```
In [1]:
%load_ext watermark
%watermark
%matplotlib inline

2019-05-30T21:31:08+02:00

CPython 3.6.5
IPython 6.4.0

compiler : GCC 7.2.0
system : Linux
release : 5.1.5-arch1-2-ARCH
machine : x86_64
processor :
CPU cores : 4
interpreter: 64bit
```

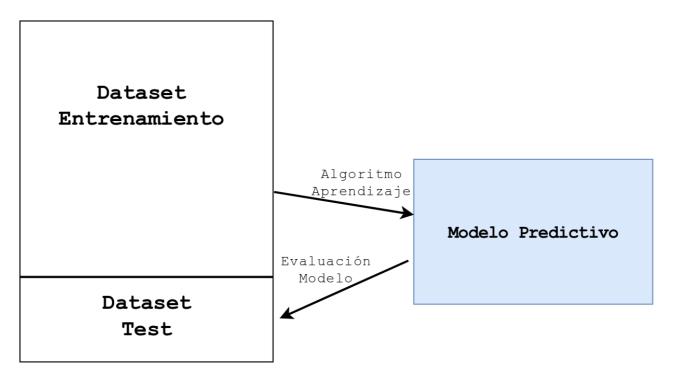
# Separacion de datos entrenamiento, test y validacion cruzada

Separamos nuestro dataset en 2 partes el dataset de entrenamiento y el dataset de test, basicamente quitamos un trozo del dataset original, entrenamos a la máquina con el resto del dataset, hacemos el modelo predictivo y evaluamos el modelo con el trozo que quitamos. Evitamos así el sobreajuste, no queremos que memorice el modelo, sino que generalice

```
In [2]:
```

```
from IPython.display import Image
Image("../../RESOURCES/train_test_split.jpg")
```

Out[2]:



```
In [3]:
```

```
import numpy as np
from sklearn.linear_model import LinearRegression
from sklearn import metrics
from sklearn import datasets
In [4]:
```

e res

boston = datasets.load\_boston()

```
In [5]:
# Error cuadrático medio
def root mean square error(objetivo, estimaciones):
    return np.sqrt (metrics.mean squared error (objetivo, estimaciones))
# Ajuste al r2
def adjusted r2(objetivo, estimaciones, n, k):
   r2 = metrics.r2 score(objetivo, estimaciones)
   return 1 - (1-r2)*(n-1) / (n - k - 1)
#Evaliacion del modelo
def evaluar modelo(objetivo, estimaciones, n, k):
    return {
        "rmse": root mean square error (objetivo, estimaciones),
        "mae": metrics.mean_absolute_error(objetivo, estimaciones),
        "adjusted_r2": adjusted_r2(objetivo, estimaciones, n, k)
In [6]:
modelo ols = LinearRegression()
modelo ols.fit(X=boston["data"], y=boston["target"])
modelo ols preds = modelo ols.predict(boston["data"])
In [7]:
RESULTADOS = {}
In [8]:
#tamanio de la muestra
N = boston["data"].shape[0]
RESULTADOS["ols"] = evaluar_modelo(boston["target"],
                                    modelo_ols_preds,
                                    len(modelo ols.coef ))
RESULTADOS
Out[8]:
{'ols': {'rmse': 4.679191295697281,
  'mae': 3.2708628109003137,
  'adjusted r2': 0.733789726372463}}
Esto no tiene sentido porque estamos haciendo un sobreajuste por defecto y en el entramiento le damos todo los datos y es
probable que no genere analisis bien con datos nuevos que no tenemos ahora mismo (autosampler)
Vamos a separar los datos de entrenamiento de los de test
In [9]:
from sklearn.model_selection import train test split
In [10]:
train test split?
In [11]:
boston["data"].shape
Out[11]:
(506, 13)
In [12]:
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(
   boston["data"],
    boston["target"],
    test size=0.33,
    random state=13
```

oudannou un torore para er toet

```
In [13]:
```

```
print(X_train.shape, y_train.shape)
(339, 13) (339,)
In [14]:
print(X test.shape, y test.shape)
(167, 13) (167,)
```

Entrenamos al modelo con los datos de entrenamiento

```
In [15]:
```

```
modelo_ols = LinearRegression()
modelo ols.fit(X=X_train, y=y_train)
modelo ols train preds = modelo ols.predict(X train)
```

```
In [16]:
```

```
RESULTADOS["ols train"] = evaluar modelo(
   y train,
   modelo ols train preds,
   X train.shape[0],
   len(modelo ols.coef )
```

Ahora vamos a predecir usando el modelo entrenado con los datos de test

Y evaluamos el modelo con los datos de test

```
In [17]:
```

```
modelo ols test preds = modelo ols.predict(X test)
RESULTADOS["ols_test"] = evaluar_modelo(
   y test,
   modelo_ols_test_preds,
   X_test.shape[0],
    len(modelo ols.coef)
```

In [18]:

## import pandas as pd

```
In [19]:
```

```
pd.DataFrame (RESULTADOS)
```

#### Out[19]:

	ols	ols_train	ols_test
adjusted_r2	0.733790	0.731491	0.688716
mae	3.270863	3.300868	3.558434
rmse	4.679191	4.721732	4.784178

Vemos que al seperar los datos de entrenamiento y los que test se obtiene un resultado peor al evaluar los datos de test.

