**circRNA来源统计及长度和表达量分布**

**======================================文件====================================**

**|-- all.chromosome\_distrbution.pdf 所有circRNA在染色体上的分布图（PDF格式）**

**|-- all.chromosome\_distrbution.png** **所有circRNA在染色体上的分布图（PNG格式）**

**|-- \*.chromosome\_distrbution.pdf 单样品中circRNA在染色体上的分布图（PDF格式）**

**|-- \*.chromosome\_distrbution.png** **单样品中circRNA在染色体上的分布图（PNG格式）**

图中横坐标表示染色体，纵坐标表示对应染色体上的环状RNA junction reads数量。

**|-- All\_circRNA.circRNA.length.distribution.pdf 环状RNA长度分布图（PDF格式）**

**|-- All\_circRNA.circRNA.length.distribution.png 环状RNA长度分布图（PNG格式）**

图中横坐标代表circRNA的长度区间，纵坐标代表该长度区间内的环状RNA数目。

**|-- circRNA\_circos.svg circos图（SVG格式，矢量图）**

**|-- circRNA\_circos.png**  **circos图（circRNA以及单样品表达量在基因组上的分布，PNG格式）**

circRNA分布在基因组的统计以及各个样品表达量的circos图。其中，柱状图表示各个位置的CircRNA的个数，热图表示每个样品的表达量分布，0~1：蓝色，1~10：绿色，10~100：橘色，100～：红色，热图由外向内依次表示T01、T02、T03等。

**|-- \*.circRNA.type.png** **circRNA来源分布图**

circRNA来源于基因组上的位置(intron/exon/intergenic\_region)。

**|-- statistic.xls circRNA数目统计表**

|-- sample：样品ID；

|-- Total\_reads：最后得到的junction reads总数；

|-- Total\_circRNA：最后得到的CircRNA数目。