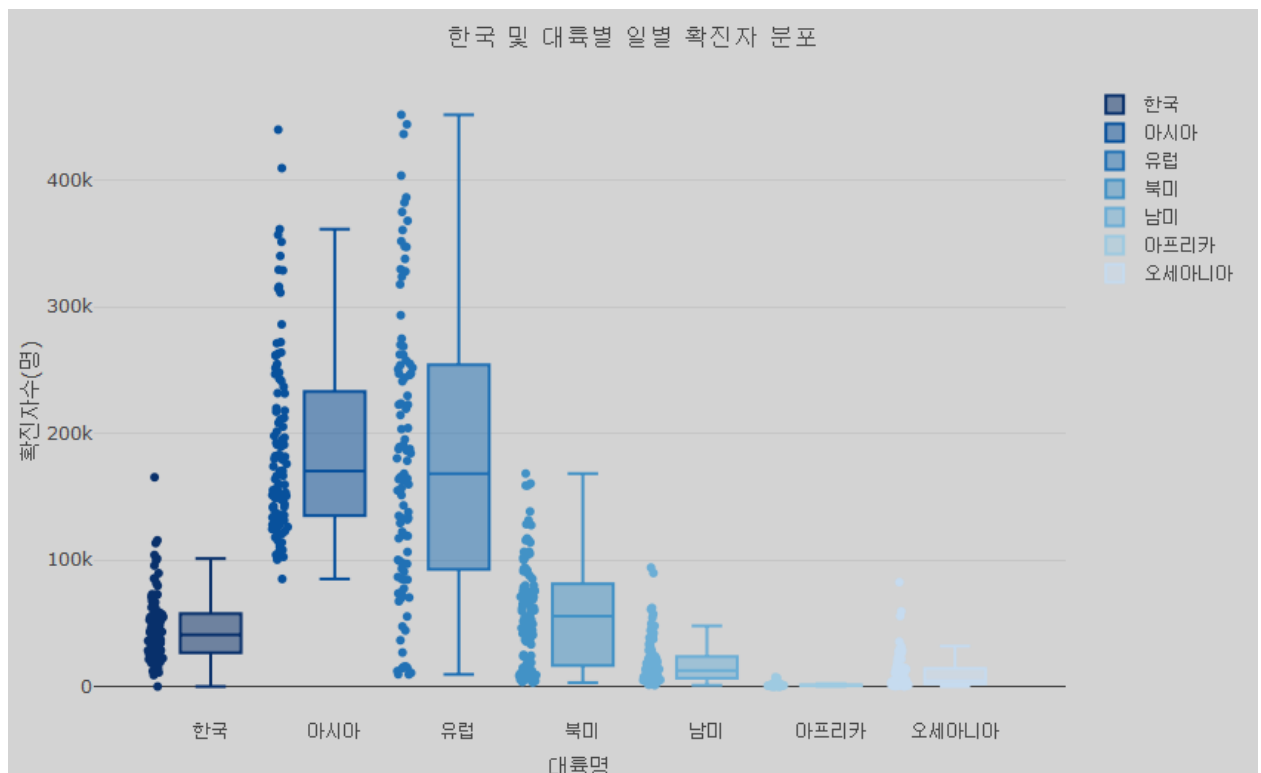


그림 III - 12R. R 의 지터 박스 플롯

- python

```

fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Box(
y = df_covid19_100_wide['확진자_한국'], name = '한국',
boxpoints = "all", jitter = 0.3, pointpos = -1.8))

fig.add_trace(go.Box(

