Отчет 2

Цель задания:

Цель данного исследования - построить классификационную модель, позволяющую точно предсказать состояние здоровья пациента на основе анализа данных электрокардиограммы (ЭКГ). Мы использовали различные методы машинного обучения и автоматического машинного обучения (AutoML), а также интегрировали методы PSA и t-SNE. Цель - изучить эффективность различных методов при анализе данных в здравоохранении и в итоге выбрать оптимальную модель для практического применения.

Экспериментальные методы:

подготовка данных, применение t-SNE и PCA

Экспериментальная среда

colab

результат:

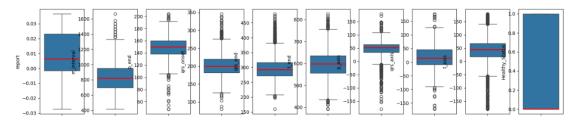


Рисунок 1

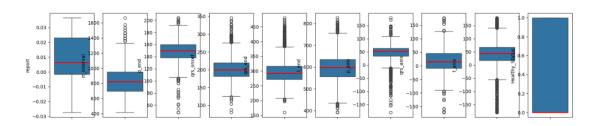


Рисунок 2

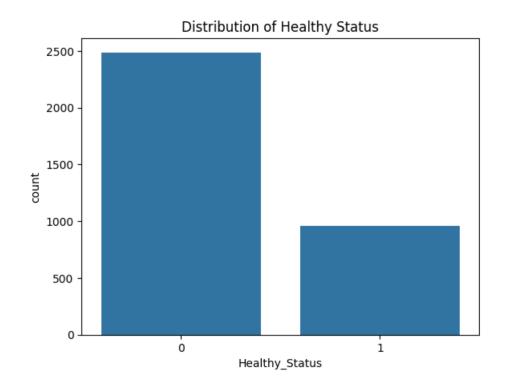


Рисунок 3

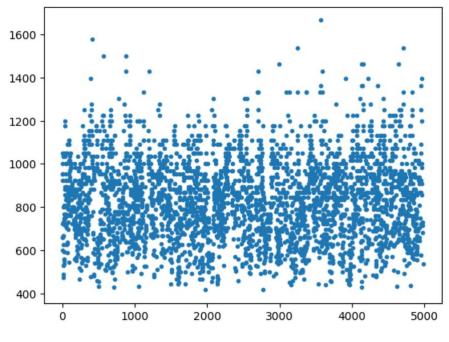


Рисунок 4

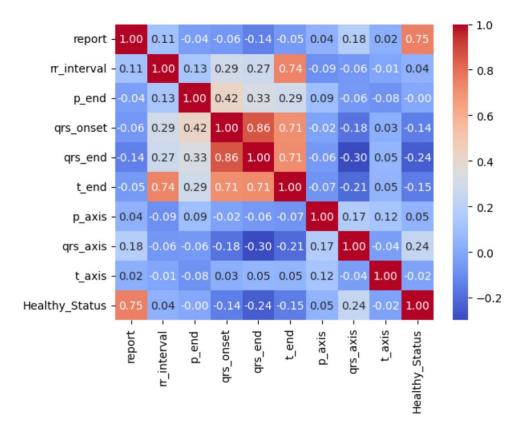


Рисунок 5

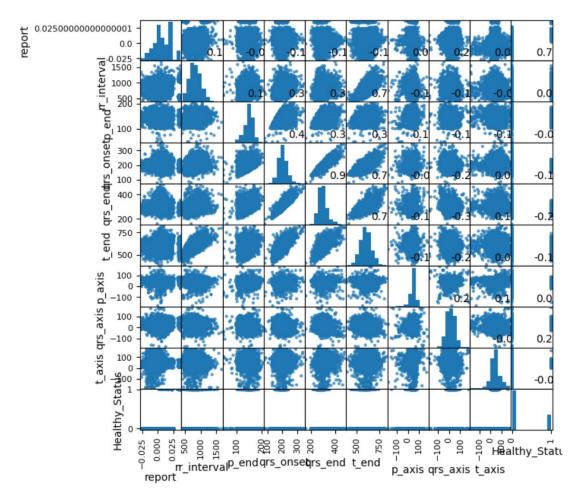


Рисунок 6

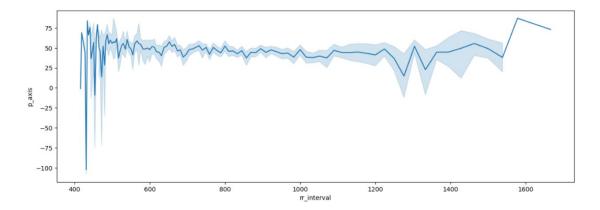


Рисунок 7

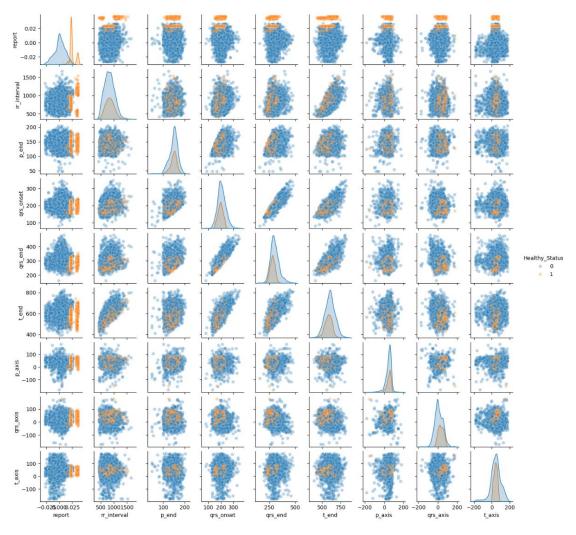


