

该文件夹下包含了对所有的 InDel 注释的所有信息

=====文件=====	
1 . all.InDel.anno.stat.png	InDel 注释结果柱状图，所有的 i n d e l 注释结果 注：纵轴为 InDel 所在区域或类型，横轴为分类数目。
2 . final_InDel.anno.stat	InDel 注释结果统计表
注：第一列 Region:	InDel 发生区域；
第二列 Type:	InDel 类型，详细信息见下；
all :	在各个样品中该类型的总数；
其他各列:	每种类型在相应样品中的个数；
第二列中的 InDel 类型包括以下几种：	
(1) INTERGENIC:	intergenic_region 突变发生在基因间区；
(2) INTRAGENIC:	intragenic_variant 突变发生在基因区，但是在转录本所有的属性区域外；
(3) INTRON:	intron_variant 突变发生在内含子区；
(4) UPSTREAM:	upstream_gene_variant 突变发生在基因上游（默认长度：5K bases）；
(5) DOWNSTREAM:	downstream_gene_variant 突变发生在基因下游（默认长度：5K bases）；
(6) UTR_5_PRIME:	5_prime_UTR_variant 突变发生在 5'UTR 区；
(7) UTR_3_PRIME:	3_prime_UTR_variant 突变发生在 3'UTR 区；
(8) SPLICE_SITE_ACCEPTOR:	splice_acceptor_variant 突变发生在可变剪切受体位点（一般认为外显子起始位置的前两个碱基，第一个外显子除外）；
(9) SPLICE_SITE_DONOR:	splice_donor_variant 突变发生在可变剪切施体位点（一般认为编码外显子结束位置的后两个碱基，最后一个外显子除外）；
(10) SPLICE_SITE_REGION:	splice_region_variant 突变发生在可变剪切区域,外显子的 1-3 个碱基或者内含子的 3-8 个碱基；
(11)START_GAINED:	5_prime_UTR_premature_start_codon_gain_variant 突变发生在 5 ‘UTR 产生起始密码子的 3 碱基序列中；
(12) START_LOST:	start_lost 突变发生在起始密码子中，并使得起始密码子突变为非起始密码子。
(13) SYNONYMOUS_CODING:	synonymous_variant 同义突变；
(14) NON_SYNONYMOUS_CODING:	missense_variant 错义突变；
(15) START_LOST:	start_lost 突变发生在起始密码子中，并使得起始密码子突变为非起始密码子；
(16) SYNONYMOUS_STOP:	stop_retained_variant 突变使得终止密码子突变为 另一个终止密码子；
(17)STOP_GAINED:	stop_gained 突变产生一个终止密码子；
(18)STOP_LOST:	stop_lost 突变使得终止密码子突变为非终止密码子。
3 . * . InDel.anno.stat.png	InDel 注释结果统计柱状图
注：纵轴为 InDel 所在区域或类型，横轴为分类数目	