

## LncRNA 靶基因分析结果:

=====文件=====

|-- Cis\_target\_gene.xls      LncRNA 顺式靶基因的预测结果文件（重要文件）

LncRNA 调控其邻近基因的表达，主要根据 LncRNA 与 gene 的位置关系预测，LncRNA 100kb 范围内的邻近基因为其靶基因。

|-- Trans\_target\_gene.xls    LncRNA 反式靶基因预测结果文件（当样品数目不少于 5 时生成该结果）  
（重要文件）

通过样本间 LncRNA 与 mRNA 的表达量相关性分析方法来预测 LncRNA 的反式靶基因。此方法需要一定样品数量保证其预测的准确性，因此当样本量小于 5 时不进行此项分析。采用 Pearson 相关系数法分析样本间 LncRNA 与 mRNA 的相关性，取相关性绝对值大于 0.9 且显著性 p 值小于 0.01 的基因作为 LncRNA 的反式靶基因。