

DBCCLSのサービス紹介 使い方紹介

ライフサイエンス統合データベースセンター
特任准教授
川本祥子

ライフサイエンス統合データベースセンター



大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構

ライフサイエンス統合データベースセンター



ENGLISH

Home

センターについて

組織

スタッフ

研究成果

交通案内

よくある質問

お問い合わせ



韓国KISTIと研究協力に関するMOUを締結

2012年2月16日に掲載

情報・システム機構 (ROIS) と、韓国科学技術情報研究院 (KISTI: Korea Institute of Science & Technology Information) は、研究協力に関する覚書 (MOU [...])

[続きを読む »](#)

Recent Posts

- 目 「統合データベース講演会: AJACS本郷12 (第三回統合牧場収穫祭)」を開催いたします
- 目 統合データベース講習会: AJACS本郷11開催のお知らせ-2012年3月2日-
- 目 情報とシステム2011シンポジウム(2月15日)のお知らせ
- 目 統合データベース講習会: AJACS本郷10開催のお知らせ-2012年2月10日-

Search



Links

- [統合ホームページ](#)
- [DBCLS on USTREAM](#)

大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構
ライフサイエンス統合データベースセンター

〒113-8629

文科省：統合データベースプロジェクト H19~H22

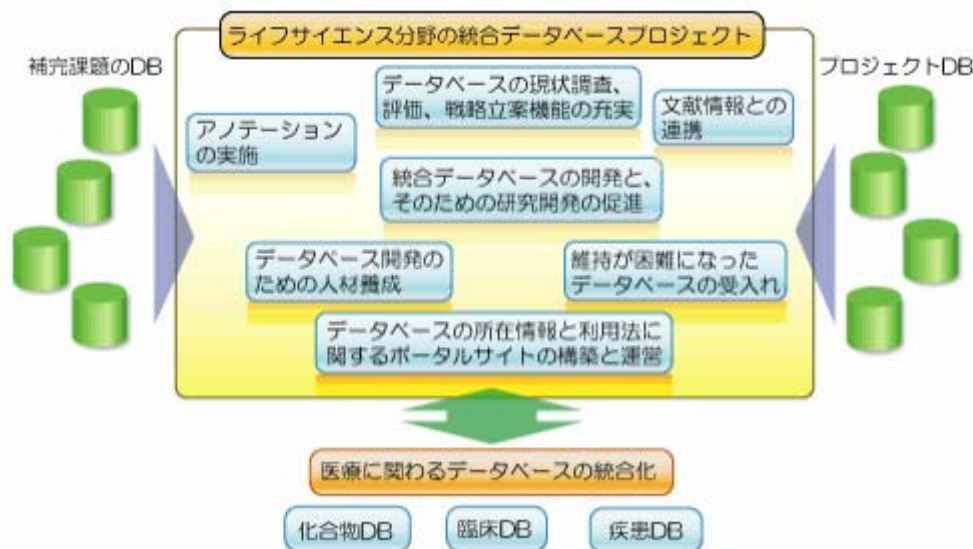
文科省統合データベースプロジェクト ライフサイエンス分野の 統合データベース整備事業

文部科学省統合データベースプロジェクトは平成22年度で終了いたしました。

統合データベースプロジェクトの概要

公開サービスは[統合ホームページ](#)をご覧ください。

◎ [事業概要](#) ◎ [プロジェクトの進展（成果）](#)



検索

文字サイズ 大きく 小さく 印刷

◎ ホーム

◎ 事業概要

◎ 実施体制

◎ 成果

◎ 評価

◎ 統合DB関連事業

◎ 用語解説

研究参画機関へのリンク

- ◎ [中核機関](#)
 - > [情報・システム研究機構（ライフサイエンス統合データベースセンター）](#)
- ◎ [補充課題を実施する機関](#)
 - > [理化学研究所](#)
 - > [産業技術総合研究所](#)
 - > [国立遺伝学研究所](#)
 - > [九州工業大学](#)

◎ [分担機関](#)

NBDC:ライフサイエンスデータベース統合推進事業

NBDC バイオサイエンスデータベースセンター
National Bioscience Database Center

English | サイトマップ | サイト内検索

ホーム | NBDCについて | 研究開発プログラム | 公募情報 | 採用情報 | 広報 | お問い合わせ先 | リンク

▶プログラム概要

- ▶基盤技術開発プログラム
- ▶統合化推進プログラム
- ▶研究アドバイザー
- ▶委託研究開発契約書・事務処理説明書

■プログラム概要

ライフサイエンスデータベース統合推進事業では、データベースの統合化に向け、『基盤技術開発プログラム』と『統合化推進プログラム』の2つのプログラムを実施しています。

