**LncRNA的预测**

**======================================文件====================================**

**|-- LncRNA\_circos.png lncRNA在染色体上分布环状图**

描述不同种类lncRNA在染色体上的分布；图片的最外层是基因组的染色体环，由外到内依次是正义链lncRNA环(绿色)，基因间区lncRNA环(红色)，反义lncRNA环(灰色)，内含子lncRNA环(蓝色)。

**|-- LncRNA\_classification.png lncRNA的分类柱状图（重要图）**

横坐标为4种不同类型的LncRNA（其中lincRNA表示基因间区长链非编码RNA，Antisense-lncRNA表示反义长链非编码RNA，Intronic-lncRNA表示内含子长链非编码RNA，sense\_lncRNA表示正义长链非编码RNA）；纵坐标为对应的 LncRNA数量。

**|-- LncRNA\_classification.xls lncRNA的分类表**

|-- 第一列：lncRNA ID；

|-- 第二列：lncRNA的分类注释信息。

=:Complete match of intron chain（已知lncRNA）

c:Contained(已知lncRNA)

j:Potentially novel isoform (fragment): at least one splice junction is shared with a reference transcript(对应图中sense\_lncRNA:正义长链非编码RNA)

e:Single exon transfrag overlapping a reference exon and at least 10 bp of a reference intron, indicating a possible pre-mRNA fragment.

i:A transfrag falling entirely within a reference intron（对应图中Intronic-lncRNA:内含子长链非编码RNA）

o:Generic exonic overlap with a reference transcript(对应图中sense\_lncRNA:正义长链非编码RNA)

u:Unknown, intergenic transcript（对应图中lincRNA:基因间区长链非编码RNA）

x:Exonic overlap with reference on the opposite strand(对应图中Antisense-lncRNA：反义长链非编码RNA)

s:An intron of the transfrag overlaps a reference intron on the opposite strand (likely due to read mapping errors)

**|-- LncRNA\_classification\_name.xls 每个lncRNA的对应四种类型名称**

|-- 第一列：lncRNA ID；

|-- 第二列：对应四种类型名称。

lincRNA：基因间区长链非编码RNA；Antisense-lncRNA：反义长链非编码RNA；Intronic-lncRNA：内含子长链非编码RNA；sense\_lncRNA：正义长链非编码RNA

**|-- LncRNA.fa lncRNA的预测结果，fasta文件（重要文件）**

FASTA格式每一个序列单元以“>”开头，直到出现下一个“>”之前为止。“>”开头的行为序列ID行,后面紧接着基因ID；下面一行或多行为该基因的碱基序列。

**|-- LncRNA.gff**  **lncRNA的预测结果，gff文件（重要文件）**

|-- 第一列：#Seq\_ID—染色体号；

|-- 第二列：Source—注释信息的来源；

|-- 第三列：Type—注释特征(Feature)类型；

|-- 第四,五列：Start/End—特征序列的起止位置；

|-- 第六列：Score—得分，数字，注释信息可能性的说明，“，”表示缺失值；

|-- 第七列：Strand—特征序列所在的正负链；

|-- 第八列：Phase—仅对注释类型为CDS有效，表示起始编码的位置,有效值为0、1、2，“，”表示缺失值；

|-- 第九列：Attributes—以多个键值对组成的注释信息描述。

**|-- LncRNA.gtf lncRNA的预测结果，gtf文件（重要文件）**

|-- 第一列：Chr—染色体序号；

|-- 第二列：Source—来源；

|-- 第三列：Type—转录本或者其外显子；

|-- 第四列：Start Site—起始坐标；

|-- 第五列：End Site—终止坐标；

|-- 第六列：Score—对应位置得分；

|-- 第七列：Strand—链的信息；

|-- 第八列：frame—frame的信息；

|-- 第九列：Description—描述信息。

**=====================================文件夹====================================**

**|-- BMK\_1\_Software\_Result 四种软件编码能力预测**