

=====文件=====

1. DEG.anno.stat 各个差异表达基因集的功能注释统计表

注：#DEG Set 差异表达基因集名称

Total 注释到的差异表达基因数目

COG 注释到 COG 数据库的差异表达基因数目

KOG 注释到 KOG 数据库的差异表达基因数目

GO 注释到 GO 数据库的差异表达基因数目

KEGG 注释到 KEGG 数据库的差异表达基因数目

NR 注释到 NR 数据库的差异表达基因数目

Swiss-Prot 注释到 Swiss-Prot 数据库的差异表达基因数目

NT 注释到 NT 数据库的差异表达基因数目

TrEMBL 注释到 TrEMBL 数据库的差异表达基因数目

eggNOG 注释到 eggNOG 数据库的差异表达基因数目

2. DEG.stat 各差异表达基因集数目统计表

注： DEG Set 差异表达基因集名称

DEG Number 差异表达基因数目

up-regulated 上调基因的数目

down-regulated 下调基因数目

=====文件夹=====

1. BMK_2_All_DEG 所有差异表达基因表达量和聚类分析结果目录
2. BMK_2_DEG_PPI 差异表达基因蛋白质互作网络结果目录；
3. BMK_3_*_vs_* 条件 1 样品和条件 2 样品的差异表达分析结果目录（*表示比较的样本编号，如 BMK_3_T1_T2_vs_T3_T4 表示 T1，T2 与 T3，T4 做差异比较）
4. BMK_4_TF_Analysis 差异基因的转录因子相关分析，包括基因的转录基因结合位点预测(BMK_1_TFBS_Analysis)，差异基因相关的转录因子的活性分析（BMK_2_TF_activity）

注：在注释统计表中不存在的内容表示没有对该数据库做注释；

不存在的文件夹表示没有对该项内容做分析。