# Analyse de l'Impact d'une Nouvelle Landing Page sur le Taux de Conversion : A/B Testing et Évaluation Statistique

#### ABDOULAYE TANGARA

Student in MSc in Quantitative and Computable Economics

## Contacts

in LinkedIn

Mon GitHub

**♠** Mon Portfolio

**∠** abdoulayetangara722@gmail.com



"To get something you never had, you've got to do something you never did. Get your mind right"

#### Contexte

Une entreprise a développé une nouvelle page web afin d'augmenter le nombre d'utilisateurs qui « convertissent », c'est-à-dire qui décident d'acheter le produit de l'entreprise. Votre objectif est d'analyser ce carnet pour aider l'entreprise à déterminer s'il est judicieux de mettre en place cette nouvelle page, de conserver l'ancienne ou de prolonger l'expérience avant de prendre sa décision.

# 1 Objectif : Augmenter le nombre d'achat grâce à une nouvelle page

# 2 Les hypothèses

- $H_0$  : La nouvelle page **n'a pas** d'effet significatif sur le taux de conversion.
- ullet H 1 : La nouvelle page  ${\bf a}$  un effet positif sur le taux de conversion.

# 3 Element à tester : taux de couversion

Il s'agit d'un indicateur clé de performance (KPI) qui mesure le pourcentage d'utilisateurs ayant effectué une action souhaitée par rapport au nombre total de visiteurs ou de participants à une expérience. Ainsi, un taux de conversion élevé signifie une bonne efficacité de la stratégie mise en place, tandis qu'un taux faible indique un besoin d'optimisation (ex. : amélioration du design, changement du message marketing, simplification du processus d'achat).

```
[5]: import pandas as pd
  import numpy as np
  import matplotlib.pyplot as plt
  import seaborn as sns
  import random
  import plotly.express as px
  import scipy.stats as stat
  from statsmodels.stats.proportion import proportions_ztest
  import warnings
  warnings.filterwarnings("ignore")
```

```
[6]: data = pd.read_csv("ab_data.csv", delimiter=",")
    data.head(5)
```

```
[6]:
        user_id
                                   timestamp
                                                   group landing_page
                                                                       converted
     0
         851104
                 2017-01-21 22:11:48.556739
                                                 control
                                                             old_page
                                                                                0
         804228
                 2017-01-12 08:01:45.159739
                                                                                0
     1
                                                             old_page
                                                 control
     2
         661590
                 2017-01-11 16:55:06.154213
                                                             new_page
                                                                                0
                                              treatment
     3
         853541
                 2017-01-08 18:28:03.143765
                                                             new_page
                                                                                0
                                              treatment
         864975
                 2017-01-21 01:52:26.210827
                                                             old_page
                                                 control
```

# Q Exploration des données

Analyse de la dimensionnalité de base de données

```
[7]: # Analyse de la dimensionnalité de la base
    print(f"""
    La base de donnée utilisée dans cette analyse comprend : {data.shape[0]}__
     →lignes et {data.shape[1]} colonnes, dont les colonnes suivantes \n
     | Variable | Description | Type de données | Exemple |
     |-----|
     | `user_id` | Identifiant unique de chaque USER.|{data["converted"].dtype}|_
     →10234 | | `timestamp` | Date et heure à laquelle USER a visité la page.
     → | {data["timestamp"].dtype} | 2024-03-10 14:35:22 |
     | `group`| Indique si l'USER appartient au groupe test ou contrôle.⊔
     → | {data["group"].dtype} | {data["group"].unique()} |
     | `landing_page` | Page sur laquelle l'USER est arrivé...
     →|{data["landing_page"].dtype}| {data["landing_page"].unique()} |
     | `converted`| Indique si l'USER a effectué l'action_
     →souhaitée|{data["converted"].dtype}| {data["converted"].unique()} |
    11111
    print("Statistique descriptive des variables\n")
    data.describe(include="all")
```

La base de donnée utilisée dans cette analyse comprend : 294478 lignes et 5 colonnes, dont les colonnes suivantes

