

miRNA 碱基编辑

=====文件=====

|-- miRNAEdit_cutoff_20.xls 碱基编辑结果文件

count 数大于 20 作为阈值，过滤得到的碱基编辑文件。

|--第一列：表示 sRNA 和 pre-miRNA 的序列及匹配情况；

|--第二列：表示 round 数和碱基编辑类型；第一轮：完全匹配 r0-r0；第二轮：允许一个错配,r1-M3,r1-M5,r1-MM ;第三轮 :第二轮过滤后的,去除 3'端或 5端的一个碱基,允许一个错配，r2-M5，r2-M3；

|--第三列：表示 sRNA 的长度；

|--第四列：表示相对于前体的碱基变异情况；

|--第五列：表示 sRNA 在前体的位置；

|--第六列：到最后一列表示 sRNA 在各样本中的 count 数。