```

```

y = df_covid19_100_wide['확진자_아시아'], name = '아시아',
boxpoints = "all", jitter = 0.3, pointpos = -1.8))

fig.add_trace(go.Box(
y = df_covid19_100_wide['확진자_유럽'], name = '유럽',
boxpoints = "all", jitter = 0.3, pointpos = -1.8))

fig.add_trace(go.Box(
y = df_covid19_100_wide['확진자_북미'], name = '북미',
boxpoints = "all", jitter = 0.3, pointpos = -1.8))

fig.add_trace(go.Box(
y = df_covid19_100_wide['확진자_남미'], name = '남미',
boxpoints = "all", jitter = 0.3, pointpos = -1.8))

fig.add_trace(go.Box(
y = df_covid19_100_wide['확진자_아프리카'], name = '아프리카',
boxpoints = "all", jitter = 0.3, pointpos = -1.8))

fig.add_trace(go.Box(
y = df_covid19_100_wide['확진자_오세아니아'], name = '오세아니아',
boxpoints = "all", jitter = 0.3, pointpos = -1.8))

fig.update_layout(title = dict(text = '한국 및 대륙별 일별 확진자 분포', x = 0.5),
xaxis = dict(title = '대륙명'),
yaxis = dict(title = '확진자수(명)'),
margin = dict(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25),
paper_bgcolor='lightgray', plot_bgcolor='lightgray')

fig.show()