Рисунок 8

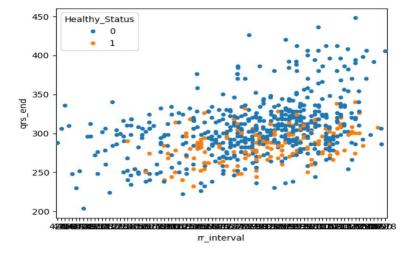


Рисунок 9

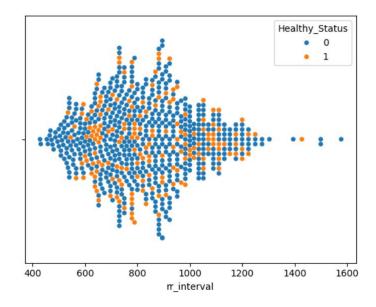


Рисунок 10

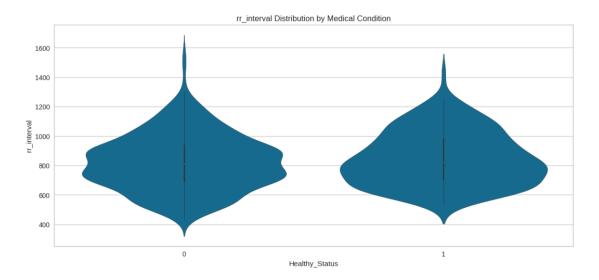


Рисунок 11

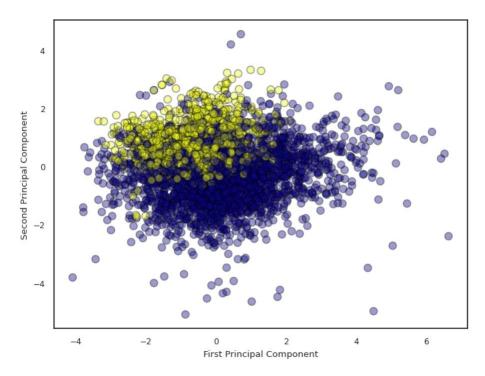


Рисунок 12

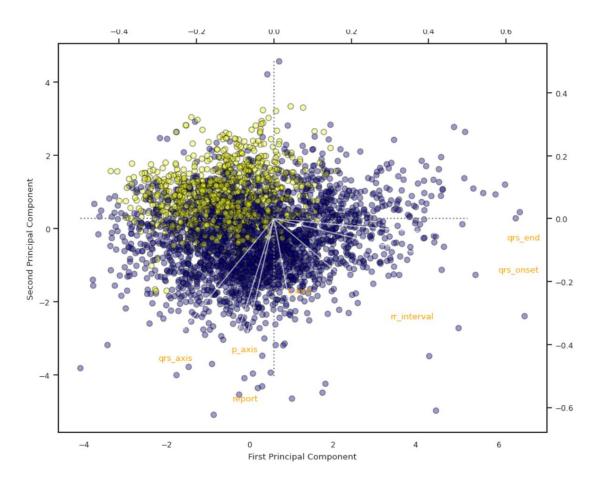


Рисунок 13

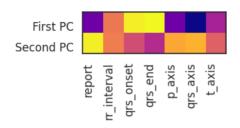




Рисунок 14

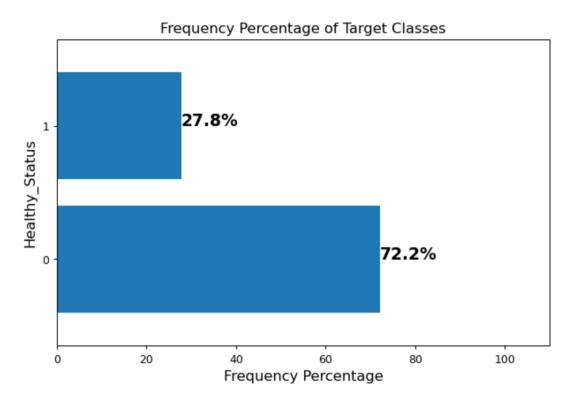


Рисунок 15

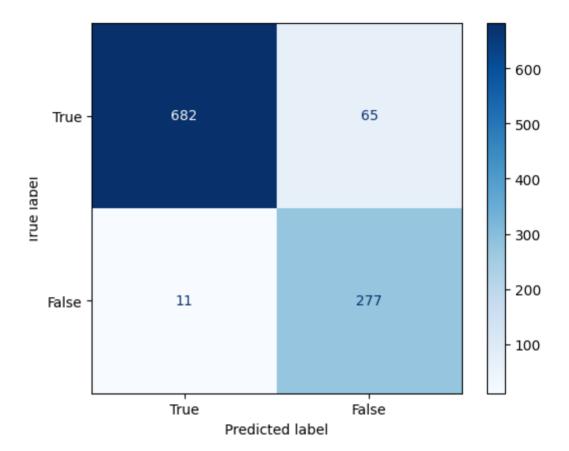
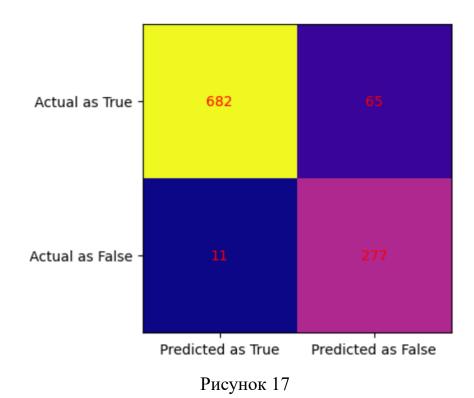


