**LncRNA靶基因分析结果:**

**======================================文件====================================**

**|-- Cis\_target\_gene.xls** **LncRNA顺式靶基因的预测结果文件（重要文件）**

lncRNA调控其邻近基因的表达，主要根据lncRNA与gene的位置关系预测，lncRNA 100kb范围内的邻近基因为其靶基因。

**|-- Trans\_target\_gene.xls** **LncRNA反式靶基因预测结果文件（当样品数目不少于5时生成该结果）（重要文件）**

通过样本间lncRNA与mRNA的表达量相关性分析方法来预测lncRNA的反式靶基因。此方法需要一定样品数量保证其预测的准确性，因此当样本量小于5时不进行此项分析。采用Pearson相关系数法分析样本间 lncRNA与mRNA的相关性，取相关性绝对值大于0.9且显著性p值小于0.01的基因作为lncRNA的反式靶基因。