```

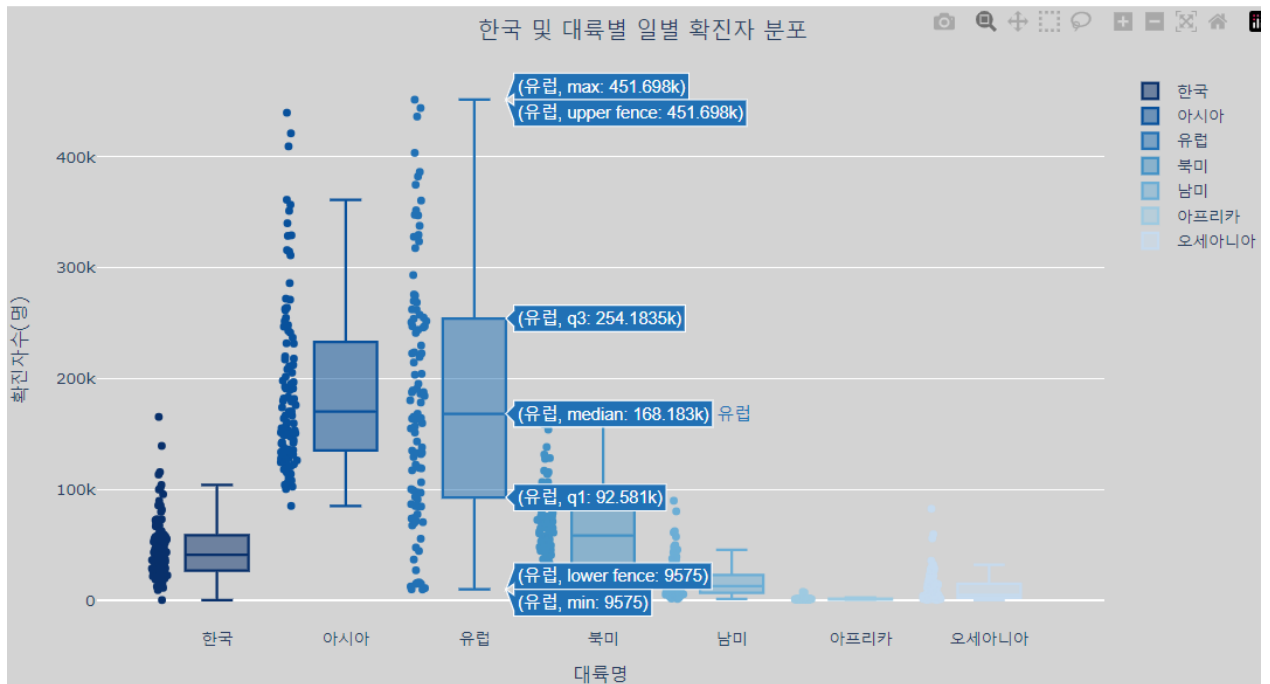


그림 III - 12P. python 의 지터 박스 플롯

4. 바이올린(Violin) 플롯

박스 플롯의 단점을 해결하기 위해 지터 박스 플롯을 고안하였다. 하지만 지터 박스 플롯의 경우 사례수가 많아지면 표기되는 점들이 서로 겹쳐 중첩된 구간을 잘 알아보기 어려운 오버플로팅의 문제가 발생한다. 이러한 문제를 해결하기 위해 바이올린 플롯을 사용한다. 바이올린 플롯은 박스 플롯과 유사한 산술 통계값들을 사용한 시각화 방법이지만 박스 플롯처럼 직선으로 구성된 네모난 박스를 사용하는 것이 아니라 확률 밀도 곡선을 사용하여 바이올린과 유사한 영역을 만들어 시각화함으로써 데이터가 집중된 위치를 파악하기 쉽게 만든 시각화이다. 결국 박스 플롯과 히스토그램을 결합한 형태의 시각화 방법이다. 데이터의 양이 많아져서 산점도를 겹쳐서 보여주기 어려울 경우 매우 효과적인 플롯이기 때문에 지터 박스 플롯의 단점을 보완할 수 있고 다양한 산술통계값이 시각화 된다는 것때문에 히스토그램의 단점도 보완한다.

바이올린 플롯에서 표현되는 산술 통계값은 박스 플롯의 산술 통계값과 동일하다. 다만 박스 플롯과의 차이는 일반적으로 바이올린 플롯에서는 상한 수염값(Upper Whisker bound)와 하한 수염값(Lower Whisker bound) 구간 밖에 있는 이상치를 포함하여 플롯을 그린다는 것이다. 따라서 실제 값의 상한값과 하한값보다 다소 길게 표현된다는 단점이 있다.

plotly 에서 바이올린 플롯은 바이올린 트레이스를 사용해서 그릴 수 있다. R 에서 바이올린 트레이스를 사용하기 위해서는 `add_trace(type = 'violin')`을 사용해야 한다.

`add_violin()`은 제공하지 않는다. python 에서는 `plotly.graph_objects.Violin()`을 사용하거나 `plotly.express.Violin()`을 사용한다.

바이올린 플롯에서 주로 사용하는 속성은 다음과 같다.

속성			속성 설명	python 속성값 R 속성값
marker	color		점 색상 설정	색상이나 색상 배열
	line	color	점 외곽선 색 설정	색상이나 색상 배열
		outliercolor	이상치 점 외곽선 색 설정	색상
		outlierwidth	이상치 점 외곽선 두께 설정	0 이상의 수치
		width	점 외곽선 두께 설정	0 이상의 수치
	opacity		점 투명도 설정	0 과 1 사이의 수치나 수치 배열
	outliercolor		이상치 점 색 설정	색상
	size		점 크기 설정	0 과 1 사이의 수치나 수치 배열
	symbol		점의 형태 설정	열거형 타입 또는 열거형 타입 배열
line	color		바이올린 플롯 경계선 색 설정	색상
	width		바이올린 플롯 경계선 두께 설정	0 과 1 사이의 수치나 수치 배열
box	fillcolor		박스 내부 색상 설정	색상
	line	color	박스 외곽선 색상 설정	색상
		width	박스 외곽선 두께 설정	0 이상의 수치
	visible		박스의 표시여부 설정	논리값
quartilemethod			중앙값의 처리에 따른 Q1 과 Q3 의 계산 방법을 설정	("linear" "exclusive" "inclusive")
fillcolor			박스 내부 색상 설정	색상
pointpos			점들이 표시되는 위치의 바이올린 너비에 대한 상대적 거리	-2 이상 2 이하의 수치
jitter			점들이 표시되는 범위의 바이올린 너비에 대한 상대적 거리	0 이상 1 이하의 수치
meanline	color		평균선 색상 설정	색상
	visible		평균선 표시여부 설정	논리값

속성		속성 설명	python 속성값 R 속성값
	width	평균선 두께 설정	0 이상의 수치
points		데이터 점의 표시 범위 설정	("all" "outliers" "suspectedoutliers" False)
side		바이올린의 절반을 구성하는 밀도 함수를 위치 설정	("both" "positive" "negative")
spanmode		밀도 함수가 계산될 데이터 공간의 범위를 설정	("soft" "hard" "manual")