Рисунок 16



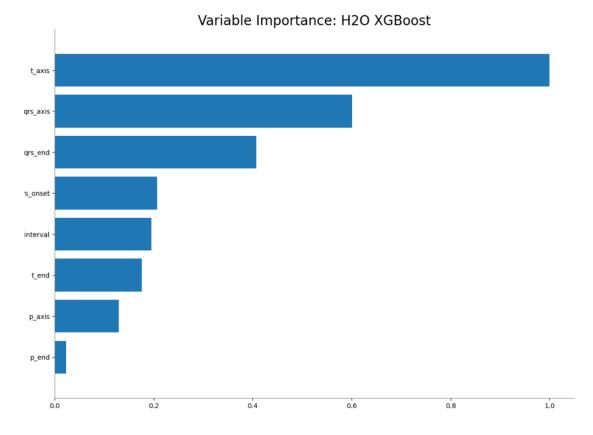


Рисунок 18

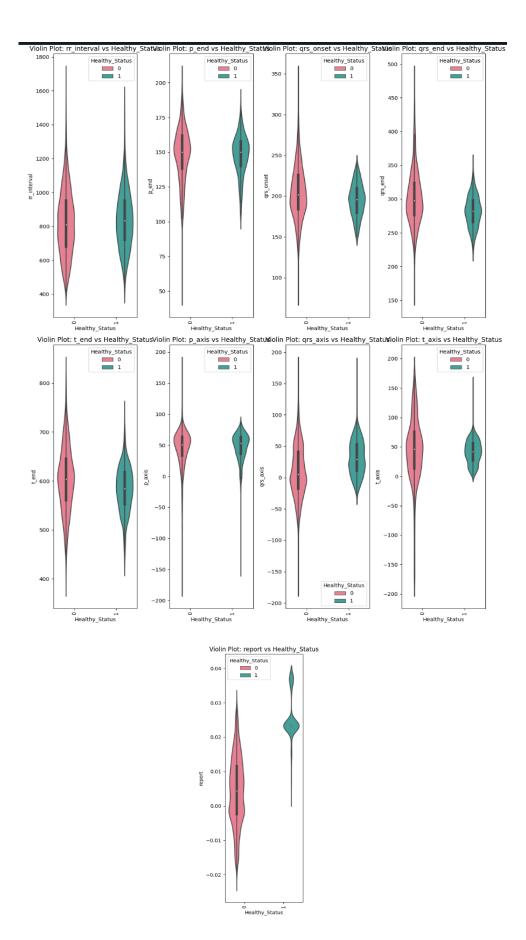
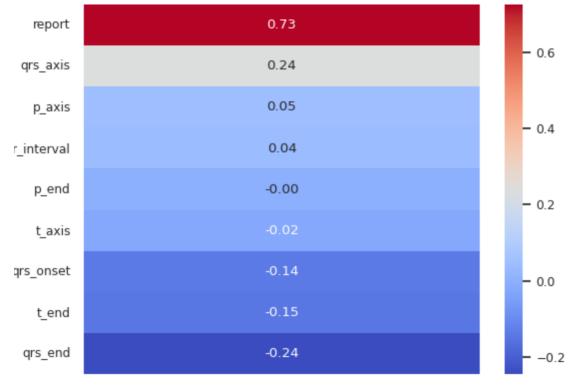


