

2012年7月27日
統合データベース講習会：AJACS名古屋

NBDCの紹介とNBDCが提供するサービス

高祖 歩美
バイオサイエンスデータベースセンター (NBDC)



科学技術振興機構
Japan Science and Technology Agency

生命科学分野のDBに対する要望

1. どんなDBがどこ(URLは?)にあるのか?

欲しいデータは既に誰かが公開済み?



DBのカタログ

2. 複数のDB内を横断的に検索できないか?

1つ1つのDBを訪れて検索するのは手間かかる

日本語の関連文献も同時に検索したい



DBの一括検索

3. DB内でヒットしたエントリの周辺データも

取得できないか?

ヒットしなくとも関連するエントリがあるかもしれない

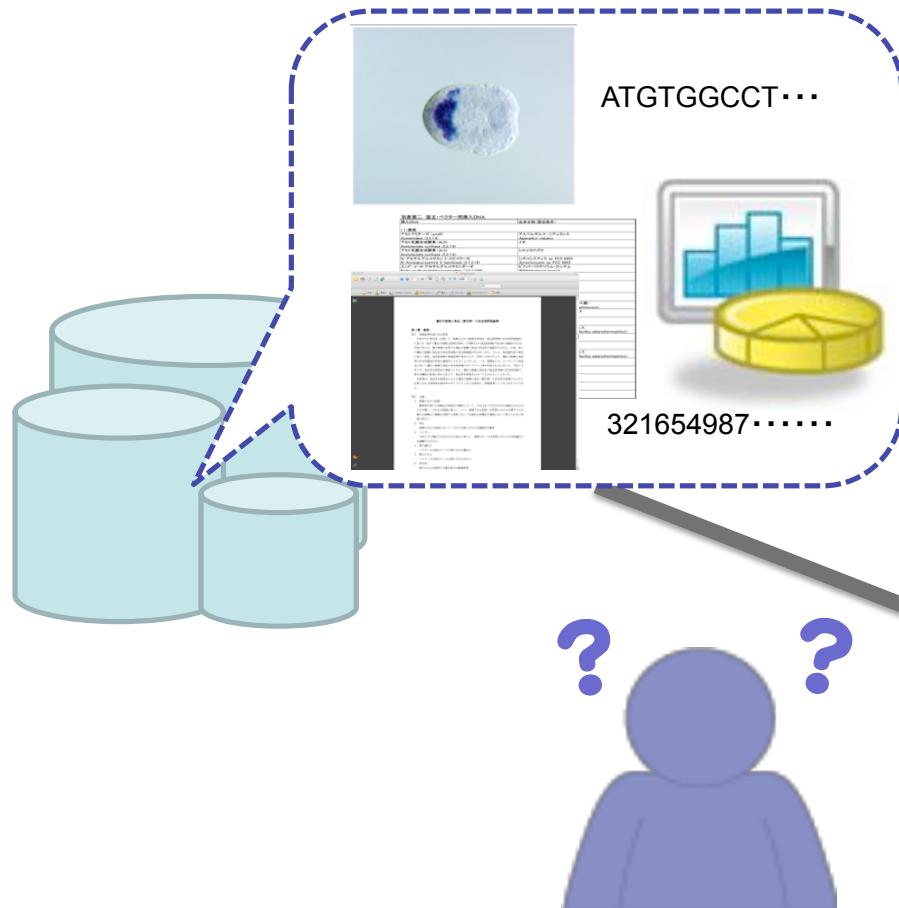
ない

手持ちのデータと組み合わせてみたい



データの一括
ダウンロード

データの利用

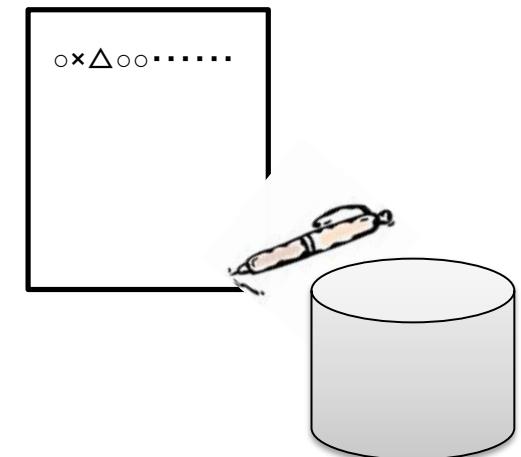


DBには多様な種類の
データが格納されている