- R

```
df_취업률_2000 |>
plot_ly() |>
## 바이올린 trace 추가
add_trace(type = 'violin', x = ~대계열, y = ~취업률) |>
layout(title = list(text = '대학 계열별 취업률 분포'),
margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))
```

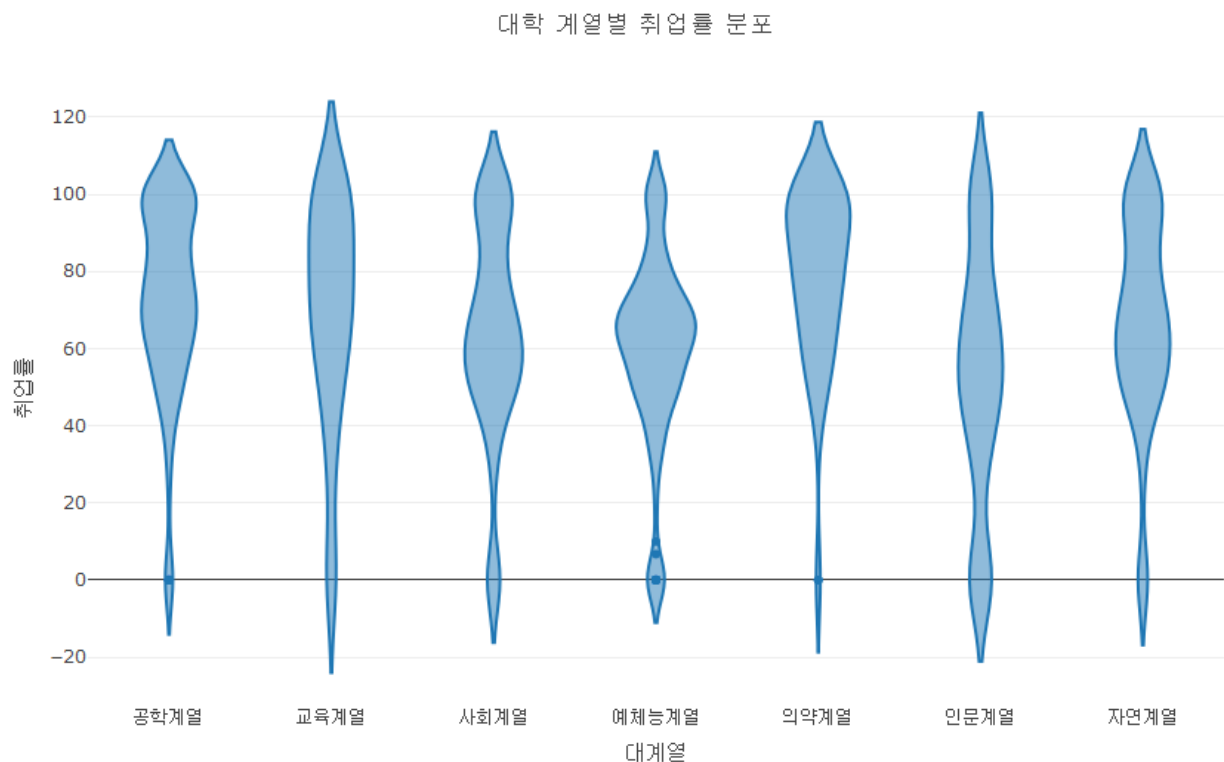


그림 III - 13R. R 의 바이올린 플롯

- python


```
fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Violin(
    x = df_취업률['대계열'], y = df_취업률['취업률_계']
))
fig.show()
```