Рисунок 19

Correlation with Healthy_Status



Healthy_Status

Рисунок 20

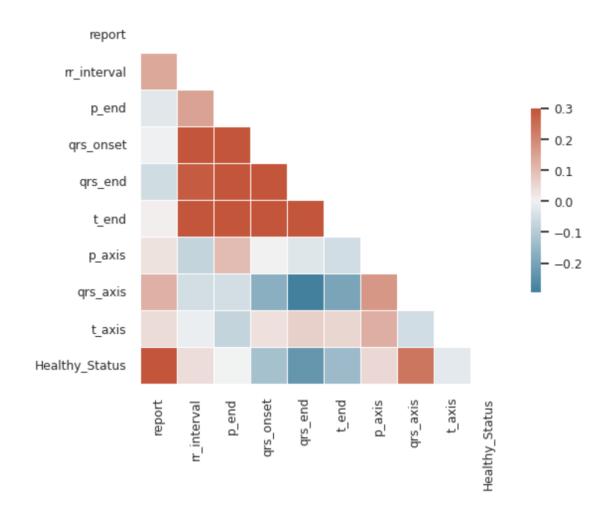


Рисунок 21

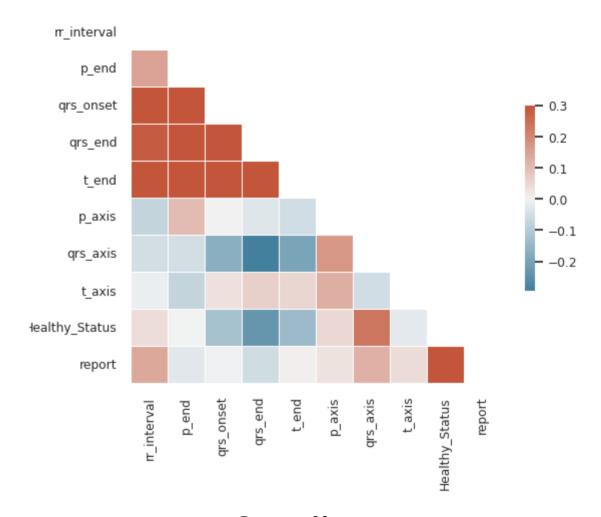


Рисунок 22

PCA explained variance :0.88

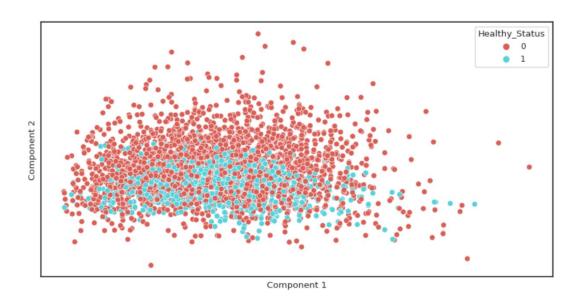


Рисунок 23

t-SNE

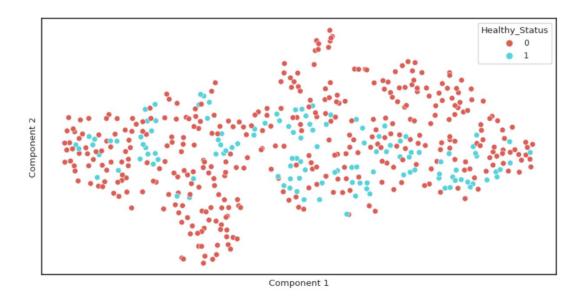


Рисунок 24

заключение

1. предварительная обработка данных

Обработка выбросов: фильтрация экстремальных значений (например, rr_interva1 >2000) для обеспечения обоснованности числовых характеристик.0

Обработка текстовых признаков: объединение 18 текстовых отчетов в одно поле, генерация средних векторов слов в предложениях с помощью модели Word2Vec и сжатие их в скалярные признаки.

Очистка данных:Удаление избыточных столбцов (например, пропускная способность, фильтрация), исправление ошибок в названиях столбцов (eeg_time и eeg_date).

2. эксплораторный анализ данных (EDA)

Визуализация распределений: квадратные и линейные графики, графики скрипок для отображения распределения признаков и различий между категориями (например, распределение rr_interval в здоровых и нездоровых группах).

распределение в группах здоровых и нездоровых)

Корреляционный анализ: тепловые карты и матрицы рассеяния выявляют линейные связи между признаками (например, сильная положительная корреляция между осями р axis и qrs axis).

Анализ снижения размерности: РСА сжимает многомерные

признаки до 2 главных компонент (с суммарной объясненной дисперсией около 64,5 %), визуализируя э)циальную разделимость классов в пространстве главных компонент.