数値、文字列、画像など

利用の条件もDBの管理者
によって異なる

利用者には利用の条件が
分かりづらい



クリエイティブ・コモンズ (CC)

再利用と共有を促進する仕組み

CCライセンスの種類

作品の利用（再配布やリミックス作品の公開、実演等）のための条件は4種類あります。



表示

作品のクレジットを表示すること



非営利

営利目的での利用をしないこと



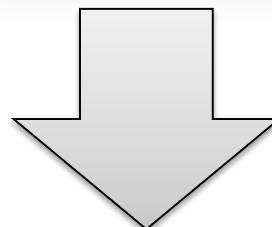
改变禁止

元の作品を改変しないこと



継承

元の作品と同じ組み合わせのCCライセンスで公開すること

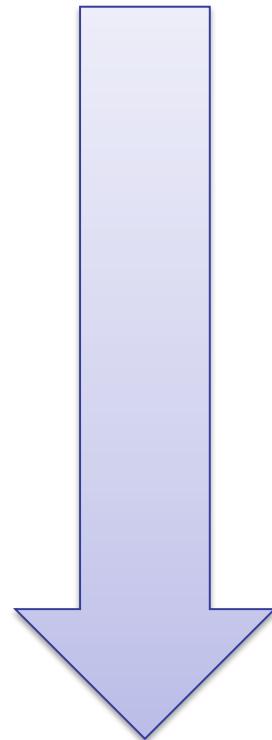


4種類のマークを組み合わせて6種類の利用条件を選択することができる



NBDCで使用しているCCライセンス

以下の条件で複製、再配布、改変、営利目的で利用可能



①CC表示-継承



作成者、URLなどのクレジットを表示すること
同じCC表示-継承で配布すること

②CC表示



作成者、URLなどのクレジットを表示すること

③CC0(ゼロ)