Statistique descriptive des variables

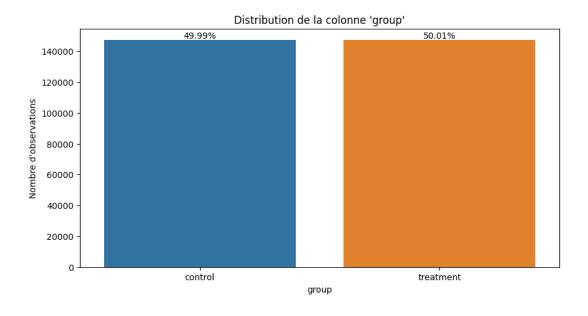
```
[7]:
                    user_id
                                                                  group landing_page
                                                 timestamp
     count
              294478.000000
                                                    294478
                                                                294478
                                                                               294478
                                                    294478
     unique
                         NaN
                              2017-01-21 22:11:48.556739
     top
                         {\tt NaN}
                                                             treatment
                                                                            old_page
                                                                               147239
     freq
                        NaN
                                                          1
                                                                147276
     mean
              787974.124733
                                                       NaN
                                                                    NaN
                                                                                  NaN
     std
               91210.823776
                                                       NaN
                                                                    NaN
                                                                                  NaN
              630000.000000
     min
                                                       {\tt NaN}
                                                                    NaN
                                                                                  NaN
     25%
              709032.250000
                                                       {\tt NaN}
                                                                    NaN
                                                                                  NaN
     50%
              787933.500000
                                                       NaN
                                                                    NaN
                                                                                  NaN
     75%
              866911.750000
                                                       NaN
                                                                    NaN
                                                                                  NaN
              945999.000000
                                                       NaN
                                                                    NaN
                                                                                  NaN
     max
                  converted
              294478.000000
     count
                         NaN
     unique
     top
                        NaN
                         NaN
     freq
     mean
                   0.119659
                   0.324563
     std
                   0.000000
     min
     25%
                   0.000000
     50%
                   0.000000
     75%
                   0.000000
                   1.000000
     max
```

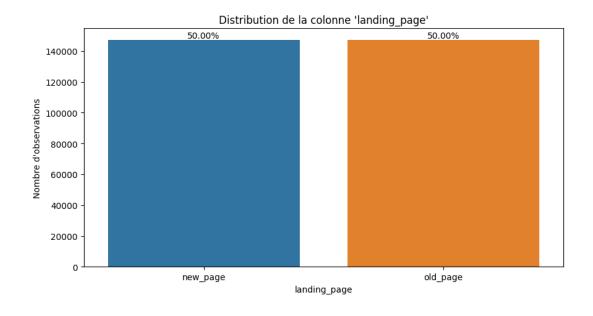
#### Traitement des variables : Nettoyage et Formatage

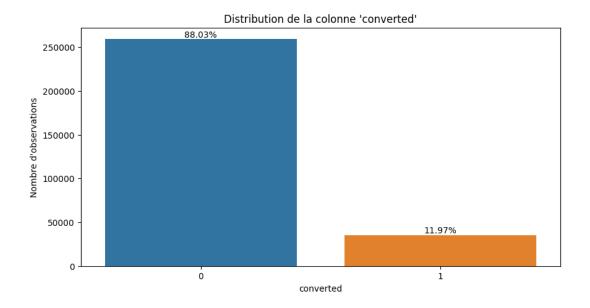
#### Analyse des KPIs

```
[9]: def kpi_1(df):
         for i in data.select_dtypes(include='category').columns:
             plt.figure(figsize=(10, 5))
             ax = sns.countplot(data=data, x=i, palette="tab10")
             total = len(data)
             for p in ax.patches:
                 height = p.get_height()
                 if height > 0:
                     percentage = f"{100 * height / total:.2f}%"
                     x = p.get_x() + p.get_width() / 2
                     y = p.get_height()
                     ax.annotate(percentage, (x, y), ha="center", va="bottom")
             plt.title(f"Distribution de la colonne '{i}'")
             plt.xlabel(i)
             plt.ylabel("Nombre d'observations")
             plt.show()
```

