

=====文件=====

1. `ppi_query.ppi.cytoscapeInput.sif` 所有分组差异表达基因蛋白互作对列表文件
注：第一列和第三列为搜索 STRING 数据库获得的一对互作蛋白的基因 ID；
第二列表示第一列和第三列蛋白之间的关系（`pp`:互作蛋白）；
将这个列表文件导入 Cytoscape 可对结果进行可视化，获得蛋白互作网络
2. `ppi_query.ppi.detail.txt` 所有分组差异表达基因交集蛋白互作对详细信息列表
注：第一列和第三列为搜索 STRING 数据库获得的一对互作蛋白的基因 ID；
第二列表示第一列和第三列基因之间的关系类型（`pp`:互作蛋白）；
第四列和第五列分别表示 STRING 数据库中的一对互作蛋白，分别是第一列和第三列作为 query 搜索 STRING 数据库的结果；
最后一列表示表示蛋白互作关系强弱
3. `*.DEG.detail.txt` 差异表达基因蛋白互作对详细信息列表
注：第一列和第三列搜索 STRING 数据库获得的一对互作蛋白的基因 ID；
第二列表示第一列和第三列基因之间的关系类型（`pp`:互作蛋白）；
第四列和第五列分别表示 STRING 数据库中的一对互作蛋白，分别是第一列和第三列作为 query 搜索 STRING 数据库的结果；
最后一列的值表示蛋白互作关系强弱；
4. `*.ppi.cytoscapeInput.sif` 差异表达基因蛋白互作对列表文件
注：第一列和第三列表示搜索 STRING 数据库获得的一对互作蛋白的基因 ID；
第二列表示第一列和第三列蛋白之间的关系类型（`pp`:互作蛋白）；
将这个列表文件导入 Cytoscape 可对结果进行可视化，获得蛋白互作网络；