

基因结构优化

=====文件=====

|-- *.geneStructure.optimize.xls 基因结构优化结果

|-- GeneID : 基因 ID
|-- Locus : 基因座 , 格式为“染色体编号 : 起点坐标-终点坐标”
|-- Strand : 正负链
|-- Site : 优化的位置 , 3'或 5'UTR
|-- OriginalRegion : 原来注释的第一个或最后一个外显子的起止坐标
|-- OptimizedRegion : 延伸之后的第一个或最后一个外显子的起止坐标