●基盤技術開発プログラム

研究総括 : 長洲 毅志 (エーザイ 株式会社 理事・CSO付 担当部長)
研究開発期間 : 3年間
研究開発開始 : 2011年4月

※概要欄の「発表資料」をクリックするとキックオフミーティングの資料を閲覧できます。

研究開発課題名	データベース統合に関わる基盤技術開発
研究代表者	米澤 明憲
所属・役職	情報・システム研究機構 ライフサイエンス統合データベースセンター センター長

統合化推進プログラムとの連携

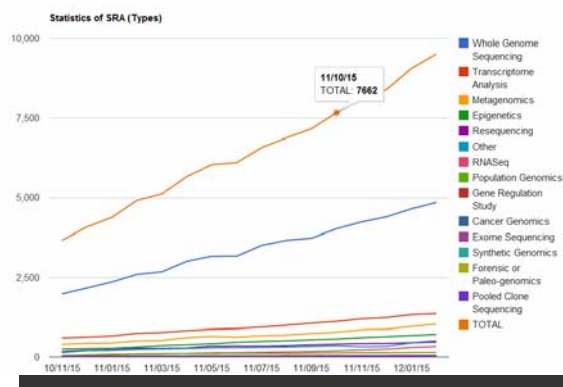


オントロジー

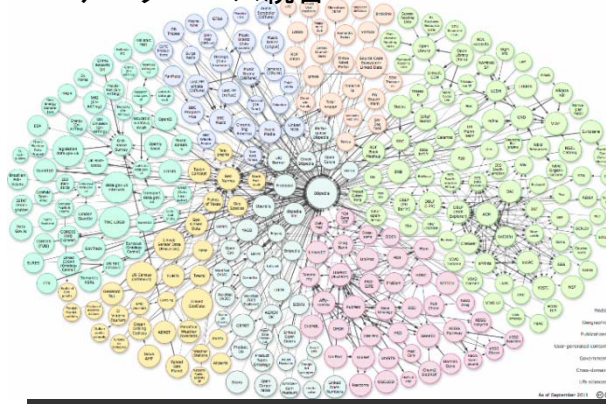
自然言語処理技術の開発

アノテーションキュレーション技術の開発

大規模データの利用技術開発



セマンティックウェブ技術によるデータベース統合



Allie



生命科学文献知識の活用技術開発

特色あるコンテンツ開発

Anatomography BodyParts3D

使い倒し系チャンネル

統合TV

LSDB 統合ホームページ <http://lifesciencedb.jp/>



文部科学省委託研究開発事業
統合データベースプロジェクト

Guest Account | アカウント | ログイン | English

ホーム DBカタログ 横断検索 ツール ダウンロード About us

統合ホームページへようこそ

送信

はじめての方へ: サイトの内容をムービー やリーフレット でご紹介しています。
お知らせ 一部のサービスがJSTバイオサイエンスデータベースセンターに移動しましたー



ポータル

[Integbioデータベースカタログ8版 new!](#)

[\(旧\)生命科学系 データベース カタログ](#)

[生命科学系 学協会カタログ](#)

[生命科学系主要プロジェクト一覧](#)

[生物アイコン](#)

[ライフサイエンス 新着論文レビュー](#)

[WingPro \(JSTのDBポータル\)](#)

[Webリソースポータルサイト \(JST解析ツールポータル\)](#)



アーカイブ

[生命科学系データベースアーカイブ](#)

[DDBJトレースアーカイブ \(遺伝研 DDBJ\)](#)

[DDBJリードアーカイブ \(遺伝研 DDBJ\)](#)



ツール & 解析サービス

[BodyParts3D/Anatomography](#)

[Wired-Marker](#)

[MiGAP \(微生物ゲノムアノテーションパイプライン\)](#)

[DBCLS Galaxy](#)

[TogoDoc \(文献情報管理・推薦システム\)](#)



検索

[生命科学データベース横断検索](#)

[蛋白質核酸酵素 全文検索](#)

[文科省「ゲノム」研究報告書 全文検索](#)

[TogoProt \(蛋白質関連データベース統合検索\)](#)

[QReFil \(オンラインリソースファインダー\)](#)

[Allie \(略語の正式名称を検索\)](#)

[inMeXes \(文献中の英語表現を軽快に検索\)](#)

[医学・薬学予稿集全文データベース検索](#)



基盤技術開発

[TogoDB \(誰でもデータベースが構築できる\)](#)

[TogoWS \(ウェブサービスの標準化\)](#)

[OpenID 認証システム](#)

[統合DB情報基盤サイト \(CBRC\)](#)

[辞書の構築と公開](#)

[LSDB Lab](#)