自由に利用可能

利用の自由度が
最も高い

NBDCのポータルサイト

- **30種類以上のサービス**
- **生命科学のDB関連**
- **登録不要**
- **無料**
- **どこからでも、誰でも**

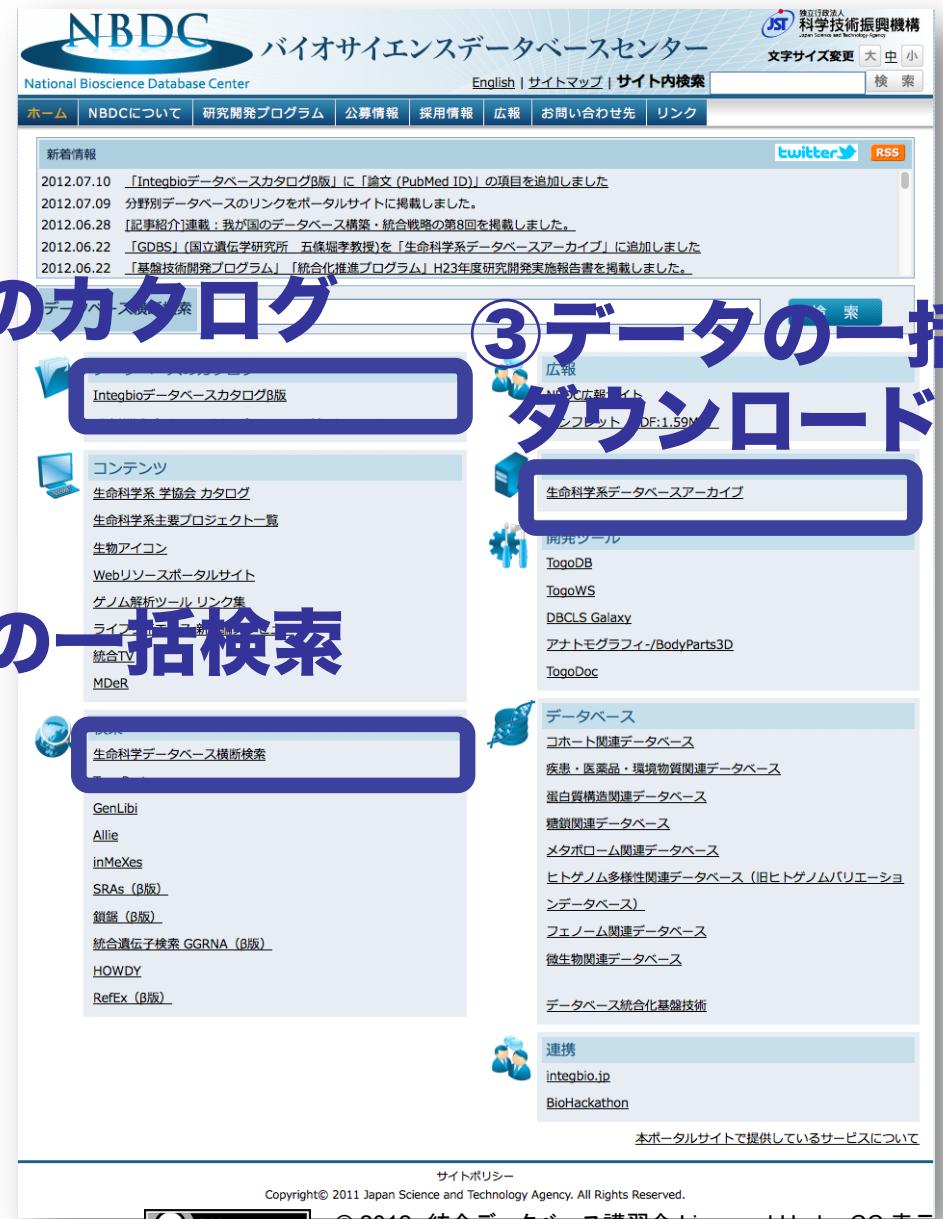
**ポータルサイトへは
「NBDC」で検索**

<http://biosciencedbc.jp/>

①DBのカタログ

②DBの一括検索

③データの一括 ダウンロード



The screenshot shows the NBDC Portal Site homepage with three main sections highlighted:

- ① DBのカタログ**: A section titled "Integbioデータベースカタログβ版" (Integbio Database Catalog Beta Version) featuring links to various databases like GenBank, Allie, and SRA.
- ② DBの一括検索**: A section titled "生命科学データベース横断検索" (Cross-database search for life science databases) featuring links to databases like GenLiber, Allie, and SRA.
- ③ データの一括ダウンロード**: A section titled "生命科学データベースアーカイブ" (Life science database archive) featuring links to databases like TogoDB, TogoWS, and DBCLS Galaxy.

Other visible sections include "New Information", "Research & Development Programs", "Public Information", "User Information", "Announcements", "RSS", and "Links". The footer includes copyright information and a Creative Commons license notice.

講習会の資料置き場

講習会ページへは 「AJACS名古屋」で 検索

AJACS32

○ 統合データベース講習会: AJACS名古屋

統合データベース講習会は、生命科学系のデータベースやツールの使い方、データベースを統合する活動を紹介する講習会です。

今回の講習会では、1日目は生命科学系データベースのカタログ、横断検索、アーカイブの使い方や生命科学系の主要なデータベース（DDBJ: DNA Data Bank of Japan、PDBj: Protein Data Bank Japan、KEGG: Kyoto Encyclopedia of Genes and Genomes）の使い方について、また、DRA/バイオライン、遺伝子発現データベースや解析ツールをご紹介します。2日目はコマンドラインから遺伝子配列を取得したり、解析する方法をご紹介します。参加者全員がハンズオンでコンピュータを使いながらの講習です。

