### **样品表达量全局展示结果**

通过高通量测序预测数据，我们对几种RNA进行预测和鉴定，结合已有的RNA，做四种RNA的数量统计图。

**=====================================文件=====================================**

**|-- Total.pie.png** **不同RNA数量示意图**

**|-- Total.stat.xls 统计文件**

**======================================文件夹===================================**

**|-- W\* 所有RNA表达量全局展示结果以及对应RNA的位置和Count信息**

**|-- circRNA.xls W\*样品中circRNA的位置信息(Chr Start End Count)**

**|-- lncRNA.xls W\*样品中lncRNA的位置信息(Chr Start End Count)**

**|-- miRNA.xls W\*样品中miRNA前体的位置信息(Chr Start End Count)**

**|-- mRNA.xls W\*样品中mRNA的位置信息(Chr Start End Count)**

**|-- W\*.circos.svg 表达量全局展示Circos图（SVG格式）**

**|-- W\*.circos.png** **表达量全局展示Circos图（PNG格式）**

图中最外圈为染色体信息，之后依次是mRNA、lncRNA、circRNA、miRNA的表达水平。这里，表达量均取对数，miRNA位置采用其前体RNA的位置信息。

**|-- W\*.exp\_barplot.pdf 四种RNA在不同染色体的表达分布图（PDF格式）**

**|-- W\*.exp\_barplot.png** **四种RNA在不同染色体的表达分布图（PNG格式）**

图中不同颜色代表不同的RNA类型，横坐标代表不同染色体，纵坐标代表RNA在该染色体上表达量的比例。同一种RNA在不同染色体上的总分布和为1。这里，表达量均取对数。

**|-- W\*.barplot.xls** **exp\_barplot图所用的作图文件**