Podríamos parar aquí y decir "El error RMSW de mi modelo es 4.787026", podríamos pensar que esta todo bien ya que no hemos entrenados el modelo en los que hemos usado para evaluarlo.

Pero estaríamos en un grave error. ¿Por qué?

Recordad que hemos un random state=13 para la función train test splitque garantiza que la separación de entranamiento y test sea siempre la misma. Podemos usar cualquier número para este argumento.

Qué pasa si usamos por ejemplo random state=42?

. . . . =

```
In [20]:
```

```
RESULTADOS = { } 
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(
   boston["data"],
   boston["target"],
   test size=0.33,
   random state=42
modelo_ols = LinearRegression()
modelo ols.fit(X=X train, y=y train)
modelo ols train preds = modelo ols.predict(X train)
RESULTADOS["ols_train"] = evaluar_modelo(
   y_train,
   modelo ols train preds,
   X_train.shape[0],
   len (modelo_ols.coef_)
modelo ols test preds = modelo ols.predict(X test)
RESULTADOS["ols_test"] = evaluar_modelo(
   y test,
   modelo ols test preds,
   X test.shape[0],
   len(modelo ols.coef)
pd.DataFrame (RESULTADOS)
```

#### Out[20]:

	ols_train	ols_test
adjusted_r2	0.728804	0.702889
mae	3.376419	3.148256
rmse	4.794269	4.552365

El error en los datos de test es menor que en los entrenamiento ¿Por qué? Sencillamente, por que ha dado la casualidad de que hemos separado los datos de una forma que los datos de test son muy fáciles de estimar.

```
In [21]:
```

```
model = LinearRegression()
results = []

def test_seed(seed):
    X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(
    boston["data"], boston["target"],
        test_size=0.33, random_state=seed
)

test_preds = model.fit(X_train, y_train).predict(X_test)
seed_rmse = root_mean_square_error(y_test, test_preds)
results.append([seed_rmse, seed])
```

### In [22]:

```
for i in range(1000):
    test_seed(i)
```

#### In [23]:

```
results_sorted = sorted(results, key=lambda x: x[0], reverse=False)
```

## In [24]:

```
results_sorted[0]
Out[24]:
```

```
In [25]:
results sorted[-1]
Out[25]:
[6.788054714003132, 645]
conclusion.... Estos significa que no podemos hacer solo una particion de los datos, eso es jugartela demasiado.
Validación Cruzada
Vemos que entre la semilla con menor error de test y la semilla con mayor error hay una diferencia del doble
Una forma de evitar el cometer este error es mediante la Validación cruzada
In [26]:
from sklearn.model_selection import cross val score
In [27]:
cross val score?
In [28]:
modelo ols = LinearRegression()
X = boston["data"]
y = boston["target"]
resultados validacion cruzada = cross val score(
    estimator=modelo ols,
    X=X
    y=y,
    scoring = "neg_mean_squared_error",
    cv=10
In [29]:
resultados validacion cruzada
Out[29]:
array([ -9.28694671, -14.15128316, -14.07360615, -35.20692433, -31.88511666, -19.83587796, -9.94726918, -168.37537954, -33.32974507, -10.96041068])
In [30]:
def rmse cross validation(estimator, X, y):
    y pred = estimator.predict(X)
    return np.sqrt (metrics.mean_absolute_error(y, y_pred))
In [37]:
resultados cv = []
for i in range(10,200):
    cv_rmse = cross_val_score(
    estimator=modelo_ols,
        X=X,
         y=y,
         scoring=rmse cross validation,
         cv=i
    ).mean()
    resultados cv.append(cv rmse)
In [38]:
import matplotlib.pyplot as plt
In [39]:
```

nlt nlot (regultados cu)

```
bic.bioc(resairados_c.)
Out[39]:
[<matplotlib.lines.Line2D at 0x7f38824a8f28>]
 1.90
 1.85
 1.80
 1.75
            25
       ó
                           100
                                 125
                                      150
                                           175
In [40]:
from sklearn.model_selection import cross validate
scoring = {"mae": "neg_mean_absolute_error", "rmse": rmse_cross_validation}
estimator = modelo_ols
scores = cross_validate(estimator,
                          boston["data"],
                          boston["target"],
                          scoring=scoring,
                          cv=10,
                          return_train_score=True)
In [41]:
cross validate?
In [42]:
pd.DataFrame(scores).mean()
Out[42]:
fit_time 0.001144
score_time 0.000811
test_mae -4.004947
```

test\_rmse 1.949203 train\_rmse 1.800855

dtype: float64