新着情報

▶ [韓国KISTIと研究協力に関するMOUを締結](#)
2012-02-16 (Thu) 01:14:08

▶ [「統合データベース講演会: AJACS本郷12 \(第三回統合牧場取巻祭\)」を開催いたします](#)
2012-02-13 (Mon) 07:57:11

▶ [統合データベース講演会: AJACS本郷11開催のお知らせ-2012年3月2日-](#) 2012-02-07 (Tue) 02:30:18

LSDBブログ

▶ [【ゲノムリテラシー講座】バイオインフォマティクス技術者認定試験・情報学分野の解説\(講義3\)](#) 2012-03-01 (Thu) 18:00:26

▶ [【ゲノムリテラシー講座】バイオインフォマティクス技術者認定試験・情報学分野の解説\(講義2\)](#) 2012-03-01 (Thu) 18:00:08

▶ [【ゲノムリテラシー講座】バイオインフォマティクス技術者認定試験・情報学分野の解説\(講義1\)](#) 2012-03-01 (Thu) 17:59:45

バナーリンク



Anatomography
BodyParts3D
BodyParts3D/Anatomography
使い倒し系チャンネル
統合TV
統合TV



LSDBのサービス説明を始めます.

下記いずれかの方法でブラウザの準備をお願いします.

- <http://lifesciencedb.jp/> とタイプ
- Google検索を利用
 - 統合データベース
 - LSDB
 - DBCLS
- 講習用Macのお気に入りから

[illegible]

FIRST AUTHOR'S

糖新生経路ではたらく酵素フルクトース-1,6-ビスリン酸アルドラーゼ/ホスファターゼは“変形”して2つの反応を触媒する

2011年10月10日

西増弘志¹・伏信進矢²・若木高壽²

¹東京大学大学院理学系研究科 生物化学専攻、²東京大学大学院農学生命科学研究科 応用生命工学専攻)

email：西増弘志、伏信進矢、若木高壽

Structural basis for the bifunctionality of fructose 1,6-bisphosphate aldolase/phosphatase.

Shinya Fushinobu, Hiroaki Nishimatsu, Daisuke Hamori, Hyun-Jin Song, Takayoshi Wakagi
Nature, 478, 538-541 (2011)

要約

古細菌や好熱性細菌に存在するフルクトース-1,6-ビスリン酸アルドラーゼ/ホスファターゼは、ジヒドロキシアセトンリン酸とグリセルアルデヒド3-リン酸からフルクトース1,6-ビスリン酸へのアルドラーゼ縮合反応、および、フルクトース1,6-ビスリン酸からフルクトース6-リン酸への脱リン酸化反応、という糖新生経路における2つの異なる化学反応を触媒する。今回、筆者らは、フルクトー

このサイトについて

トップジャーナルに掲載された日本人を著者とする生命科学分野の論文について、論文の著者自身の執筆による日本語のレビューを、だれでも自由に閲覧・利用できるよう、「いち早く公開します。くわしくは、「新着論文レビュー」とはをご覧ください。

統合TVにて解説動画を公開しました。

FOLLOW ME ON [twitter](#)





























最近の記事

- ▶ 成人T細胞白血病から明らかになった新たなクロストロム経路の異常

TOGO PICTURE GALLERY

動物画・クレジット TOGO PICTURE GALLERYとは RSS FEED

会 モデル生物 実験器具 実験装置 様式図 次世代シーケンサー 細胞 組織画像

						
						
	 染色体					
						

DBやツールを使いこなそう：統合TV

☁ [winxp][IE7][塩基配列][設計ツール] Primer3でPCR用のプライマーを設計する。

Primer3はPCR用のプライマーを設計するためのツールです。PCR実験成功の可否は、プライマー設計によるところが大きいですが、本ツールはWebブラウザ上で、実験条件に合った様々なパラメータを考慮しながらプライマー設計を行うことが可能です。

ここでは例としてヒトの脂肪代謝遺伝子peroxisome proliferator-activated receptor(PPAR) gammaの塩基配列をサンプル配列として、設定可能なパラメータ項目の説明を交えながらPrimer3の使い方を説明します。

画像をクリックすると2011年作成の最新版が再生されます。



- 統合TVは、生命科学分野の有用なデータベースやウェブツールの活用法を動画で紹介するウェブサイトです
- 2007年の開始から通算で564動画を制作公開しました
- 統合プロジェクトの講演動画、講習会動画もここから公開されています
- DBCLSのリサーチアシスタントが非常に大きな戦力です