3. Построение и оптимизация моделей

Базовая модель:В качестве базовой модели используется гауссовский парк Байеса (GaussianNB), точность тестового набора составляет около 72,8%.0

Оптимизация AutoML:0

:H20 AutoML:Автоматическое обучение нескольких моделей (например, XGBoost, GBM) за 60 секунд, точность оптимальной модели на тестовом наборе - 80,2%, оценка F1 - 0,81.

:AutoGluon:Дальнейшее повышение производительности за счет интегрированного обучения, точность увеличилась до 82,5%. Анализ интерпретируемости:График важности признаков XGBoost показывает, что rr_interval и qrs_axis являются ключевыми предикторами. Валидация и оценка4

Матрица запутанности:Сравните предсказанные и истинные метки и рассчитайте Recall, Precision и F1 score.

Визуализация границ принятия решений:Продемонстрируйте область принятия решений классификатора в двумерном пространстве с помощью снижения размерности РСА, чтобы визуально проверить делимость модели.

основной алгоритм

```
# 1. 基础库导入 / Импорт базовых библиотек
import numpy as np # 数值计算库 / Библиотека для численных вычислений
import pandas as pd # 数据处理库 / Библиотека для обработки данных
import matplotlib.pyplot as plt # 可视化库 / Библиотека визуализации
import scaborn as sns # 高级可视化库 / Продвинутая библиотека визуализации
from sklearn.naive_bayes import GaussianNB # 高斯朴素贝叶斯分类器 / Наивный байесовский классификатор
from skleam.metrics import accuracy score # 准确率评估 / Метрика точности
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder # 标签编码器 / Кодировщик меток
from skleam.model_selection import train_test_split # 数据分割工具 / Инструмент разделения данных
from mlxtend.plotting import plot_decision_regions # 决策边界可视化 / Визуализация границ решений
from gensim.models import Word2Vec # 词向量模型 / Модель векторного представления слов
# 2. 可视化函数定义 / Определение функций визуализации
def plotScatterMatrix(df, plotSize, textSize):
    绘制散点矩阵和相关系数
    Построение матрицы диаграмм рассеяния с коэффициентами корреляции
    # 数据预处理步骤
    df = df.select_dtypes(include=[np.number]) # 只保留数值型列 / Оставляем только числовые столбцы
    df = df.dropna(axis='columns') # 删除含空值的列 / Удаляем столбцы с пропусками
    df = df[[col for col in df if df[col].nunique() > 1]] # 保留有变化的列 / Оставляем столбцы с вариацией
    # 可视化逻辑
    # Логика визуализации
    ax = pd.plotting.scatter\_matrix(df, alpha=0.75, figsize=[plotSize, plotSize], diagonal='hist')
    corrs = df.corr().values # 计算相关系数矩阵 / Рассчитываем матрицу корреляций
    # 添加相关系数注释
    # Добавление аннотаций коэффициентов корреляции
    for i, j in zip(*plt.np.triu_indices_from(ax, k=1)):
        ax[i,j].annotate('%.1f'%corrs[i,j], (0.8,0.2),
                       xycoords='axes fraction',
                       ha='center', va='center',
    plt.suptitle('Таблица анализа данных, коэффициент корреляции')
```

```
# 3. 数据加载与预处理 / Загрузка и предобработка данных
# 加载原始数据 / Загрузка исходных данных
raw_table_data = pd.read_csv(
    "https://raw.githubusercontent.com/.../test\_data\_ECG.csv",\\
    nrows=5000 # 限制读取 5000 行 / Ограничение на чтение 5000 строк
