**miRNA靶向关系结果（重要文件夹）**

植物用TargetFinder软件进行靶基因预测；动物用miRanda和targetscan进行靶基因预测,最终取两款软件的交集作为最终靶向关系对；

**=====================================文件=====================================**

**|-- circRNA/gene/lncRNA.mir2target.list.xls** **miRNA与circRNA/gene/lncRNA靶向关系结果**

|-- ID miRNA ID

|-- Target 与miRNA有靶向关系的RNA的ID，多个RNA用"；"分隔

**|-- circRNA/gene/lncRNA.mir2target.stat.xls** 靶向关系数目统计结果

第一行是有靶向关系的miRNA的个数，第二行是有靶向关系的RNA的个数

**|-- circRNA/gene/lncRNA.miRNA\_target\_info.xls**

|-- #miRNA miRNA ID

|-- target 靶向RNA ID

|-- miRanda 0表示该靶向关系对在该软件中并未预测到，1表示该靶向关系对在该软件中预测到

|-- targetscan 0表示该靶向关系对在该软件中并未预测到，1表示该靶向关系对在该软件中预测到