项目数据根目录： StringField

数据文件存放层级： StringField

参考基因组：选项（暂时不用）

输出：两个文本框分别接收输出路径 和输出后缀

**软件选择（暂定4个选项）：**

1. Bowtie2 页面参数

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Label（从后台接收数据） | 展示类型 | 功能 |
| -1 | 选项（暂时用String Field） | 选择输入文件后缀名 |
| -2 | 选项（暂时用String Field） | 选择输入文件后缀名 |

1. SortSam.jar

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Label（从后台接收数据） | 展示类型 | 功能 |
| INPUT= |  | 选择输入文件后缀名 |

1. MarkDuplicates.jar

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Label（从后台接收数据） | 展示类型 | 功能 |
| INPUT= |  | 选择输入文件后缀名 |

1. GenomeAnalysisTK.jar

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Label（从后台接收数据） | 展示类型 | 功能 |
| -I |  | 选择输入文件后缀名 |

**过滤器：**

点√则可以输入，点击“增加”则增加一个选项框（暂时用文本框）

**Marker参数：**

1. 不使用（默认）
2. 目录层级:

并排展示两个文本框，label在对应文本框上面

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Label | 展示类型 | 功能 |
| 选项 | String Field | -- |
| 目录层级 | String Field |  |

1. 文本定义：

并排展示两个文本框，label在对应文本框上面

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Label | 展示类型 | 功能 |
| 选项 | String Field |  |
| 请输入标记 | String Field |  |

**大文本框：**

**提交按钮：**