**Gene的表达：**

**======================================文件====================================**

**|-- gene\_counts.xls 所有基因的表达量(比对片段数)矩阵文件（重要文件）**

**|-- gene\_expression.xls 所有基因的表达量(fpkm)矩阵文件（重要文件）**

**=====================================文件夹===================================**

**|-- PNG 表达量分布图/样品间相关性**