

☰

haruosuz / bioinfo

<> Code Issues Pull requests Actions Projects Wiki

🔍 📧 👤

⋮

📄 master bioinfo / 2023 / CaseStudy.md 📄

🔍 Go to file t ⋮

👤 haruosuz update 2023/CaseStudy.md now 🗨️ ⌚

48 lines (34 loc) · 1.89 KB

Preview Code Blame

Raw 📄 ⬇️ ✎ ⌵ ⋮

2023-11-16 🔗

<https://biosciencedbc.jp/event/ajacs/ajacs99.html>

オンラインで使える統計解析ツールを知って・学んで・使う (AJACSオンライン18)

14:50~15:50 Posit Cloud (旧: RStudio) を用いて生物配列データ解析に取り組む

この講義では、Posit Cloud (旧: RStudio) を利用してバイオインフォマティクスに取り組みます。具体的には、SeqinR パッケージなどを使用し、生物のゲノム・遺伝子 (核酸塩基)・タンパク質 (アミノ酸) の配列データ解析を学びます。

preparation 🔗

準備

Posit Cloud の無料アカウントを作成する。

参考: "RStudio Cloud を使ってウェブブラウザ上でR(Studio)を利用する" <https://doi.org/10.7875/togotv.2021.022>

exercise 🔗

演習

<https://posit.cloud/content/7010996> プロジェクトにアクセスする。「Save a Permanent Copy」ボタンを押して、自分用にプロジェクトのコピーを保存する。

参考: <https://posit.cloud/learn/guide>

TEMPORARY COPY

RAM

+

 Save a Permanent Copy

👉

Rスクリプトを開く。

- my_0_setup.R
- my_seqinr_dna.R
- my_seqinr_dotplot.R

コマンドを実行するには

- "Run"コマンドを使用する。
- キーボード・ショートカット Cmd/Ctrl + Enter を押す。
- ["Compile Report"コマンドを使用する。](#)

参考: [実験医学増刊: バイオDBとウェブツール ラボで使える最新70選〜知る・学ぶ・使う、バイオDX時代の羅針盤 - 羊土社 | 小野浩雅 / 編 | 第1章 研究を効率化する汎用ツール | 6. RStudio Cloud ― オンラインでデータサイエンスを行い、共有し、教え、学ぶ【鈴木治夫】](#)