

=====文件=====

1. *_Gene.COG.cluster.png 所有基因的 COG 分类统计结果图
注：横坐标为 COG 各分类内容，纵坐标为基因数目。在不同的功能类中，基因所占多少反映对应时期和环境下代谢或者生理偏向等内容，可以结合研究对象在各个功能类的分布做出科学的解释。
2. *_Gene.COG_class.stat.xls 所有基因的 Cog 分类统计结果表
注： #ID Cog 注释结果编号
 Class_Name Cog 注释分类名称
 Numbers 某个分类上注释到的基因数目
3. *_Gene.GO.png & & *_Gene.GO.pdf 所有基因 GO 分类统计结果图
注：横坐标为 GO 分类，纵坐标左边为基因数目所占百分比，右边为基因数目。此图展示的是在全部基因背景下 GO 各二级功能的基因富集情况。
4. *_Gene.GO.stat.xls 所有基因 GO 分类统计结果表
注： #GO_classify1 GO 一级分类名称
 GO_classify2 GO 二级分类名称
 * Gene 某一分类的基因数目
 #Total 注释到 GO 数据库的全部基因数目
5. *_Gene.KOG.cluster.png 所有基因的 KOG 分类统计结果图
注：横坐标为 KOG 各分类内容，纵坐标为基因数目。
6. *_Gene.KOG_class.stat.xls 所有基因的 KOG 分类统计结果表
注： #ID KOG 注释结果编号
 Class_Name KOG 注释分类名称
 Numbers 某个分类上注释到的基因数目
7. *_Gene.NR.anno.evaluate.png
NR 注释结果的 E 值分布统计图,在各个 E 值分布范围内的基因注释数目
8. *_Gene.NR.anno.evaluate.stat NR 注释结果的 E 值分布统计表
注： #Range E 值分布范围
 Num 在某个范围内的基因注释数目
 Percent 在某个范围内的基因注释百分比
9. *_Gene.NR.anno.identity.png
NR 注释中比对上的碱基数占总比对碱基长度的百分比的分布统计图，分别展示了各个比例范围内的基因数目
10. *_Gene.NR.anno.identity.stat NR
注释结果中比对上的碱基数占总比对碱基长度的百分比统计表
注： #Range 百分比范围
 Num 基因的数目
 Percent 基因所占的百分比
11. *_Gene.NR.lib.png

nr 注释中比对上不同物种分布统计。展示了注释到某物种上的基因数目以及占总检测到的基因的比例

12. *_Gene.NR.lib.stat	NR 注释中比对上不同物种分布统计
注: #Species_Name	表注释到的物种名称
Homologous_Number	注释到某物种上的基因数目
Ratio	注释到某物种的基因占总检测到的基因的比例

13. *_Gene.eggNOG.cluster.stat	所有基因的 eggNOG 分类统计表
注: #ID	eggNOG 注释结果编号
Class_Name	eggNOG 注释分类名称
Numbers	eggNOG 某个分类上注释到的基因数目
14. *_Gene.eggNOG.cluster.png	所有基因的 eggNOG 分类统计结果图

注：横坐标为 eggNOG 各分类内容，纵坐标为基因数目。

注：不存在的文件表示没有对该项内容进行分析