

1. *.GO_enrichment.stat.xls 差异表达基因 GO 二级节点注释统计表
注：第一列表示 GO 一级节点分类 (cellular component、molecular function、biological process)，第二列表示 GO 一级节点下的二级节点分类，第三列表示注释到相应的 GO 二级节点的 Gene 个数，第四列表示注释到相应的 GO 二级节点的差异表达基因个数。
2. *.GO.list.txt 差异表达基因编号与注释到的 GO 节点编号对应表
注：第一列是差异表达基因的基因 ID，其余各列是差异表达基因注释到的 Gene Ontology terms (以水平制表符分割)。
3. *.GO_classification.png 差异表达基因 GO 二级节点注释统计图 (png 格式)
注：横坐标为 GO 分类，纵坐标左边为基因数目所占百分比，右边为基因数目。此图展示的是在差异表达基因背景和全部基因背景下 GO 各二级功能的基因富集情况，体现两个背景下各二级功能的地位，具有明显比例差异的二级功能说明差异表达基因与全部基因的富集趋势不同，可以重点分析此功能是否与差异相关。
4. *.topGO_BP.pdf 差异表达基因 topGO 富集有向无环图 (pdf 格式，生物学过程)
注：对 Biological Process 下的每个 GO term 进行富集，最显著的 10 个节点在图中用方框表示，图中还包含其各层对应关系。每个方框 (或椭圆) 内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性，颜色越深，显著性越高。
5. *.topGO_BP.png 差异表达基因 topGO 富集有向无环图 (png 格式，生物学过程)
注：对 Biological Process 下的每个 GO term 进行富集，最显著的 10 个节点在图中用方框表示，图中还包含其各层对应关系。每个方框 (或椭圆) 内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性，颜色越深，显著性越高。
6. *.topGO_BP.xls 差异表达基因 topGO 富集结果文件 (生物学过程)
注：GO.ID GO term 的 ID;
Term GO term 的功能描述;
Annotated 注释到该 GO term 的 Gene 数目;
Significant 注释到该 GO term 的差异表达基因数目;
Expected 注释到该 GO term 的差异基因数目的期望值;
KS 富集该 GO term 的显著性统计，KS 值越小，表明富集越显著;
7. *.topGO_CC.pdf 差异表达基因 topGO 富集有向无环图 (pdf 格式，细胞组分)
注：对 cellular component 下的每个 GO term 进行富集，最显著的 10 个节点在图中用方框表示，图中还包含其各层对应关系。每个方框 (或椭圆) 内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性，颜色越深，显著性越高。
8. *.topGO_CC.png 差异表达基因 topGO 富集有向无环图 (png 格式，细胞组分)
注：对 cellular component 下的每个 GO term 进行富集，最显著的 10 个节点在图中用方框表示，图中还包含其各层对应关系。每个方框 (或椭圆) 内给出了该 GO term 的内容描述和富集显著性值。不同颜色代表不同的富集显著性，颜色越深，显著性越高。
9. *.topGO_CC.xls 差异表达基因 topGO 富集结果文件 (细胞组分)

