통계 이론 정리

2017272043 이성진

변수의 분류

원인에 해당하는 변수

결과에 해당하는 변수

독립변수 Independent variable

종속변수 Dependent variable

설명변수 Explanatory variable

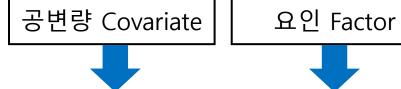
반응변수 Response variable

예측변수 Predictor variable

결과변수 Outcome variable

위험인자 Risk factor

표적변수 Target variable



연속형 자료

범주형 자료

자료의 분류

범주형 자료 Categorical data 질적 자료

명목 척도 Nominal scale

범주

질적 자료 Qualitative data

순위 척도 Ordinal scale

범주

순위

연속형 자료 Numerical data

양적 자료 Quantitative data 간격 척도 Interval scale

범주

순위

같은 간격

비 척도 Ratio scale

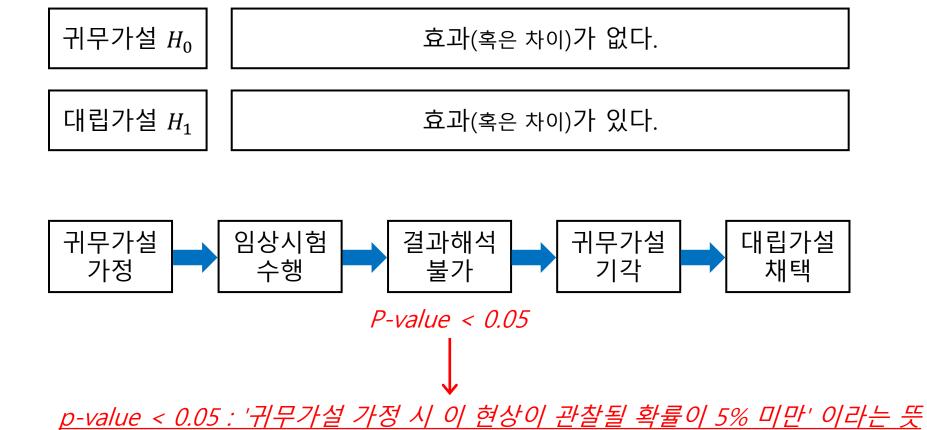
범주

순위

같은 간격 절대 영점

가설 검정 방법

"다른 상황을 생각하게 하는 현저한 근거가 없는 한 현상적인 모든 차이는 0(무)이다."



동등성 검정

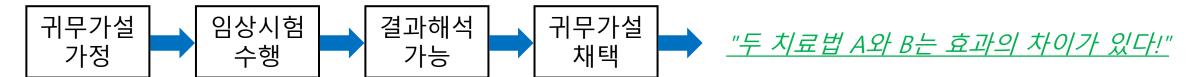
Ex) 치료법 A와 B를 적용한 환자의 결과 비교

	반응	반응 없음	전체	
치료군 A	45	5	50	교차분석 수행 p-value = 0.161
치료군 B	40	10	50	ρ value = 0.101



P-value = 0.161

- ※ 귀무가설을 기각하지 못했다고 하여 귀무가설이 항상 옳은 것은 아님
- ※ 동등성 검정 시 증명하고자 하는 명제인 <u>'차이가 없다'</u>가 대립가설이 된다



P-value = 0.161

가설 검정 시 오류

실제 진리

실제로 효과 없음

귀무가설 참

실제로 효과 있음

귀무가설 거짓

실험결과 효과 없음

귀무가설 채택

찬

오류

제2종 오류(β)

참

검정 결과

실험결과 효과 있음

귀무가설 기각

오류

제1종 오류(α)

