

样品表达量全局展示结果

通过高通量测序预测数据，我们对几种 RNA 进行预测和鉴定，结合已有的 RNA，做四种 RNA 的数量统计图。

=====文件=====

|-- Total.pie.png 不同 RNA 数量示意图

|-- Total.stat.xls 统计文件

=====文件夹=====

|-- W* 所有 RNA 表达量全局展示结果以及对应 RNA 的位置和 Count 信息

 |-- circRNA.xls W*样品中 circRNA 的位置信息(Chr Start End Count)

 |-- lncRNA.xls W*样品中 lncRNA 的位置信息(Chr Start End Count)

 |-- miRNA.xls W*样品中 miRNA 前体的位置信息(Chr Start End Count)

 |-- mRNA.xls W*样品中 mRNA 的位置信息(Chr Start End Count)

 |-- W*.circos.svg 表达量全局展示 Circos 图 (SVG 格式)

 |-- W*.circos.png 表达量全局展示 Circos 图 (PNG 格式)

 图中最外圈为染色体信息，之后依次是 mRNA、lncRNA、circRNA、miRNA 的表达水平。这里，表达量均取对数，miRNA 位置采用其前体 RNA 的位置信息。

 |-- W*.exp_barplot.pdf 四种 RNA 在不同染色体的表达分布图 (PDF 格式)

 |-- W*.exp_barplot.png 四种 RNA 在不同染色体的表达分布图 (PNG 格式)

 图中不同颜色代表不同的 RNA 类型，横坐标代表不同染色体，纵坐标代表 RNA 在该染色体上表达量的比例。同一种 RNA 在不同染色体上的总分布和为 1。这里，表达量均取对数。

 |-- W*.barplot.xls exp_barplot 图所用的作图文件