

# Graph based Block Diagonalization 코드 주석 정리

최윤희

## 1 분자 (화합물) 정의

```
1 geometry = [('H', (0., 0., 0.)),
2             ('H', (dist, 0., 0.)),
3             ('H', (2*dist, 0., 0.)),
4             ('H', (3*dist, 0., 0.))] # Angstrom
5 basis = 'sto-3g'
6 mol = MolecularData(geometry, basis, multiplicity=1, charge=0)
7 # qiskit 의 molecularinfo 와 같이 분자의 정보를 담고있는 클래스를 생성 이때 필요한 정보는
  → 기하학적인 구조 (geometry), basis, 시스템의 multiplicity 와 총 전하량 등의 정보가 필
  → 요하다.
```

\* geometry : 원자의 종류와 기하학적인 구조를 튜플로써 저장 ('원소종류', (x,y,z))

\* basis : 전자의 atomic orbital 을 표현할 basis 설정 (sto3g, 6-31g,...)

\* MolecularData: qiskit 의 molecularinfo 와 같이 분자의 정보를 담고있는 클래스

이는 객체는 분자 (화합물) 의 정보를 담고있는 객체로써, 이후 이 객체로부터 전자의 개수나, scf 계산을 수행할것이다. 이번 논문에서 사용한 화합물은 H2 Cluster 로써 아래와같이 모든 수소원자가 같은 거리만큼 떨어져있는 구조를 의미한다.

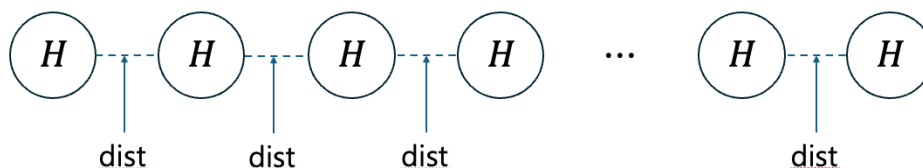


Figure 1: H2 Cluster

## 2 FCI 행렬 생성

```
1 mol = run_pyscf(mol_input, run_scf=1, run_fci=0)
2 # mol_input : 앞서 MolecularData 클래스를 이용해 생성된 객체 분자의 여러 정보를 담고있다.
3 # run_pyscf : mol_input 을 바탕으로 계산을 수행 2nd Quantized 헤밀토니안을 얻기위한 HF 계
  ↳ 산을 수행한다.
4 # 이때 옵션으로 여기서 FCI 계산을 수행할수도 있으나, 이는 Cost 가 매우커서 수행하지 않는다.
5 ham_int = mol.get_molecular_hamiltonian()
6 # pyscf 계산을 수행한 이후 정보를 담고있는 mol 이라는 객체로 부터 1 차/2 차 적분에 대한 정
  ↳ 보를 가져온다.
7 # (*) 이후 객체 정보에 대한 추가설명
8 ham_fci = get_fermion_operator(ham_int)
9 # 1 차/2 차 적분에 대한 정보를 담고있는 ham_int 로 부터 2nd Quantized 된 헤밀토니안을 가져
  ↳ 온다.
10 # (**) 이후 객체 정보에 대한 추가설명
11
12 H = get_number_preserving_sparse_operator(
13 # 전자수 와 스핀량 보존을 포함하는 FCI 행렬을 만들기 위한 함수
14 fermion_op=ham_fci, # 사용할 2nd Quantized 헤밀토니안
15 num_qubits=mol.n_qubits, # 총 스핀오비탈 개수 openFermion 패키지에서는 이를 qubit 라는
  ↳ 이름으로 사용하지만, 같은 의미.
16 num_electrons=mol.n_electrons, # 시스템의 전자수
17 spin_preserving=True) # 시스템의 multiplicity 가 보존되는 Determinant 만을 사용
18 H_real = H.real # 행렬의 각 원소는 두 Determinant 로 기술되는 내적이며 이는 에너지에 대응
  ↳ 되는 값이므로 실수값을 갖게되므로, 이후 그래프 연산을 위해 실수로 변환
19 # (***) 이후 객체 정보에 대한 추가설명
```

