

=====文件=====

1. Raw_data_ratio*.png 原始数据经过质控后去除的 reads 所占的百分比

注: Adapter related: 过滤掉的含有接头 Reads 数占总 Raw Reads 数的比例。

Low quality: 过滤掉的低质量 Reads 数占总 Raw Reads 数的比例。

Clean Reads: 经过以上过滤得到的 Clean Reads 数占总 Raw Reads 数的比例

2. *.acgtn.png 测序碱基含量分布。

注: 碱基类型分布检查用于检测有无 AT、GC 分离现象,由于 RNA-Seq 所测的序列为随机打断的 cDNA 片段,因随机性打断及碱基互补配对原则,理论上, G 和 C、A 和 T 的含量每个测序循环上应分别相等,且整个测序过程稳定不变,呈水平线。由于 Reads 5' 端的前几个碱基为随机引物序列存在一定的偏好性,因此会在碱基分布图中出现前端波动较大的现象。横坐标为测序循环数目(代表 reads 的碱基位置,双端 reads 并列显示),纵坐标为每个测序循环各类型碱基的比例。

3.*.quality.png 测序质量值分布图

注: 横坐标为测序循环数目(代表 reads 的碱基位置,双端 reads 并列显示);纵坐标为平均测序错误率。