한국 및 대륙별 일별 확진자 분포

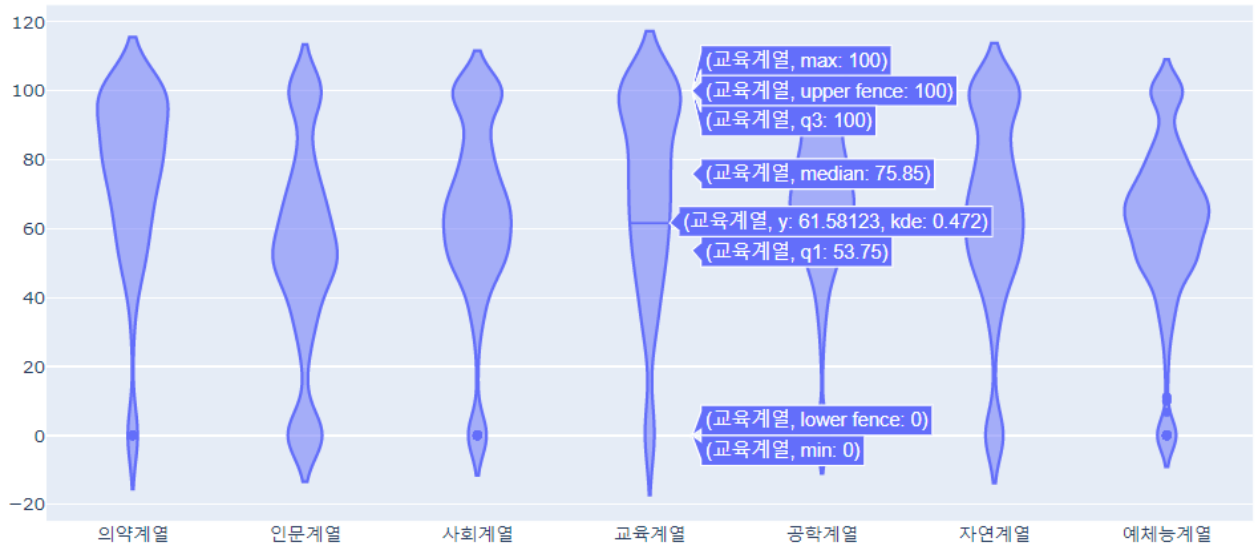


그림 III - 13P. python 의 바이올린 플롯

4.1. 박스 플롯과 평균선이 포함된 바이올린 플롯

바이올린 플롯은 박스 플롯과 동일한 산술 통계값을 사용하지만 그 값의 위치가 직접적으로 표시되지는 않는다. 따라서 이 값들을 표시하기 위해 박스 플롯과 평균선을 같이 사용할 수 있는데 'box'와 'meanline' 속성을 사용하여 설정할 수 있다. 이 두 속성은 다양한 하위 속성이 있는데 이 중 'visible' 속성을 TRUE 로 설정하면 바이올린 플롯의 안쪽에 박스 플롯이 나타나고 평균선이 나타난다.

다음은 박스 플롯과 평균선을 포함한 바이올린 플롯을 그리는 R 과 python 코드이다.

- R

```
df_취업률_2000 |>
plot_ly() |>
## 바이올린 trace 추가
add_trace(type = 'violin', x = ~대계열, y = ~취업률,
          box = list(visible = TRUE),
          meanline = list(visible = TRUE)) |>
```

```
layout(title = list(text = '대학 계열별 취업률 분포'),
margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))
```