## 2.1 (\*) mol.get\_molecular\_hamiltonian()

1 차, 2 차 적분의 결과를 아래와같이 저장 한다.

```
( ) 0.7137539936876182
((0, 1), (0, 0)) -1.2524635735648981
((1, 1), (1, 0)) -1.2524635735648981
((2, 1), (2, 0)) -0.4759487152209644
((3, 1), (3, 0)) -0.4759487152209644
((0, 1), (0, 1), (0, 0), (0, 0)) 0.33724438317841876
((0, 1), (0, 1), (2, 0), (2, 0)) 0.09064440410574796
((0, 1), (1, 1), (1, 0), (0, 0)) 0.33724438317841876
((0, 1), (1, 1), (3, 0), (2, 0)) 0.09064440410574796
((0, 1), (2, 1), (0, 0), (2, 0)) 0.09064440410574796
((0, 1), (2, 1), (2, 0), (0, 0)) 0.3317340482117839
((0, 1), (3, 1), (1, 0), (2, 0)) 0.09064440410574796
((0, 1), (3, 1), (3, 0), (0, 0)) 0.3317340482117839
((1, 1), (0, 1), (0, 0), (1, 0)) 0.33724438317841876
```

Figure 2: molecular Hamiltonian

\* ( ) : 가장 위의 공란은 Constant 값 (여기서는 핵간 척력)

\* ((0,1),(0,0)) : 튜플의 튜플로 정의 된다. 안의 튜플은 순서대로 (연산이 수행되는 오비탈 idx, 생성 (1) 인지, 소멸 (0) 인지) 결국 second Quantization 에서 1 차여기항에 대응된다.

\* ((0, 1), (0, 1), (0, 0), (0, 0)) : 튜플 4 개로 정의 된다. 안의 튜플은 위에서와 같은 정보를 사용. 결국 second Quantization 에서 2 차여기항에 대응된다.

## 2.2 (\*\*) get\_fermion\_operator(ham\_int)

1 차, 2 차 적분의 결과를 아래와같이 fermionic 생성/소멸 연산자의 표기법을 통해 2nd Quantized 해밀토니안으로 표현한다.

```
0.7137539936876182 [ ] +
-1.2524635735648981 [0^ 0] +
0.33724438317841876 [0^ 0^ 0 0] +
0.09064440410574796 [0^ 0^ 2 2] +
0.33724438317841876 [0^ 1^ 1 0] +
0.09064440410574796 [0^ 1^ 3 2] +
0.09064440410574796 [0^ 2^ 0 2] +
0.3317340482117839 [0^ 2^ 2 0] +
0.09064440410574796 [0^ 3^ 1 2] +
0.3317340482117839 [0^ 3^ 3 0] +
0.33724438317841876 [1^ 0^ 0 1] +
0.09064440410574796 [1^ 0^ 2 3] +
```

Figure 3: fermionic op

여기서,

[ ] : Constant 값 (여기서는 핵간 척력)

$$[i^{\wedge}j] : a_i^{\dagger}a_j$$

$$[i^{\wedge}j^{\wedge}k\ l] : a_i^{\dagger}a_j^{\dagger}a_k a_l$$

### 2.3 (\*\*\*) `get_number_preserving_sparse_operator()`

아래와같이 희소행렬 표현으로 FCI 행렬을 구성한다.

```
<Compressed Sparse Column sparse matrix of dtype 'float64'
  with 8 stored elements and shape (4, 4)>
  Coords      Values
  (0, 0)      -1.1166843870853407
  (3, 0)       0.18128880821149593
  (1, 1)      -0.3511901986746764
  (2, 1)      -0.18128880821149593
  (1, 2)      -0.18128880821149593
  (2, 2)      -0.3511901986746764
  (0, 3)       0.18128880821149593
  (3, 3)       0.4592503306687161
```

