

=====文件=====

|-- kmeans\_cluster.xls      **基因/Cluster/表达量**

|-- id : 用于 Kmeans 分析的基因 id ;

|-- cluster : 基因对应 cluster ;

|-- 样本 id : 对应每个样本的表达量。

|-- k-means.png          **基因表达聚类折线图**

为研究基因在不同实验处理下的表达模式，首先对选取样品基因的 FPKM 进行标准化归一处理，然后对标准化的 FPKM 值进行 K-means 聚类分析，同一类的基因在不同的实验处理下具有相似的变化趋势，具有相似变化趋势的基因往往具有相似的功能。

注：x 轴表示实验分组，y 轴表示标准化的 FPKM。黑色线条表示这个 cluster 中的所有基因在不同实验条件下相对表达量的平均值的折线图。