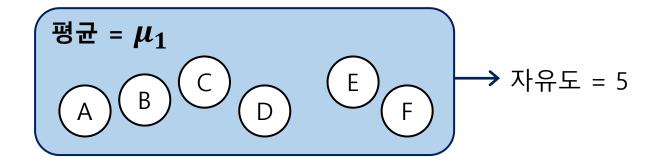
검정력(1- β)

p-value < 0.05



자유도

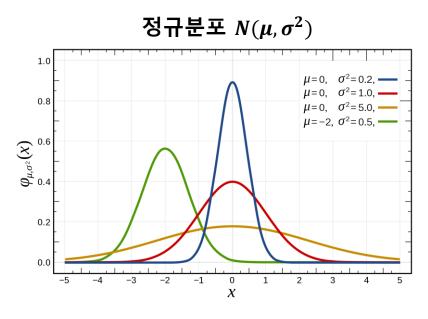
<u>'실질적으로 독립인 값들의 개수'</u>

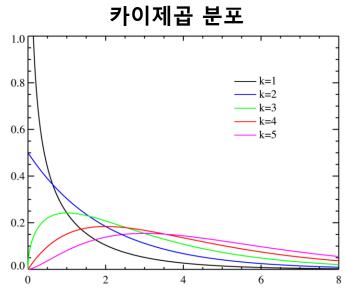


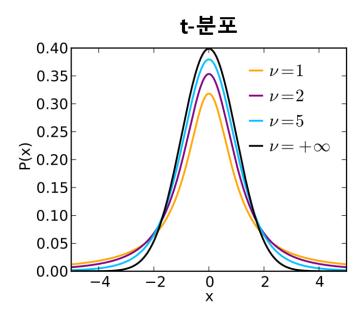
	당뇨	정상	전체	
고혈압	а	b	20	
정상	С	d	80	→ 자유도 = 1
전체	25	75	100	

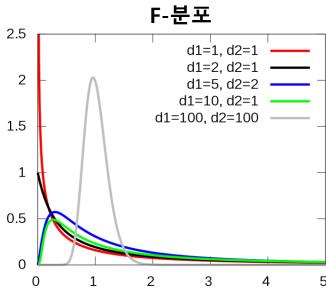
	당뇨	내당능장애	정상	전체	
고혈압	а	b	С	20) TO = 0
정상	d	e	f	80	→ 자유도 = 2
전체	25	25	50	100	

분포









분포와 검정통계량

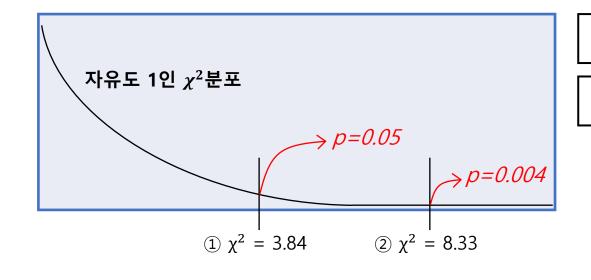
- ·통계적 가설검정에는 특정 확률 분포 이용 (ex) 독립표본 T검정 → t-분포, ANOVA → F분포)
- · 가설검정 시 검정통계량(test statistic) 계산
- · 가정된 분포에서 관찰된 표본(검정통계량)이 발견될 확률 = 곡선 아래 면적

Ex. 당뇨와 비만 사이 연관성

	당뇨	정상	전체
비만	10	10	20
정상 체중	15	65	80
전체	25	75	100

 2×2 분할표 $\rightarrow \chi^2$ 검정 통계량은 자유도 1인 χ^2 분포

$$\chi^2 = 8.33 \rightarrow p\text{-value} = 0.004 \rightarrow 귀무가설 기각 대립가설 채택$$



귀무가설 H_0

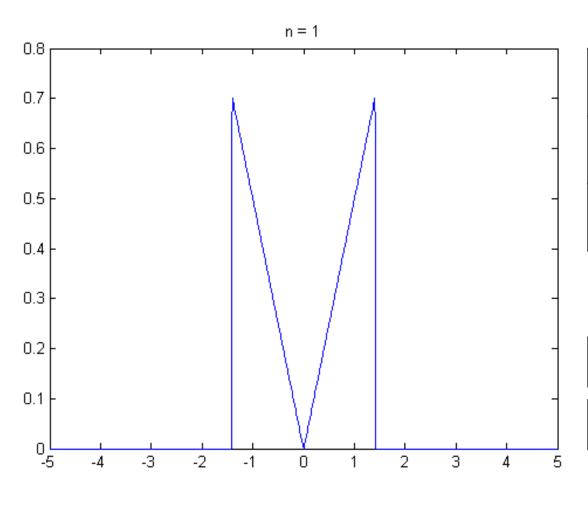
당뇨와 비만 사이에 연관성이 없다.