3月16日 AJACS本郷12（第三回統合牧場収穫祭）

AJACS30

☁ 統合データベース講演会: AJACS本郷12（第三回統合牧場収穫祭）

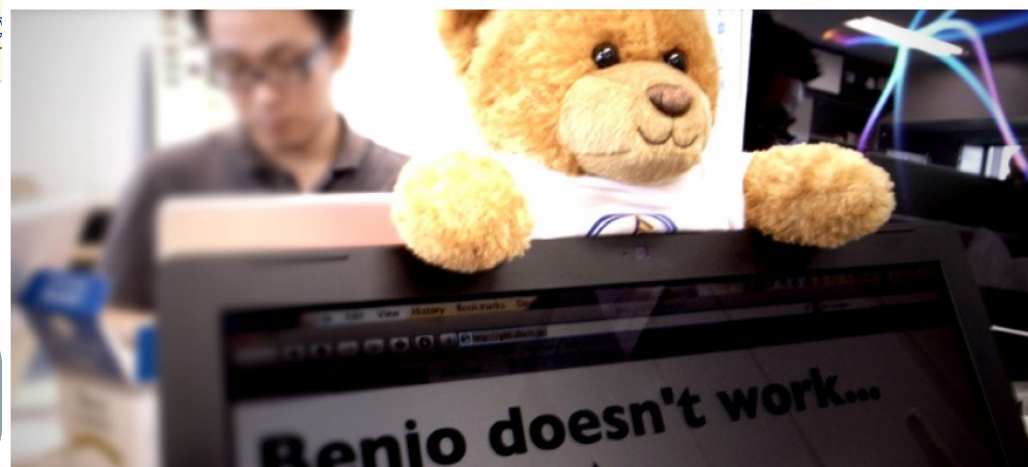
東京大学本郷キャンパス内の工学部12号館4,5階に間借りして活動を行なっているライフサイエンス統合データベースセンター(DBCLS: Database Center for Life Science)は2007年4月にできた国の研究所です。2010年度まで文部科学省による統合データベースプロジェクトの中核機関としてライフサイエンス分野のデータベースを効率よく利用するためのインフラを整えることを行って参りました(詳しくは統合TVから公開しております「DBCLSサービス、講演・講習動画」などを御覧下さい)。

今回の講演会は、DBCLSにResearch Assistant(以下RA)としてアルバイトしてくれている大学生・大学院生の皆さんがどのようにライフサイエンス分野のデータベース統合化に関わり、その分野のコンテンツ構築・維持・管理に貢献しているかを、実際に働いているRAさんたちの発表を中心に理解を深めていただくことを目的としています。RAさん

posts comments

お知らせ:
DBCLSではRA(Research Assistant)としてアルバイトしてくれる方を詳しくはtwitterで@bonohu宛にかいッシュタグ#ogofarmを付けて下記の問い合わせアドレスに電子メールでご連絡ください!

統合牧場 pilot farm : the next generation research team of the life science.



牧場アクティビティ 統合牧場について 牧場名産品 部署一覧 関連 website 牧場OB/OG 統合牧場中央倉庫

牧場アクティビティ

latest information

AJACS本郷8 "第二回 統合牧場収穫祭"

BMB2010



DBCLSのRAとしてアルバイトすることと生命科学に興味のある方。主に生命科学系の学部生、大学院生を対象に開催します

生命科学のデータベースの歴史

アミノ酸配列データベース

- 1968年 デイホフAtlas of Protein Sequence and Structure
- 1980年 NBRFデータベース
- 1984年 PIR (Protein Identification Resource) データベース

塩基配列データベース

- 1982年 米国DNAデータベース GenBank ロスアラモス国立研究所
- 1982年 欧州EMBL データベース 欧州分子生物學研究所
- 1984年 日本DDBJ(DNA Data Bank of Japan) 遺傳學研究所
- 1992年 GenBank ロスアラモスから NCBI へ移管
- 1994年 EMBL 本部から英国の EBI へ移転

立体構造データベース

- 1971年 Protein Data Bank (PDB)米国ブルックヘブン国立研究所
- 1999年 PDB Research Collaboratory for Structural Bioinformatics (RCSB) に移管

文献データベース

- 1879年 Index Medicus創刊
- 1926年 Biological Abstracts 米国フィラデルフィアの非営利組織 BIOSIS
- 1907年 Chemical Abstracts 米国化学会
- 1971年 MEDLINE オンラインサービス
- 1996年 PubMed公開

現在はより多様で複雑, 全てを使いこなすことは困難に

代表的な生命科学関係のデータベース

データベースの内容	データベース例
DNA塩基配列	GenBank, EMBL, DDBJ, UCSC
アミノ酸配列	Swiss-Prot, PIR, UniProt
タンパク質立体構造	PDB, SCOP, CATH
アミノ酸配列ドメイン	Pfam
アミノ酸配列モチーフ	PROSITE, BLOCKS
パスウェイ	KEGG, Reactome
遺伝病	OMIM
文献	MEDLINE
遺伝子発現	GEO