## [10]: kpi\_1(data)

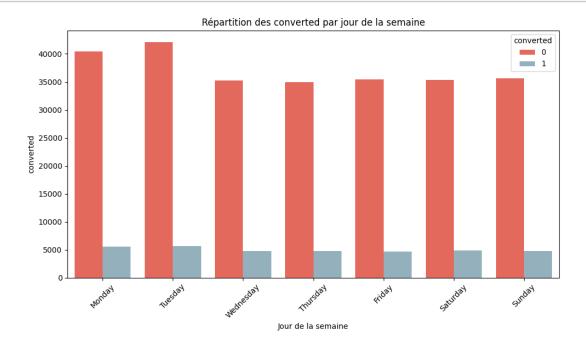


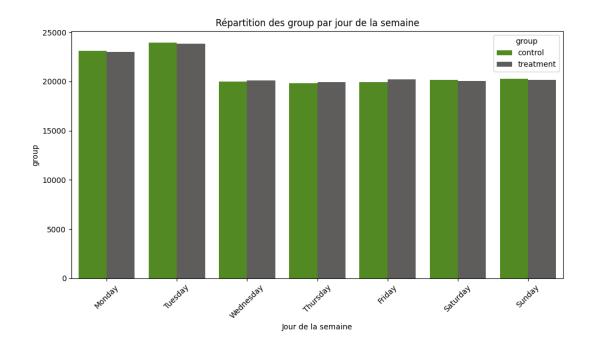


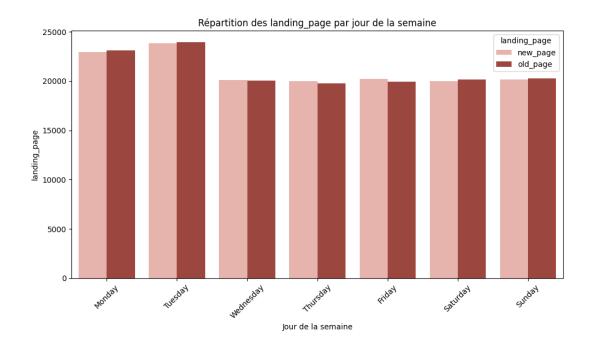


```
[11]: def kpi_2(df):
         def couleur_aleatoire():
             return "#{:06x}".format(random.randint(0, 0xFFFFFF))
         for i in ["converted", "group", "landing_page"]:
             plt.figure(figsize=(10, 6))
             categories_hue = data[i].unique()
             palette = {cat: couleur_aleatoire() for cat in categories_hue}
             sns.countplot(x='day_of_week', hue=i, data=data,
                         order=['Monday', 'Tuesday', 'Wednesday', 'Thursday', |
      palette=palette)
             plt.title(f"Répartition des {i} par jour de la semaine")
             plt.xlabel("Jour de la semaine")
             plt.ylabel(f"{i}")
             plt.legend(title=i)
             plt.xticks(rotation=45)
             plt.tight_layout()
             plt.show()
```

# [12]: kpi\_2(data)







# Comparaison des proportions des deux groupes - Test Statistique

Le test Z permet de comparer deux proportions en évaluant si la proportion d'une caractéristique diffère significativement entre deux échantillons indépendants. Ce test repose sur le théorème central limite, selon lequel les proportions échantillonnées suivent une distribution normale asymptotique.

La statistique z est donnée par :

$$z = \frac{\hat{p}_1 - \hat{p}_2}{\sqrt{\hat{p}(1-\hat{p})\left(\frac{1}{n_1} + \frac{1}{n_2}\right)}}$$

Où:

•  $\hat{p}_1$ : proportion dans le premier échantillon,

•  $\hat{p}_2$ : proportion dans le deuxième échantillon,

•  $n_1, n_2$ : tailles des échantillons,

•  $\hat{p}$ : proportion regroupée, calculée par  $\hat{p} = \frac{x_1 + x_2}{n_1 + n_2}$ .

Pour interpréter la p-valeur :

• Si p-valeur  $< \alpha$ , où  $\alpha$  est le seuil de signification (généralement 0,05), on rejette l'hypothèse nulle  $(H_0)$  et on conclut qu'il existe une différence significative entre les proportions.

• Si p-valeur  $\geq \alpha$ , on ne rejette pas  $H_0$ , indiquant qu'aucune différence significative n'est détectée.

#### Justification du choix du Test Z:

L'élément de test étant le "taux de conversion", une variable binaire, la comparaison se fera sur la proportion de chaque groupe. Dans ce contexte, le test Z de proportions est le test statistique le plus approprié pour comparer les taux de conversion entre le groupe contrôle et le groupe test.