대립가설 H_1

당뇨와 비만 사이에 연관성이 있다.

중심극한정리(Central limit theorem)

<u>'모집단으로부터 무작위로 표본을 추출할 때 표본의 크기가 충분히 크다면</u> 표본의 합 또는 평균의 히스토그램은 정규분포 곡선에 수렴한다'



<표본 크기와 정규 분포>

표본 평균이 정규 분포를 따른다고 가정이 가능한 최소 표본 크기	n=30
정규성 검정을 통해 표본 평균이 정규 분포를 따르는지 확인할 표본 크기	10≤n≤30
표본 평균이 정규 분포를 따른다고 가정할 수 없는 표본 크기	n<10

<정규성 검정의 가설 설정>

귀무가설 H_0

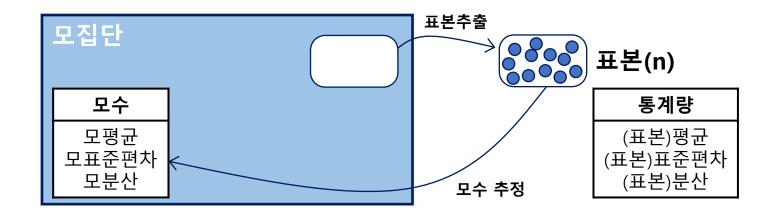
자료는 정규분포를 따른다

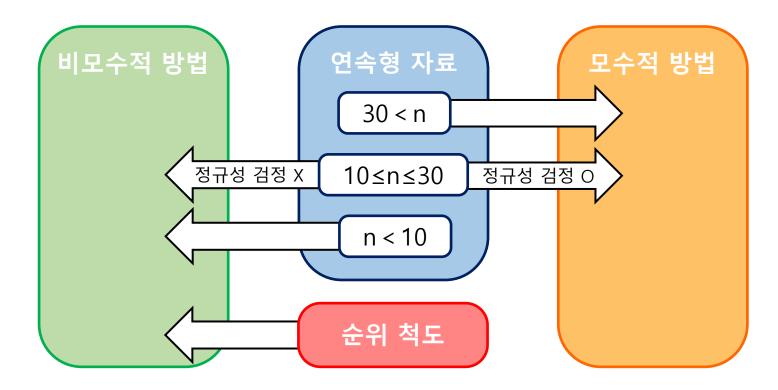
p≥0.05

대립가설 H_1

자료는 정규분포를 따르지 않는다

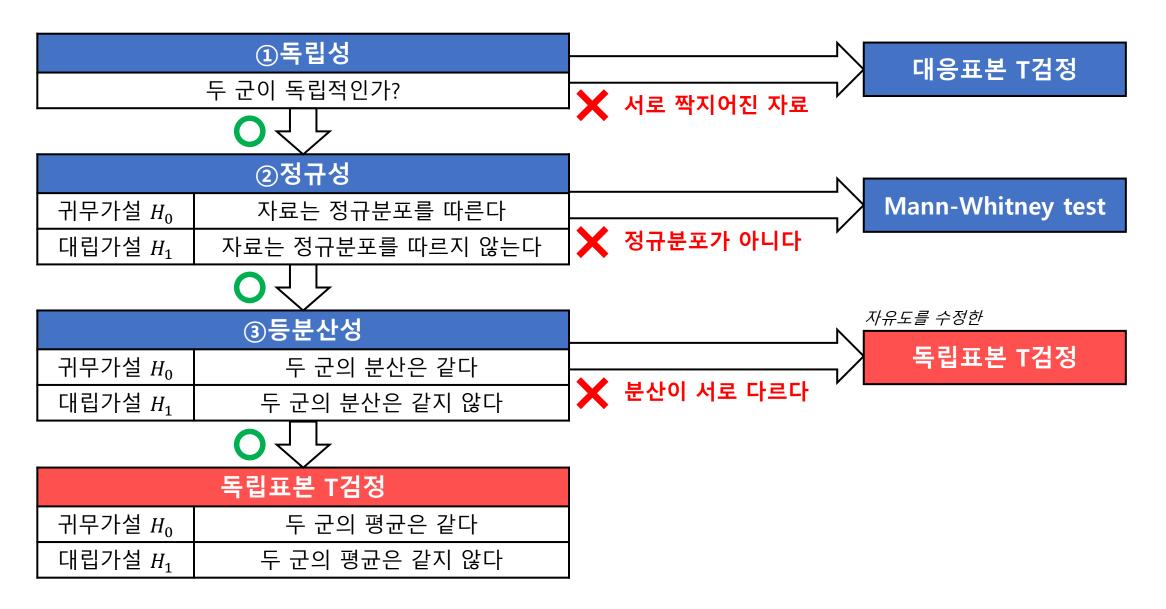
모수적 방법 & 비모수적 방법



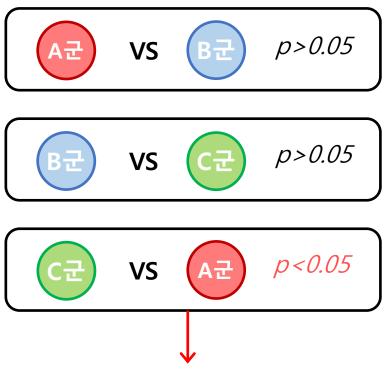


독립표본 T검정

결과변수가 연속형인 독립된 두 군의 크기를 비교하는 모수적 방법

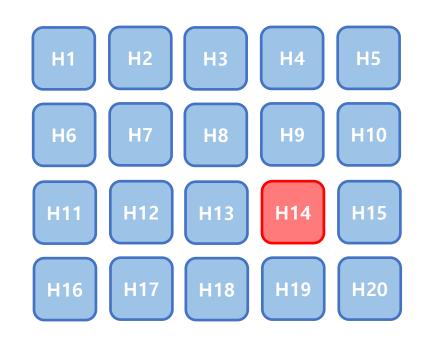