対象

生命科学分野のデータベースを利用したい、研究に役立てたい方

日時

2012年7月27日（金）9:30～18:00、7月28日（土）9:00～12:00
※7月27日（金）のみでも参加可能です。

会場

7月27日：名古屋大学 工学部ES館 サテライトラボラトリーES031
7月28日：名古屋大学 工学部1号館141講義室 【アクセス】

定員

7月27日：60名、7月28日：10名程度

費用

無料

PC

7月27日：会場備え付けのPCを使用します。
7月28日：ご自身でPCをご用意ください（無線LAN使用、PCの管理者権限必須）。

申込

NBDCのサイト からお申し込みください

申込締切：7月17日(火)12:00まで ※定員超過の場合は抽選となります。

プログラム

○ 7月27日（金）

- 9:30～11:00 「NBDCの紹介とNBDCが提供するサービス」 高祖歩美 （バイオサイエンスデータベースセンター）
- 11:00～12:30 「主要なDB(DDBJ,PDBj,KEGG)の使い方」 川本祥子 （ライフサイエンス統合データベースセンター）
- 12:30～13:30 昼食
- 13:30～15:00 「DDBJバイオラインによる高速シーケンスデータ解析」 長崎英樹 （国立遺伝学研究所）
- 15:00～15:10 休憩
- 15:10～18:00 「遺伝子発現DB・解析ツールの紹介」 小野浩雅 （ライフサイエンス統合データベースセンター）

○ 7月28日（土）

- 9:00～12:00 「コマンドラインで遺伝子配列を解析する」 坊農秀雅 （ライフサイエンス統合データベースセンター）

13:30～15:00 「DDBJバイオラインによる高速シーケンスデータ解析」 長崎英樹 （国立遺伝学研究所）
15:00～15:10 休憩

統合データベース講習会

AJACS名古屋

日時：2012年7月27日(金) 9:30～18:00

7月28日(土) 9:00～12:00

※7月27日(金)のみでも参加可能です。

場所：名古屋大学

7月27日：工学部ES館 サテライトラボラトリーES031

7月28日：工学部1号館141講義室

定員：7月27日：60名、7月28日：10名程度

費用：無料（下記ページよりお申込みください。締切：7月17日(火)）

プログラム

7月27日(金)
9:30～11:00 DDDOの紹介とNBDCが提供するサービス」 高祖歩美 (NBDC)

11:00～12:30 「主要なDB(DDBJ,PDBj,KEGG)の使い方」 川本祥子 (NBDC)

12:30～13:30 昼食

13:30～15:00 「DDBJバイオラインによる高速シーケンスデータ解析」 長崎英樹 (国立遺伝学研究所)

15:00～15:10 休憩

15:10～18:00 「遺伝子発現DB・解析ツールの紹介」 小野浩雅 (NBDC)

7月28日(土)
9:00～12:00 「コマンドラインで遺伝子配列を解析する」 坊農秀雅 (NBDC)

主催：科学技術振興機構バイオサイエンスデータベースセンター (NBDC)

共催：情報システム研究機構 ライフサイエンス統合データベースセンター (NBDC)

共催：名古屋大学理学部生物化学科 化学生物工学科 生物機能工学科バイオアブリュー課

<http://events.biosciencedbc.jp/training/ajacs32>
(短縮URL: <http://bit.ly/AJACS32>)

Integbioデータベースカタログ

- **国内外の生命科学系DBの所在情報や説明情報を提供するカタログ**
収録DB数：約1200件（国内600件以上）
- **19項目の説明情報**
DB名、URL、DBの説明、運用機関名、稼働状況など
- **DBをキーワード検索や項目から探すことが可能**
項目の並べ替え機能、検索ボックス、表示項目の変更
- **説明情報がダウンロード可能**
複製、改変などが可能なCC0ライセンスで配布

