

miRNA 的表达：

=====文件=====

|-- miRNA_counts.xls 所有 miRNA 的 count 数文件（重要文件）

|-- miRNA_expression.xls 所有 miRNA 的表达量文件（重要文件）

=====文件夹=====

|-- PNG 表达量分布图/样品间相关性