다중 비교의 문제(Multiple Comparison problem)



<u>'통계적으로 유의한 차이가 있다?'</u>

전체 유의수준 :
$$1 - (1 - 0.05)^3 \approx 0.143(14.3\%)$$



전체 유의수준:

= 1 - (모두 효과가 있을 확률)

 $= 1 - (1 - 0.05)^{20}$

 $\approx 0.642 (64.2\%) \gg 0.05$

= 적어도 하나는 효과가 있다고 결론 낼 확률 (제1종 오류)

독립된 세 군 이상의 크기 비교 방법

STEP1 일원배치 분산분석



귀무가설 H_0

세 군의 크기는 모두 같다

OR



OF



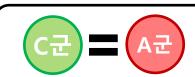
대립가설 H_1

적어도 한 쌍은 크기가 다르다

STEP2 사후분석









ex) Bonferroni's method (유의수준 = $\frac{5\%}{$ 검정의 횟수)

귀무가설 H_0

두 군의 평균은 같다





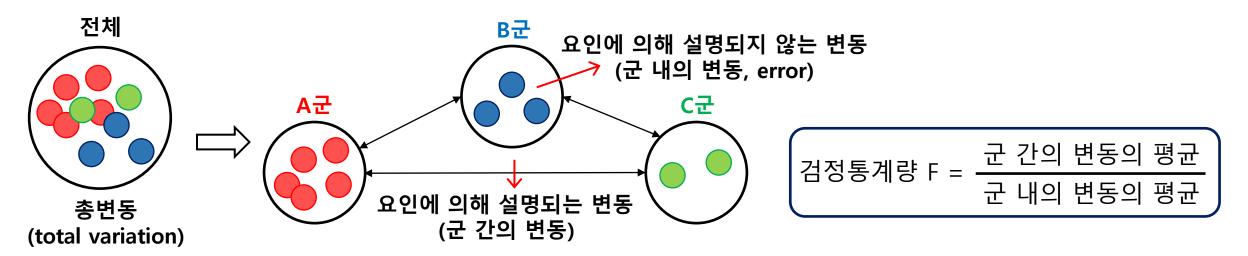


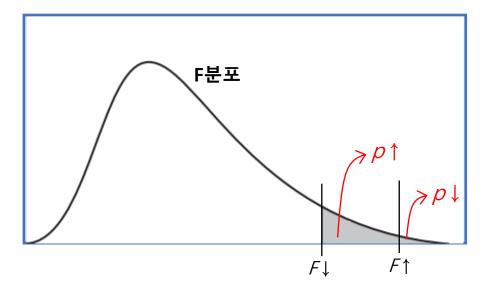
대립가설 H_1

두 군의 평균은 같지 않다

일원배치 분산분석(ANOVA)

