**基因结构优化**

**=======================================文件===================================**

**|-- \*.geneStructure.optimize.xls 基因结构优化结果**

|-- GeneID：基因ID

|-- Locus：基因座，格式为“染色体编号：起点坐标-终点坐标”

|-- Strand：正负链

|-- Site：优化的位置，3'或5'UTR

|-- OriginalRegion：原来注释的第一个或最后一个外显子的起止坐标

|-- OptimizedRegion：延伸之后的第一个或最后一个外显子的起止坐标