まとめサイト: 統合TV Curated から必要なDBを探す

やツール

TOGO TV CURATED

統合TV Curated: 生命科学使い倒し系チャンネル 統合TVまとめサイト

はじめての方へ 番組ランキング ほかの 便利な 方法 よくある質問 スタッフ お問い合わせ

目的別に検索！

- 番組一覧からキーワード検索
- ゲノム・核酸配列解析
- タンパク質配列・構造解析
- 発現制御解析

検索: 10 エントリを表示

番組ID	作成日	番組名	番組の説明文
564	2012-02-27	NCBI GEOの使い方4~データセットブラウザの使い方2~ 2012	NCBI GEOはNCBIが提供・維持管理している遺伝子発現情報のデータベースです。今回はGEOの使い方第4弾として、データセットブラウザ (Dataset browser) からダウンロードできるファイルの説明や、発現に有意な変化のある遺伝子を探すツール、各サンプルの発現量の分布を見るツールなどの説明をしています。
563	2012-02-21	統合TVの作り方 in Camtasia Studio7 ~編集編~	今回の番組では、統合TVがどのようにして作られているかを紹介いたします。今回は、Camtasia Studio (カムタシアスタジオ7) を用いた制作場面の中で、動画の編集作業についてお送りします。動画の撮影編はこちらです。さああなたも統合TVを作ってみませんか！？

統合TVイチオシ！

PCRプライマー設計ツール Primer3の使い方

最近話題の番組

twitter

bonohu: RT @_shk_ この動画を待っていたのだ DBCLSの活動の紹介 <http://t.co/BsuGKz03> #togotv 3 hours ago from Silver Bird

kristall36: RT @togotv:

統合TV活用例：

研究対象の生物種の配列を他の生物種のゲノムに対して網羅的に相同性検索したい

[統合TVCurated](#) > [ゲノム, 核酸配列・構造解析](#) > [自分のマシンでBLAST検索をする](#)

番組タイトル	概要	作成日
Local BLAST の使い方～導入・準備編（MacOSX版）～ 2011	BLASTプログラムのインストールおよび検索用データベース作成（MacOSX版）	2011.6.8
Local BLAST の使い方～検索実行・オプション編（MacOSX版）～ 2011	BLAST検索の実行方法および検索結果の絞込みと表示形式の変更（MacOSX版）	2011.4.20
Local BLAST の使い方～導入・準備編～ 2011	BLASTプログラムのインストールおよび検索用データベース作成（Windows版）	2011.1.19
Local BLAST の使い方～検索実行・オプション編～ 2011	BLAST検索の実行方法および検索結果の絞込みと表示形式の変更（Windows版）	2011.2.25

統合TV活用例：DBから特定の遺伝子を探す

- ゲノム, 核酸配列・構造解析 > 塩基配列やIDを取得したい

番組タイトル	概要	作成日
KazusaMart を使い倒す～塩基配列を入手する～	シアノバクテリア由来塩基配列をまとめて取得	2010.2.5
UCSC Genome Browserの使い方 ～配列取得編	UCSCゲノムブラウザを用いて検索した遺伝子の詳細情報および塩基配列を取得	2009.12.17
biomart を使い倒す～遺伝子の上流配列を取得する～2011	目的遺伝子の上流配列から指定して塩基配列を取得	2011.5.27
Ensembl tips ～配列を取得する～ 2011	ウェブ上での塩基配列取得	2011.4.13
ESTデータベース Entrez Unigeneを使い倒す 2011	EST配列の取得	2011.3.2
BLAST 検索でヒットしたエントリ群のmulti fastaファイルを取得する	BLASTの問い合わせ配列と類似性のある配列群をまとめて取得	2007.9.26
遺伝子のRefSeq IDを調べる 2011	目的遺伝子のRefSeq ID取得	2011.2.18
BioMart を用いて Affymetrix と Agilent のマイクロアレイのプローブ ID 対応表を作成する 2011	BioMart を用いてAffymetrix と Agilent のプローブ ID 対応表を作成する	2011.2.24
BioMartを使ってさまざまなIDの変換対応表を作成する	BioMartを使ってさまざまなIDの対応表を作成する	2011.9.27

実験する人に便利なサービス : GGRNA



[Help](#) | [Advanced search](#) | [English](#)

 Homo sapiens (human) ▼

遺伝子をGoogleのように検索できるサイトです。

検索例:

- [「homeobox」「claudin」](#)..... フリーワード検索
- [「RNA interference」](#)..... ダブルクオートで囲ってフレーズ検索
- [「RNase "PAZ domain"」](#)..... RNase かつ "PAZ domain" のAND検索
- [「NM_001518」「10579」](#)..... RefSeq IDやGene IDなど各種IDから検索
- [「symbol:VIM」](#)..... 遺伝子名(symbolまたはsynonym)から検索
- [「ref:Naito」](#)..... 文献情報のなかからフリーワード検索
- [「1552311 a at」](#)..... マイクロアレイのプローブIDから塩基配列を検索
- [「aa:KDEL」](#)..... アミノ酸配列を検索
- [「caagaagagattg」](#)..... 塩基配列を検索
- [「seq2:caagaagagattg」](#)..... 2ミスマッチまで許容して塩基配列を検索
- [「comp:caagaagagattg」](#)..... 相補鎖を検索
- [「jub:aggtcannntgacct」](#)..... N, R, Y 等のあいまいな塩基を含む塩基配列を検索
- [詳細な使い方](#)

新着情報:

- 2012-01-13 データベースをRefSeq rel. 51 (Jan, 2012)に更新。
- 2011-11-17 [Advanced search](#) を公開。検索条件を細かく指定できます。
- 2011-11-11 データベースをRefSeq rel. 50 (Nov, 2011)に更新。
- 2011-09-20 ホヤを追加しました。
- 2011-09-16 外部DBと連携、[Gene Ontology](#)や酵素EC番号で検索可能に (ブログ)
- 2011-08-09 [「GGRNA活用事例集\(アミノ酸配列編\)」](#) (ブログ)
- 2011-08-05 [「GGRNA活用事例集\(塩基配列編\)」](#) (ブログ)
- [過去の新着情報](#)

エクセルのデータを
たった5分でDB化
ウェブで公開できる
サービスです

- 1**
Public Databases
Login

DBCLS TogoDB database hosting service

Database Center for Linux ([DBCLS](#)) hosts your database in a public scientific archive.

Click to start

What is TogoDB?

TogoDB provides a simple and quality database service. User can deploy a database within a few minutes.

Quick start

TogoDB simply accepts formatted data which can be easily exported from standard spreadsheet applications.

 1. [Create your own OpenID](#) or use guest account (email)
 2. Login to the [TogoDB system](#).
 3. Upload your CSV data and follow the instruction (prepare file).
 4. Download the database and view its metadata.
 5. Make it public or privately invite your colleagues to complete your DB

That's it!

Features

In contrast to its simplicity, TogoDB comes with remarkable features which many life science databases often lack:

 - Highly configurable options including XML/CSV/Javascript codes
 - All databases can be queried by CQL, SQL and ad hoc queries with semantic awareness
 - Built-in advanced search engine including keyword ranges and regular expression targeting data effectively
 - Comprehensive reports are released at arbitrary intervals for large number of experiments
 - Quicklook-like interface offers ultrafast browsing experience throughout large number of entries
 - You can also embed your database into any web page via [JSP/ASP API](#)

- 4**

Create database

Database name Upload Header line Columns Import data

Treat the first line as column names?

If the first line of your data contains a table header,

Yes

org	tax_id	kingdom	organism	genome_size	protein_genes	rna_genes	data_source	project_id
hin	71421	Bacteria	Influenzae Rt KV20 (serotype d)	1830138	1657	81	RefSeq	57771
mge	243273	Bacteria	Mycoplasma genitalium G-37	580076	475	39	RefSeq	57707

- 5**

Create database

Database name | Upload | Header line | **Columns** | Import data

Confirm the suggested column types

Enable	Column name	Column label	Column type	Size
<input checked="" type="checkbox"/>	org	org	String (<=256 chars)	11n
<input checked="" type="checkbox"/>	tax_id	tax_id	Integer (<=11 digits)	71421
<input checked="" type="checkbox"/>	kingdom	kingdom	Categorical data	Bacteria
<input checked="" type="checkbox"/>	organism	organism	String (<=256 chars)	Haemophilus
<input checked="" type="checkbox"/>	genome_size	genome_size	Integer (<=11 digits)	1830138
<input checked="" type="checkbox"/>	protein_genes	protein_genes	Integer (<=11 digits)	1657

- 6 Create database
- 
- Database name Upload Header line Columns Import data
- Importing data ... done 100%
- Data import has been successfully completed. Config Loading will be automatic