Integbioデータベースカタログ



The screenshot shows the NBDC homepage with a banner for the 'Integbioデータベースカタログβ版'. Below the banner, there are sections for 'コンテンツ' (Content) listing various databases like TogoProt, GenLbi, Allie, etc., and '検索' (Search) listing search engines like SRA (β版), 銀盤 (β版), HOWDY, and RefEx (β版). To the right, there are sections for '広報' (Press), 'アーカイブ' (Archive), '開発ツール' (Development Tools), and 'データベース' (Database), each listing specific tools or databases.

http://togodb.dbcls.jp/integbio_dbcatalog

Integbioデータベースカタログ

全収録

DB名とURL

稼働状況

全項目表示

5'-end serial analysis of gene expression database	
データベースID	NBDC00003
データベース名称	5'-end serial analysis of gene expression database
略称	5'SAGE
URL	http://5sage.gi.k.u-tokyo.ac.jp/
稼働状況 (7/4)	稼働中
言語	en
運用機関ID	200905098372817456/0172122000
運用機関名	東京大学 大学院新領域創成科学研究科
運用機関所在国	Japan
生物種	Homo sapiens/9606
説明	<p>ヒト細胞株11ラインについて、5' SAGE法を用いて網羅的に遺伝子発現解析した結果を収録したデータベースです。ライン間の発現の違いが分かりやすく表示されます。</p> <p>オリジナルSAGE法は3'側の特定の断片を用いて遺伝子を特定するものであり、最長27bpの断片を用いることで発現遺伝子のゲノム上の位置を決定することができます。しかしながら5'端の情報は正確でないものが多く、遺伝子の機能を明らかにする上で問題になることがあります。こうした問題を克服し、さらに詳細な解析を行うため、転写開始点及び遺伝子発現頻度を観察できる5'-end SAGE (5'SAGE)法を開発しました。</p>
論文 (PubMed ID)	15300261;15608259
生命科学系データベースカタログへのリンク	http://biosciencedbc.jp/dbcatalog/dbcatalog.cgi?i=5'SAGE
WINGproへのリンク	http://wingpro.biosciencedbc.jp/dbwiki/index.php/5'SAGE
生命科学系データベースアーカイブへのリンク	-
MEDALSへのリンク	-
カタログデータ作成日	12/08/2011
カタログデータ最終更新日	07/10/2012