# 异常值处理 / Обработка выбросов
columns\_to\_filter = ['rr\_interval', 'p\_onset', 'p\_end', 'qrs\_onset', 'qrs\_end', 't\_end', 'p\_axis', 'qrs\_axis', 't\_axis']
full_df_filtered = raw_table_data[
    (raw_table_data[columns_to_filter] < 2000).all(axis=1) # 过滤极端值 / Фильтрация экстремальных значений
]
# 文本报告处理 / Обработка текстовых отчетов
reports = [freport_{x}' for x in range(18)]
full\_df\_filtered[report\_0'] = full\_df\_filtered[reports].astype(str).agg(''.join, axis=1) # 合并文本列 / Объединение текстовых столбцов
full_df_filtered['report_0'] = full_df_filtered['report_0'].str.replace(r'\bnan\b', ", regex=True) # 清理无效值 / Очистка невалидных значений
# 4. 特征工程 / Инженерия признаков
# Word2Vec 文本向量化 / Векторизация текста с Word2Vec
words = [text.split() for text in full_df_filtered['report']]
w2v_{model} = Word2Vec(
    words
    vector_size=100, # 向量维度 / Размерность векторов
                      # 上下文窗口 / Окно контекста
    window=5.
    min_count=1 # 最小词频 / Минимальная частота слова
def get_sentence_embedding(sentence):
    """生成句子向量 / Генерация векторного представления предложения"""
    word\_vectors = [w2v\_model.wv[word] \ for \ word \ in \ sentence.split() \ if \ word \ in \ w2v\_model.wv]
    return np.mean(word_vectors, axis=0) if word_vectors else np.zeros(w2v_model.vector_size)
# 应用向量化 / Применение векторизации
full\_df\_filtered['report'] = full\_df\_filtered['report'].apply(lambda x: get\_sentence\_embedding(x).mean())
# 5. 数据分析与可视化 / Анализ и визуализация данных
# 箱线图分析 / Анализ ящичковыми диаграммами
```

```
plt.figure(figsize=(15,8))
sns.boxplot(data=table\_data, \ x='Healthy\_Status', \ y='rr\_interval')
plt.title \mbox{('Pacnpegenetiae RR-интервала по состоянию здоровья / RR Interval Distribution by Health Status')} \label{eq:plt.title}
# 主成分分析(РСА) / Анализ главных компонент
pca = PCA(n_components=2)
x\_pca = pca.fit\_transform(StandardScaler().fit\_transform(table\_data\_pca))
plt.scatter(x\_pca[:,0], x\_pca[:,1], c=full\_df\_filtered['Healthy\_Status'], cmap='viridis')
# 6. 机器学习建模 / Построение МL-моделей
# 数据分割 / Разделение данных
X\_train, X\_test, y\_train, y\_test = train\_test\_split(
    table_data.drop('Healthy_Status', axis=1),
    table_data['Healthy_Status'],
    test size=0.3.
    stratify=table_data['Healthy_Status'] # 分层抽样 / Стратифицированная выборка
)
# 高斯朴素贝叶斯模型 / Модель наивного Байеса
gnb = GaussianNB()
gnb.fit(X\_train, y\_train)
y_pred = gnb.predict(X_test)
# 模型评估 / Оценка модели
print(f"Accuracy: {accuracy_score(y_test, y_pred):.2%}")
print(classification\_report(y\_test,\,y\_pred))
#7. AutoML 集成 / Интеграция AutoML
# H2O AutoML 示例 / Пример с H2O AutoML
autom1 = H2OAutoML(max runtime secs=60)
automl.train(x=x, y=y, training_frame=train)
# AutoGluon 示例 / Пример с AutoGluon
predictor = Tabular Predictor (label='Healthy\_Status'). fit(train\_data=auto\_train\_df)
#8. 高级分析 / Продвинутый анализ
# t-SNE 可视化 / Визуализация t-SNE
tsne = TSNE(n_components=2, perplexity=30)
```

 $tsne_results = tsne.fit_transform(scaled_data)$

 $sns.scatterplot(x = tsne_results[:,0], y = tsne_results[:,1], hue = full_df_filtered['Healthy_Status'])$