En effet, le test Z est utilisé lorsque les échantillons sont grands ( dans notre cas : 294478 clients tout groupe confondus) et que la variable étudiée suit une loi binomiale pouvant être approximée par une loi normale sous certaines conditions. Ces conditions sont :

- Indépendance des observations : Chaque utilisateur appartient à un seul groupe (contrôle ou test), assurant l'indépendance des échantillons.
- Taille d'échantillon suffisante (théorème central limite) : Pour que l'approximation normale soit valide, il faut que chaque groupe contienne un nombre suffisamment élevé d'individus ayant converti et n'ayant pas converti, vérifiant ainsi la règle.

```
[13]: # Repartition des groupes
      ## Groupe A
      group_A = data[data["group"] == "control"]
      n_group_A = group_A.shape[0]
      cov_group_A = group_A[data["converted"] == 1].shape[0]
      ## Groupe B
      group_B = data[data["group"] == "treatment"]
      n_group_B = group_B.shape[0]
      cov_group_B = group_B[data["converted"]==1].shape[0]
      # Test statistique
      successes = np.array([cov_group_A, cov_group_B])
      samples = np.array([n_group_A, n_group_B])
      stat, p_value = proportions_ztest(successes, samples, alternative="two-sided")
      print("Statistique de test (z) :", stat)
      print("p-value :", p_value)
      # Interprétation
      alpha = 0.05
      if p_value < alpha:</pre>
          print("	✓ Résultat significatif : La nouvelle page a un effet sur le taux
⊔
      →de conversion.")
      else:
          print("X Pas de résultat significatif : La nouvelle page n'améliore pas⊔
       ⇒significativement le taux de conversion.")
     Statistique de test (z): 1.237
```

```
Statistique de test (z) : 1.237
p-value : 0.216

X Pas de résultat significatif : La nouvelle page n'améliore pasu
significativement le taux de conversion.

Autrement dit, Avec un échantillon aussi large, une p-value élevée, indique queula nouvelle page n'a probablement aucun impact business, même si onu prolongeait le test.
```

Intervalle de confiance de la différence des proportions et Erreur de Type II,  $\beta$ 

$$(\hat{p}_1 - \hat{p}_2) \pm z_{\alpha/2} \sqrt{\frac{\hat{p}_1(1-\hat{p}_1)}{n_1} + \frac{\hat{p}_2(1-\hat{p}_2)}{n_2}}$$

Où:

•  $z_{\alpha/2}$ : est la valeur critique de la distribution normale standard (par exemple, 1,96 pour un niveau de confiance de 95%).

L'EDM pour l'utilisation de la formule du test Z (bilatéral) pour comparer deux proportions, en incorporant des valeurs critiques pour  $\alpha$  et  $1 - \beta$ , et les erreurs standard des proportions :

$$MDE = |p_1 - p_2| = z_{1-\alpha/2} \sqrt{p_0(1-p_0) \left(\frac{1}{n_1} + \frac{1}{n_2}\right)} + z_{1-\beta} \sqrt{\frac{p_1(1-p_1)}{n_1} + \frac{p_2(1-p_2)}{n_2}}$$

#### Où:

- $z_{1-\alpha/2}$ : valeur critique pour le niveau de signification.
- $z_{1-\beta}$ : quantile pour la puissance désirée.
- $p_0 = p_1 = p_2$ : en supposant que la valeur nulle est correcte.

```
[23]: # Calcul des proportions
p_groupe_A = cov_group_A/ n_group_A
p_groupe_B = cov_group_B/ n_group_B
diff_obs = p_groupe_A - p_groupe_B

print(f"Différence observée: {diff_obs:.4f}")

n_A, cov_A = 147202, 17723  # Groupe contrôle
n_B, cov_B = 147276, 17514  # Groupe test

# Erreur standard (SE) et IC automatique
ci_diff = confint_proportions_2indep(cov_B, n_B, cov_A, n_A, method='wald')
SE = (ci_diff[1] - ci_diff[0]) / (2 * 1.96)  # Calcul dérivé de l'IC

print(f"SE calculée: {SE:.5f}")
print(f"IC différence (Wald): [{ci_diff[0]:.4f}, {ci_diff[1]:.4f}]")
```

```
Différence observée: 0.0015
SE calculée: 0.00120
IC différence (Wald): [-0.0038, 0.0009]
```

- 1. Différence Observée (0.0015 ou 0.15%) La nouvelle page a un taux de conversion supérieur de 0.15% par rapport à l'ancienne. Mais : Cette différence est extrêmement faible
- 2. Erreur Standard (SE = 0.00120 soit 0.12%) La marge d'erreur sur la différence estimée est de  $\pm 0.12\%$ . Cela nous indique que la mesure est précise (grâce à la grande taille d'échantillon).
- 3. Intervalle de Confiance à 95% (Wald) : [-0.38%, 0.09%] La vraie différence de taux de conversion a 95% de chances de se situer entre -0.38% et +0.09%. Vue que l'IC inclut 0 (et même des valeurs négatives), nous pouvons donc concluire que la nouvelle page n'a aucun effet statistiquement significatif.