- | Guest genome | | | | | |
|----------------------|------|--------|-----------|---|-------------|
| Entry | Strg | No. of | Accession | Genome | Genome size |
| Show | 184 | 7421 | Bacteria | <i>Haemophilus influenzae</i> Rd (K102 isolate) (E) | 1801139 |
| Show | 184 | 243271 | Bacteria | <i>Mycobacterium genitalium</i> G-37 | 950176 |
| Show | 184 | 243232 | Archaea | <i>Methanocaldococcus jannaschii</i> DSM 2661 (Methanocaldococcus p | 1739927 |
| Show | 184 | 1148 | Bacteria | <i>Synchromyces</i> sp. PCC-6953 | 3847919 |
| Show | 184 | 559292 | Eukaryota | <i>Saccharomyces cerevisiae</i> S288C | 12157105 |
| Show | 184 | 272024 | Bacteria | <i>Mycobacterium avium</i> H3728 | 816204 |
| Show | 184 | 511445 | Bacteria | <i>Escherichia coli</i> O157:H7 (EHEC) | 4252471 |
| Show | 184 | 85942 | Bacteria | <i>Helicobacter pylori</i> 26895 | 1667807 |
| Show | 184 | 159129 | Archaea | <i>Methanohalobacter thermophilus</i> DSM 16181 | 1751377 |
| Show | 184 | 230309 | Bacteria | <i>Bacillus subtilis</i> 168 | 4216066 |
| Show | 184 | 234205 | Archaea | <i>Archaeoglobus fulgidus</i> DSM 4304 (A.16.16) | 2178403 |
| Show | 184 | 224208 | Bacteria | <i>Bordetella pertussis</i> 33261 | 1516888 |
| Show | 184 | 234204 | Bacteria | <i>Agrobacterium tumefaciens</i> C58 | 1558274 |
| Show | 184 | 75881 | Archaea | <i>Pyrococcus horikoshii</i> OT3 | 1732005 |
| Show | 184 | 83332 | Bacteria | <i>Mycobacterium tuberculosis</i> H37Rv, laboratory strain | 4411532 |

TogoDoc/TogoDocClient

- 生命科学分野の書誌情報を論文(PDF)を管理するためのサービスとツール

TogoDoc by DBCLS

あなたのID: <http://openid.dbcls.jp/user/shoko>

[ヘルプ](#) | [ログアウト](#)

保存されているPDFファイルの総容量: 0.00 MB (Max: 7 GBytes)

[文書の登録](#) | [登録文書の操作](#) | [お薦めタグの取得](#)

Menu

タグ

☐ cell-differentiation
☐ epithelial-cells
☐ flu
☐ h5n1-subtype-influenza-a-virus
☐ host-pathogen-interactions
☐ human-influenza
☐ influenza-in-birds
☐ stem-cells
☐ wnt-signaling-pathway

絞り込み
解除
タグ削除

新規タグ作成
Alpha-numeric, dash(-), underscore(_), or comma

作成

チェックした項目に対する操作:

全 105 件
(1 - 100)
«PREV | NEXT»

全ての項目を選択 | 全ての選択を解除
Ratingの反映

Check	Rating	TITLE (Click to read a full-text)	PDATE	UPDATED	PDF
<input type="checkbox"/>	1	(●) WNT5A is induced by inflammatory mediators in bone marrow stromal cells and regulates cytokine and chemokine production.	2011 Dec 14	2012.03.02	<input type="button" value="ファイルを選択"/> 選択されていません
<input type="checkbox"/>	1	(●) WNT5A signaling contributes to A946-induced neuroinflammation and neurotoxicity.	2011	2012.03.02	<input type="button" value="ファイルを選択"/> 選択されていません
<input type="checkbox"/>	1	(●) Wnt signaling in the murine diastema.	2011 May 03	2012.03.02	<input type="button" value="ファイルを選択"/> 選択されていません
<input type="checkbox"/>	1	(●) Deficiency of Porcupine, an O-acyltransferase gene, impairs convergent extension during gastrulation in zebrafish embryos and does not affect equivalently the trafficking of different Wnt proteins.	2012 Feb 24	2012.03.02	<input type="button" value="ファイルを選択"/> 選択されていません
<input type="checkbox"/>	1	(●) Lzts2 regulates embryonic cell movements and dorsoventral patterning through interaction with and export of nuclear 946-catenin in zebrafish.	2011 Dec 30	2012.03.02	<input type="button" value="ファイルを選択"/> 選択されていません
<input type="checkbox"/>	1	(●) Promoter methylation analysis of WNT/946-catenin signaling pathway regulators to detect adenocarcinoma or its precursor lesion of the cervix.	2011 Oct	2012.03.02	<input type="button" value="ファイルを選択"/> 選択されていません
<input type="checkbox"/>	1	(●) Wnt5a-dopamine D2 receptor interactions regulate dopamine neuron development via extracellular signal-regulated kinase (ERK) activation.	2011 May 06	2012.03.02	<input type="button" value="ファイルを選択"/> 選択されていません
<input type="checkbox"/>	1	(●) Sustained Wnt/β-Catenin Signaling Rescues High Glucose Induction of Transforming Growth Factor-β1-Mediated Renal Fibrosis.	2012 Jan 25	2012.03.02	<input type="button" value="ファイルを選択"/> 選択されていません

