

circRNA 来源统计及长度和表达量分布

=====文件=====

|-- all.chromosome_distribution.pdf 所有 circRNA 在染色体上的分布图 (PDF 格式)

|-- all.chromosome_distribution.png 所有 circRNA 在染色体上的分布图 (PNG 格式)

|-- *.chromosome_distribution.pdf 单样品中 circRNA 在染色体上的分布图 (PDF 格式)

|-- *.chromosome_distribution.png 单样品中 circRNA 在染色体上的分布图 (PNG 格式)

图中横坐标表示染色体，纵坐标表示对应染色体上的环状 RNA junction reads 数量。

|-- All_circRNA.circRNA.length.distribution.pdf 环状 RNA 长度分布图 (PDF 格式)

|-- All_circRNA.circRNA.length.distribution.png 环状 RNA 长度分布图 (PNG 格式)

图中横坐标代表 circRNA 的长度区间，纵坐标代表该长度区间内的环状 RNA 数目。

|-- circRNA_circos.svg circos 图 (SVG 格式，矢量图)

|-- circRNA_circos.png circos 图 (circRNA 以及单样品表达量在基因组上的分布，PNG 格式)

circRNA 分布在基因组的统计以及各个样品表达量的 circos 图。其中，柱状图表示各个位置的 CircRNA 的个数，热图表示每个样品的表达量分布，0~1：蓝色，1~10：绿色，10~100：橘色，100~：红色，热图由外向内依次表示 T01、T02、T03 等。

|-- *.circRNA.type.png circRNA 来源分布图

circRNA 来源于基因组上的位置(intron/exon/intergenic_region)。

|-- statistic.xls circRNA 数目统计表

|-- sample：样品 ID；

|-- Total_reads：最后得到的 junction reads 总数；

|-- Total_circRNA：最后得到的 CircRNA 数目。