

miRNA 靶向关系结果 (重要文件夹)

植物用 TargetFinder 软件进行靶基因预测 ;动物用 miRanda 和 targetscan 进行靶基因预测,最终取两款软件的交集作为最终靶向关系对 ;

=====文件=====

|-- circRNA/gene/lncRNA.mir2target.list.xls miRNA 与 circRNA/gene/lncRNA 靶向关系结果

|-- ID miRNA ID

|-- Target 与 miRNA 有靶向关系的 RNA 的 ID , 多个 RNA 用" ; "分隔

|-- circRNA/gene/lncRNA.mir2target.stat.xls 靶向关系数目统计结果

第一行是有靶向关系的 miRNA 的个数 , 第二行是有靶向关系的 RNA 的个数

|-- circRNA/gene/lncRNA.miRNA_target_info.xls

|-- #miRNA miRNA ID

|-- target 靶向 RNA ID

|-- miRanda 0 表示该靶向关系对在该软件中并未预测到 ,1 表示该靶向关系对在该软件中预测到

|-- targetscan 0 表示该靶向关系对在该软件中并未预测到 ,1 表示该靶向关系对在该软件中预测到