TogoDocClient

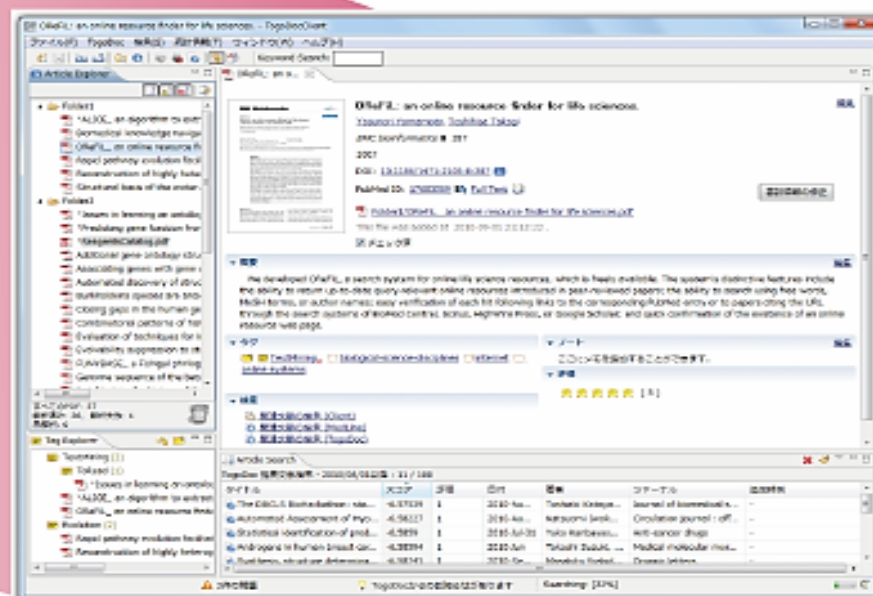
TogoDocClient: ユーザPCにインストール
<http://tdc.cb.k.u-tokyo.ac.jp/>

論文PDFをダウンロードして
保存するだけの自動文献管理

自動解析・書誌情報取得
自動ファイル名リネーム
タグ推薦

解析結果をもとに
最近PubMedに登録された
必読論文を自動推薦

連携



TogoDoc: ウェブブラウザでアクセス
<http://docman.dbcls.jp/>

どこからでも個人論文ライブラリにアクセス
PC間でのPDFファイルを含む同期



携帯端末からも
必読論文チェック

ライフサイエンスQAで質問する



[ログイン](#)
[概要](#)
[よくある質問](#)

[質問](#)
[タグ](#)
[ユーザー](#)
[バッジ](#)
[未回答](#)

☒ 質問
 ☐ タグ
 ☐ ユーザー

111 質問
 225 回答
 最近更新された質問

ただいまベータテスト運用中です。そのために通知無くコンテンツの変更やサービスの停止変更されることがあります。
 質問するならライフサイエンスQA。
 このページのRSSフィード
[@lsqa_all](#) · [@lsqa_ngs](#)

世界に広がるQAサイト
 バイオインフォマティクスの
 BioStar · 新型シーケンサーの
 SEQanswers · オープンデータの
 BlueObelisk · プログラミングの
 stackoverflow · Semantic
 Overflow · Statistical Analysis ·
 Theoretical Computer Science ·
 Yahoo!知恵袋 · OKWave などなど

0 投票
 0 回答
 103 閲覧

プロモーター関連転写因子の抽出
 tf プロモーター 転写因子 motif
 Feb 08 at 13:33 gatapishi 71

0 投票
 3 回答
 386 閲覧

miRNAのターゲット遺伝子の検索
 smallrna mirna
 Jan 30 at 10:42 nob_fj ♦ 338

0 投票
 0 回答
 110 閲覧

個体ごとのSNPsのコール
 snps
 Jan 24 at 11:18 kyoshita 1

1 投票
 1 回答
 262 閲覧

あるGEO SeriesがSuperSeriesか否かをGEOqueryで判別する方法
 bioconductor r geo
 Jan 17 at 21:31 dancing_infobio 13

0 投票
 2 回答
 488 閲覧

ハウスキーピング遺伝子の抽出
 ハウスキーピング遺伝子
 Jan 16 at 21:27 dancing_infobio 13

0 投票
 3 回答
 267 閲覧

異なる抗体を用いてChIP-seqで検出した、2群間のピーク差を検出するソフト
 findpeaks
 Jan 04 at 02:34 pon 1

0 投票
 3 回答
 277 閲覧

リシーケンスの配列作成について
 resequence
 Dec 27 '11 at 17:58 gaou ♦♦ 211

DBCCLSからの発表はこれで終了

ご静聴ありがとうございました



茶太郎先生