

miRNA 靶向关系结果 (重要文件夹)

植物用 TargetFinder 软件进行靶基因预测 ;动物用 miRanda 和 targetscan 进行靶基因预测,最终取两款软件的交集作为最终靶向关系对。

=====文件=====

|-- mir2target.list.xls miRNA 与 circRNA/gene/lncRNA 靶向关系结果

 |-- ID miRNA ID

 |-- Target 与 miRNA 有靶向关系的 RNA 的 ID , 多个 RNA 用" ; "分隔

|-- mir2target.stat.xls 靶向关系数目统计结果

 第一行是有靶向关系的 miRNA 的个数 , 第二行是有靶向关系的 RNA 的个数

|-- miRNA_target_info.xls

 |-- #miRNA miRNA ID

 |-- target 靶向 RNA ID

 |-- miRanda 0 表示该靶向关系对在该软件中并未预测到 ,1 表示该靶向关系对在该软件中预测到

 |-- targetscan 0 表示该靶向关系对在该软件中并未预测到 ,1 表示该靶向关系对在该软件中预测到