Integbioデータベースカタログ

検索ボックス

[Show Advanced Search](#)
1173 Found
データベース名称とURL

Displayed columns

- データベース名称とURL
 データベースID

データベース名

データベースID	データベース名	略称	URL	稼働状況(3/5)	言語	運用機関ID	運用機関名	生物種	説明
NBDC0024	Cell Line Catalog		http://www.idac.tohoku.ac.jp/dep/ccc/mokujii.html	休止	ja	200905022259711890/0132051000	東北大 加齋医・Japan	Homo sapiens/9606	東北大加齢医療研究所医療细胞資源センターは、東北大の学内で唯一の3'UTR (3'翻訳区間)は、タンパク質やマイクロRNAの小さな非コードRNAのデータベースです。イントロンを含む情報およびキューティカル、マイクロRNA結合サイトやpolyA付近の確定情報をはじめとする多様なデータベースのアソシエーションを収録されています。
NBDC01049	A.C.elegans 3'UTR Database	UTRome	http://128.122.61.5/cgi-bin/UTRome/utrome.cgi	休止	en	20110503831315864/10051736513	New York University United States	Caenorhabditis elegans	WormBaseやPicTarなど外部データベースとのアソシエーションを収録されています。
NBDC0070	Gene Diversity DataBase System	GDBS	http://gdb.iibm.ac.jp/gdbs/top.jsp	休止	ja	200905023758653873/A158004070	National University Singapore	Homo sapiens/9606	このデータベースは、基因の3'UTR構造を用いたリソースとして開発されたGDBSが、日本語のデータベースとして登場しました。
NBDC01016	Database of Eukaryotic Protein Encoding Genes (Xpro)	Xpro	http://gib.genex.nig.ac.jp/	休止	不明	200905059326281589/036000000	Baylor College of Medicine United States	Bacillus subtilis/1423	蛋白質のアミノ酸配列と、蛋白質の構造情報をまとめたデータベースで、認識モチーフやDN
NBDC0083	Genomic Information Broker	GIB	http://condor.bcm.tmc.edu/oncogene.html	休止	en	200905059326281589/036000000	Pola Bio-Informatique France	Streptomyces griseus	ACNUC sequence databaseを下地とした脊椎動物遺伝子のデータベースです。
NBDC01012	The Tumor Gene Database		http://gpb.univ-yvon1.fr/rubis/tsub.html	休止	en	200905059326281589/036000000	Pola Bio-Informatique France	ACNUC sequence databaseを下地とした脊椎動物遺伝子のデータベースです。	
NBDC0151	Non-redundant B. subtilis database	MRSSub	http://gpb.univ-yvon1.fr/rubis/pronuc/pronuc	休止	en	200905059326281589/036000000	Pola Bio-Informatique France	ACNUC sequence databaseを下地とした脊椎動物遺伝子のデータベースです。	
NBDC01043	Protein-Nucleic Acid Complex Database	ProNuc	http://gpb.univ-yvon1.fr/rubis/pronuc/pronuc	休止	en	200905059326281589/036000000	Pola Bio-Informatique France	ACNUC sequence databaseを下地とした脊椎動物遺伝子のデータベースです。	
NBDC00284	Homologous Vertebrate Genes Database	HOVERGEN	http://www.wclm.org/AHMI/eAHMI.html	休止	en	200905059326281589/036000000	Pola Bio-Informatique France	ACNUC sequence databaseを下地とした脊椎動物遺伝子のデータベースです。	
NBDC00975	Agent to help microbial information integration	AHMI	http://www.wclm.org/AHMI/eAHMI.html	休止	en	200905059326281589/036000000	Pola Bio-Informatique France	ACNUC sequence databaseを下地とした脊椎動物遺伝子のデータベースです。	
NBDC0285	Homologous Processed Pseudogenes database	Hoppigen	http://gpb.univ-yvon1.fr/databases/hoppigen.html	休止	en	200905051849008494/A158004000	The Centre for Apti Canada	Homo sapiens/9606	プロセスド・ヒッポジンシステムM-marker 2003、オリゴチップmedaka
NBDC1000	Medaka EST database		http://medaka.lab.nig.ac.jp/projects/taog/cb/	休止	en	200905051849008494/A158004000	Oryzias latipes/8090	メダカEST、迅速マーピングシステムM-marker 2003、オリゴチップmedaka	
NBDC0288	Human Genome Segmental Duplication Database		http://medaka.lab.nig.ac.jp/projects/taog/cb/	休止	en	200905051849008494/A158004000	Homosapiens/9606	ヒゲノムの重複断片のデータベース。	