변동(variation) : 자료들 간의 크기의 차이 혹은 변화량의 집체적인 표현 요인(factor) : 전체 자료들을 구분짓는 요소 (군)





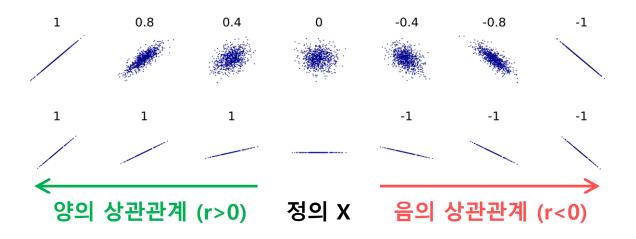
분산분석표

g(군의 수) n(총개체 수)

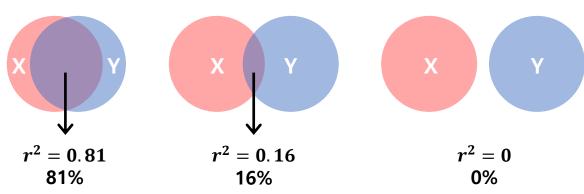
요인	제곱합(변동)	자유도	제곱합의 평균	F 통계량	유의확률
군	SSG(군 간의 변동)	g-1	MSG=SSG/(g-1)	F=MSG/MSE	p-value
오차	SSE(군 내의 변동)	n-g	MSE=SSE/(n-g)		
전체	TSS(총변동)	n-1			

Pearson의 상관분석

'두 연속형 변수의 상관 정도에 대해 알려주는 분석법'



설명력 r^2 : 두 변수 사이의 선형 관계의 정도 설명



상관분석의 가설 설정

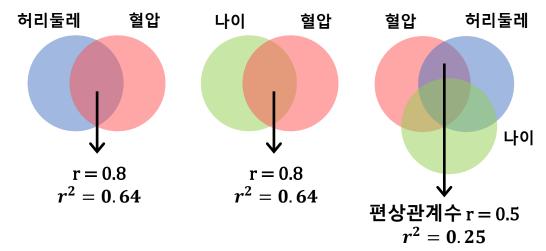
귀무가설 H_0

두 변수는 선형의 상관관계가 없다 (r=0)

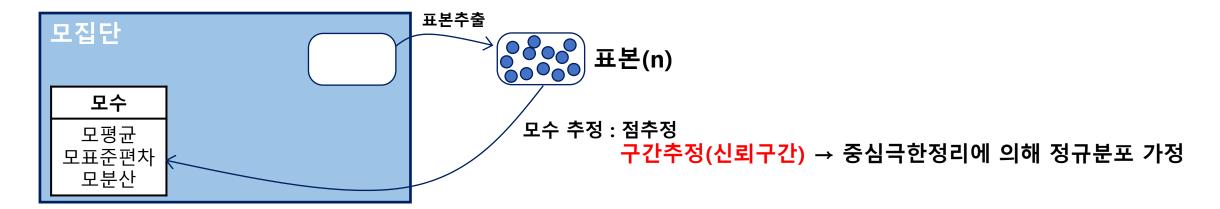
대립가설 H_1

두 변수는 선형의 상관관계가 있다 (r≠0)

편상관분석(partial correlation)



95% 신뢰구간



모평균의 95% 신뢰구간 = $\overline{X} \pm 1.96 \times \frac{s}{\sqrt{n}}$

 $(표본평균 \bar{X}, 표본 표준편차 S, 표본의 크기 n)$

모비율의 95% 신뢰구간 = $p \pm 1.96 \times \sqrt{\frac{p(1-p)}{n}}$

(표본의 관심사건의 비율 <math>p, 표본의 크기 n)

독립 표본 T 검정에서의 95% 신뢰구간