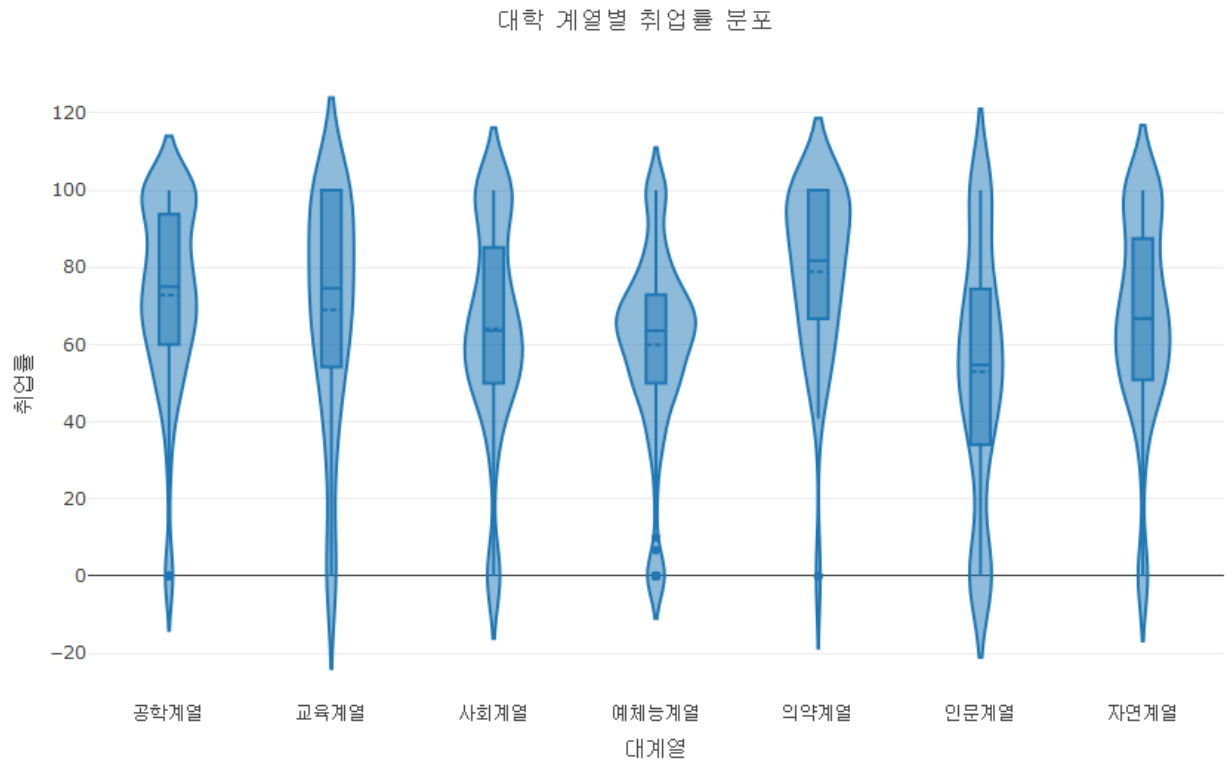


그림 III - 14R. 박스 플롯과 평균선이 포함된 R 의 바이올린 플롯

- python

```
fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Violin(
    x = df_취업률['대학 계열'], y = df_취업률['취업률_계'],
    box = dict(visible = True),
    meanline = dict(visible = True)
))
fig.update_layout(title = dict(text = '한국 및 대륙별 일별 확진자 분포', x = 0.5))
fig.show()
```

한국 및 대륙별 일별 확진자 분포



그림 III - 14P. 박스 플롯과 평균선이 포함된 바이올린 플롯

4.2. 분리된 바이올린 플롯

앞의 예에서 각 계열별 바이올린 플롯과 박스 플롯을 동시에 보여주고 있는데 여기에 대학과 전문대학을 비교하고자 한다면 바이올린 플롯과 박스 플롯을 반으로 분리하여 그릴 수도 있다.

이렇게 두개의 바이올린 플롯을 반씩 잘라 붙이는 속성이 'side'이다. 'side'는 바이올린의 양쪽을 다 사용하는 'both', 왼쪽 부분을 사용하는 'negative', 오른쪽 부분을 사용하는 'positive'를 설정할 수 있다. 그리고 이 두 바이올린을 붙이기 위해서는 'layout'의 'violinmode' 속성을 'overlay'로 설정한다. 여기에 앞서 설정한 'box'와 'meanline'을 설정하면 박스 트레이스와 평균선도 반으로 그려서 붙여줄 수 있다. 앞서 그렸던 대학과 전문대학의 계열별 바이올린 플롯을 붙이는 R 과 python 코드는 다음과 같다.