Figure 4: FCI matrix

### 3 FCI 행렬 -> 그래프로 변경

```
1 def sparse_to_graph(A, *,
2                     weight="value", # "value" / "abs" / "binary"
3                     symmetrize=True, # 무향 그래프용: 패턴을  $A + A.T$  로 합칠지
4                     tol=0.0) :      #  $|a_{ij}| \leq tol$  은 0 취급
5
6     """
7     희소행렬 A -> NetworkX Graph/DiGraph 변환
8
9     Parameters
10    -----
11    A : scipy.sparse matrix (이 경우 FCI 행렬)
12    weight : {"value", "abs", "binary"}
13            엣지 weight 설정 방법
14            - "value":  $a_{ij}$  (실수/복소 가능; 복소는 실수부 사용 권장)
15            - "abs" :  $|a_{ij}|$ 
16            - "binary": 1 (연결만 표현)
17    symmetrize : bool
18                무향 그래프에서 A 의 패턴을  $A + A.T$  로 결합 (권장)
19    tol : float
20          임계값 이하 절댓값은 0 으로 무시
21
22    Returns
23    -----
24    G : nx.Graph
25
26    # 그래프 에서 다루기 편한 COO 로 변환
27    A = A.tocoo(copy=True)
28    #COO 에서는 값을 아래와같이 3 개의 어레이로 저장
29    #data : [3,4,2,7]
30    #row : [0,0,1,3]
31    #col : [2,4,1,3]
32    # 그리고 같은 인덱스 순서대로 0 행 2 열에는 3 이라는 값이 있고 마찬가지로 총 4 개의 원소
33    ↪ 가 있는 행렬을 표현한다.
34
35    # tol 필터링
36    if tol > 0:
37        mask = np.abs(A.data) > tol
38        A = coo_matrix((A.data[mask], (A.row[mask], A.col[mask])), shape=A.shape)
39
40    # 대각 요소 처리
41    if not keep_diagonal:
```

```

41     mask = A.row != A.col
42     A = coo_matrix((A.data[mask], (A.row[mask], A.col[mask])), shape=A.shape)
43
44     # 무향이면 패턴 대칭화 (권장):  $A \leftarrow A + A.T$  (중복은 합쳐짐)
45     if not directed and symmetrize:
46         AT = coo_matrix((A.data, (A.col, A.row)), shape=A.shape)
47         A = (A + AT).tocoo()
48
49     # 그래프 타입 선택
50     G = nx.DiGraph() if directed else nx.Graph()
51     G.add_nodes_from(range(A.shape[0])) # 노드: 0..n-1
52
53     # weight 설정
54     if weight == "binary":
55         # 동일 (i,j) 중복 합치기 위해 집계
56         from collections import defaultdict
57         edges = defaultdict(float)
58         for i, j, v in zip(A.row, A.col, A.data):
59             if not directed and i == j and not keep_diagonal:
60                 continue
61             key = (i, j) if directed else (min(i, j), max(i, j))
62             edges[key] = 1.0 # 존재만 표시
63         for (i, j), w in edges.items():
64             G.add_edge(i, j, weight=w)
65
66     else:
67         # "value" 또는 "abs"
68         if weight == "abs":
69             vals = np.abs(A.data)
70         elif weight == "value":
71             # 복소인 경우 실수부만 쓰고 싶다면 .real 사용
72             # 필요에 따라 변경 가능: vals = np.real(A.data)
73             vals = A.data
74         else:
75             raise ValueError("weight must be 'value', 'abs', or 'binary'")
76
77     # 동일 엣지 중복 합치기 (무향일 때  $i < j$  묶기)
78     from collections import defaultdict
79     edges = defaultdict(float)
80     for i, j, v in zip(A.row, A.col, vals):
81         if not directed and i == j and not keep_diagonal:
82             continue
83         key = (i, j) if directed else (min(i, j), max(i, j))
84         edges[key] += float(v) # 누적 (합). 필요시 max/mean 등으로 변경 가능.

```

```

85
86     for (i, j), w in edges.items():
87         G.add_edge(i, j, weight=w)
88
89     return G

```

```

1 def GBBD(mol):
2     # 입력 : qiskit 의 molecularinfo 와 같이 분자의 정보를 담고있는 클래스인 MolecularData
3     # 이후에 추가 설명
4     mol = run_pyscf(mol, run_scf=1, run_fci=0)
5     # 3. 2 차 정량화 Hamiltonian 얻기
6     ham_int = mol.get_molecular_hamiltonian()
7     ham_fci = get_fermion_operator(ham_int)
8     #H = get_sparse_operator(ham_fci, n_qubits=mol.n_qubits)
9     H = get_number_preserving_sparse_operator(
10     fermion_op=ham_fci,
11     num_qubits=mol.n_qubits,
12     num_electrons=mol.n_electrons,      # 필수
13     spin_preserving=True ,              # S_z 고정 (필요 없으면 None)
14     reference_determinant=None,
15     excitation_level=None)
16     print(H)
17     H_real = H.real
18     G = sparse_to_graph(H_real, directed=False, weight="abs", symmetrize=True,
19     ↪ tol=0.0)
20
21     ccs = list(nx.connected_components(G))
22
23     sub_mat_idx_g = list(ccs[0])
24     H_sub_g = H[sub_mat_idx_g, :][:, sub_mat_idx_g]
25     print(H_sub_g)
26     eigval_g, eigvec = eigsh(H_sub_g, k=1, which='SA')
27     E_g = eigval_g[0]
28
29     sub_mat_idx_e = list(ccs[1])
30     H_sub_e = H[sub_mat_idx_e, :][:, sub_mat_idx_e]
31     print(H_sub_e)
32     eigval_e, eigvec = eigsh(H_sub_e, k=1, which='SA')
33     E_e = eigval_e[0]
34
35     return E_g, E_e

```