- R

```
p_violin |>
## 대학과정을 필터링한 데이터 설정
add_trace(data = df_취업률_2000 |> filter(과정구분 == '대학과정'),
  ## 바이올린 trace 로 추가
  type = 'violin', x = ~대계열, y = ~취업률, name = '대학',
  ## side, box 의 설정
  side = 'positive', box = list(visible = TRUE, width = 0.5),
  ## meanline 의 속성 설정
  meanline = list(visible = TRUE, width = 1)) |>
## 전문대학과정을 필터링한 데이터 설정
```

```
add_trace(data = df_취업률_2000 |> filter(과정구분 == '전문대학과정'),
  type = 'violin', x = ~대계열, y = ~취업률, name = '전문대학',
  side = 'negative', box = list(visible = TRUE, width = 0.5),
  meanline = list(visible = TRUE, width = 1)) |>
layout(violinmode = "overlay",
  title = list(text = '대학 계열별 취업률 분포'),
  margin = list(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))
```

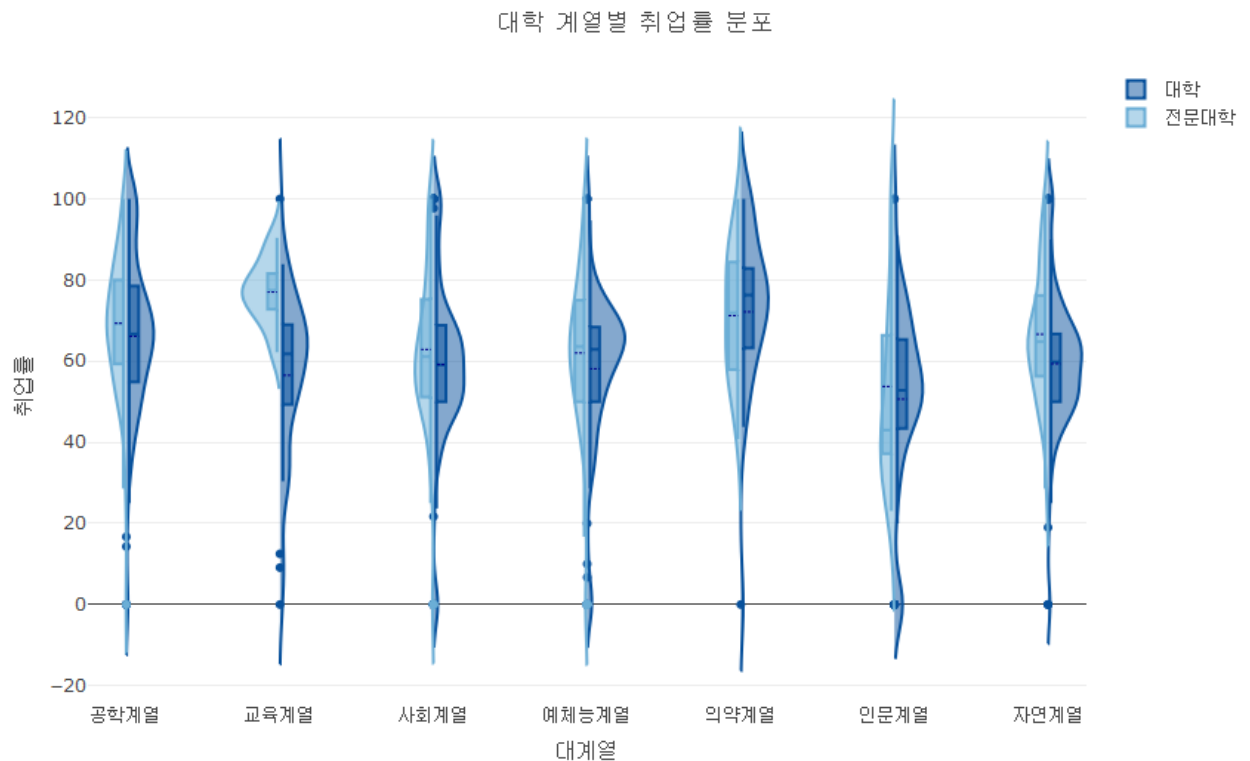


그림 III - 15R. R 의 분리된 바이올린 플롯

- python

```
fig = go.Figure()
fig.add_trace(go.Violin(
  x = df_취업률.loc[df_취업률['과정구분'] == '전문대학과정', '대계열'], y =
df_취업률['취업률_계'],
  name = '전문대학',
  side = 'positive', box = dict(visible = True, width = 0.5),
  meanline = dict(visible = True, width = 1)
))

fig.add_trace(go.Violin(
  x = df_취업률.loc[df_취업률['과정구분'] == '대학과정', '대계열'], y = df_취업률['취업률_계'],
  name = '대학',
  side = 'negative', box = dict(visible = True, width = 0.5),
  meanline = dict(visible = True, width = 1)
```

```

))
fig.update_layout(title = dict(text = '대학 계열별 취업률 분포', x = 0.5),
    margin = dict(t = 50, b = 25, l = 25, r = 25))

```

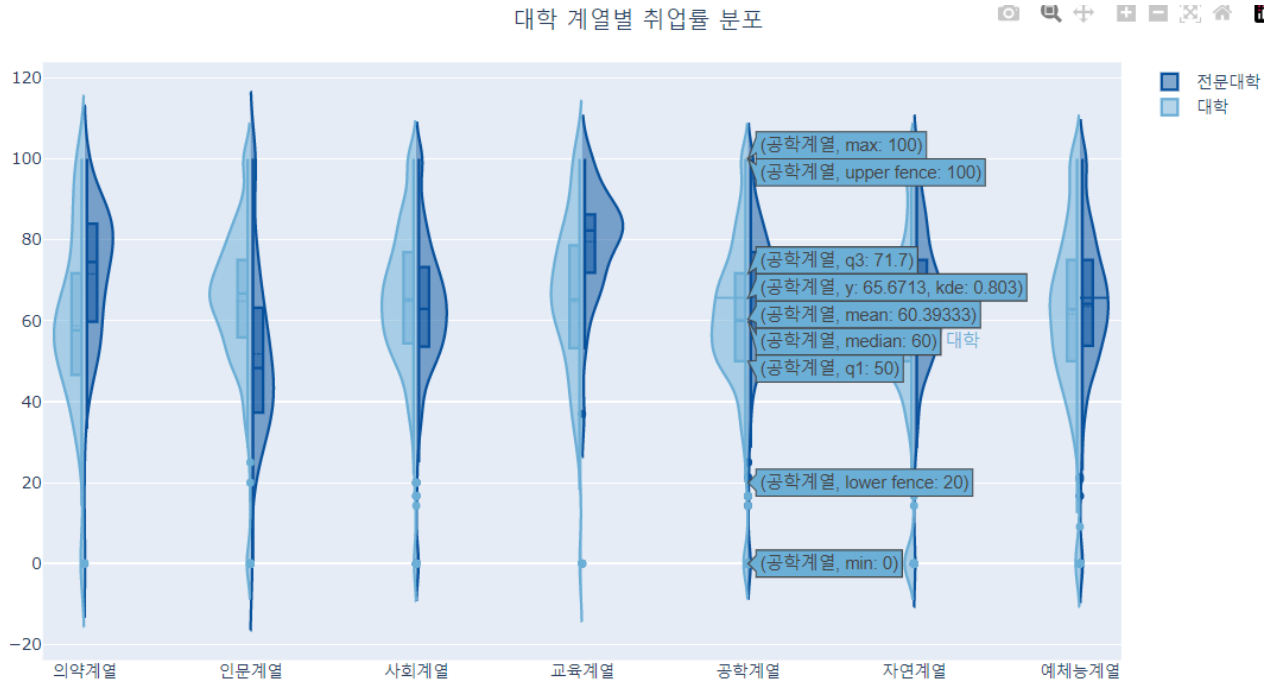


그림 III - 15P. python 의 분리된 바이올린 플롯