NBDC1025	CELFEDIA (Repository database for current knowledge about human cells)	Celfedia	http://celfedia.cbrc.dmb.ipm喻/index.cgi?page=1	休止	en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00579	MutationView		http://mutview.dmb.med.kcl.ac.jp/mv/mv	休止	en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC1046	Streptomyces griseus IFO 13350 Genome		http://ark.itc.tohoku.ac.jp/haikko/genome/	休止	en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC0298	MassBank (High Resolution Mass Spectral Database)	MassBank	http://www.mamaku.msi.mie-u.ac.jp/massbank/	休止	en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC1068	Functional Food Factors		http://www.mamaku.msi.mie-u.ac.jp/massbank/	休止	en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00590	Neuraminidase Structure DB		http://protein.ncbi.nlm.nih.gov/research/neuramidase/	休止	en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC1004	Neuroscience Database Gateway	NDG	http://www.ncbi.nlm.nih.gov/ndg/	休止	en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00592	New Natural Compounds purified in Antibiotics Lab, RIKEN		http://www.rikenscience.riken.jp/compoundbase/	休止	en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00967	Ancient Genome Encyclopedia	AGE	http://www.ncbi.nlm.nih.gov/ndg/	休止	en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00301	Mouse SAGE Site		http://mouse.sage.sgi.com/sage/	休止	ja/en	200905051849008494/A158004000	Influenza A virus/113	スレバウミセキサス/ゲンヌス	
NBDC1067	健康・災害情報基盤データベース		http://www.ncbi.nlm.nih.gov/ndg/	休止	ja/en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00337	マスク開発データベース		http://www.ncbi.nlm.nih.gov/ndg/	休止	ja/en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC1040	Molecules To Go		http://www.ncbi.nlm.nih.gov/ndg/	休止	ja/en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00630	PSC-RIKEN Database of EST/Gene Expression PRIDE		http://www.ncbi.nlm.nih.gov/ndg/	休止	ja/en	200905051849008494/A158004000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC1024	C. elegans RNAi Phenome Database		http://c-elegans.nci.nih.gov/celphip/index.jsp	休止	en	20090503030305480/C006006000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00653	RegTransBase (A database of regulatory interactions based on literature and an expert knowledge base)	RegTransBase	http://regtransbase.ncbi.nlm.nih.gov/cgi-bin/regtransbase?	休止	en	20090503030305480/C006006000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00992	GeneMap DB		http://genomics.med.upenn.edu/genmapdb/	休止	en	200905002425357790/C006005000	Zinnia violacea/3422	抗インフルエンザウイルス薬効果	
NBDC00657	Rice Full-length cDNA Encyclopedia DNABook		http://gerg03.gsc.riken.jp/DNABook.DB/VIEW/Book	休止	ja/en	200905002425357790/C006005000	Yeast Japan	ヒト正常細胞に関する情報を統合したデータベースです。ト成长为、染色体アレイグラ	
NBDC00973	TransMembrane Protein DataBase	TMPDB	http://bioinfo.sci.hiroasaki.ac.jp/~TMPDB	休止	en	20090501451870926/012400000	弘前大学 Japan	收集した複数トポロジーに関する文献 (1074論文)から、X線結晶構造	
NBDC00667	RIKEN Human cDNA Encyclopedia Metabolome DNABook		http://gerg03.gsc.riken.jp/DNABook.DB/VIEW/Book	休止	ja/en	20090501451870926/012400000	Homo sapiens/9606	ヒト代謝に供給する遺伝子をDNAを収集したDNAブックです。	
NBDC00979	Brain Gene Expression Database	BGED	http://genome.mcprf.osaka.ac.jp/BGED/	休止	不明	20090532137720428/V103000000	Homo sapiens/9606	マウスの脳に発現する遺伝子のデータベースです。	
NBDC00668	RIKEN Mouse Genome Encyclopedia DNABook		http://gerg03.gsc.riken.jp/DNABook.DB/VIEW/Book	休止	ja/en	2009050242535790/C006005000	Homo sapiens/9606	マウス完全CDSデータベースを収集したDNAブックです。DNA	
NBDC1003	MULTI ONTOLOGY VIEWER		http://gene.ontology.info/u/tokyoo.ac.jp/8081/mov/	休止	不明	200905033938014360/017200000	東京大学 医科学	複数のオントロジーを表示できるビューウです。	
NBDC00670	RIKEN Structural Genomics Proteomics Initiative		http://www.ncbi.nlm.nih.gov/ndg/	休止	ja/en	2009050242535790/C006005000	東京大学 行政人材化	構造生物学研究推進本部 (RSGI)では、生命活動に重要なタンパク質の構造解析を行なっており、そのデータを組み合わせて、各組織の分化・活性化過程におけるタンパク質の構造変動を示す。	
NBDC1041	PanelPromoterDB	PPDB	http://ppdb.genome.nig.ac.jp/cgi-bin/index.cgi	休止	en	20090505425913675/026006000	名古屋大学 潛在	Arabidopsis thaliana/シロアマナの高密度転写開始部位や、イネなどのプロモーター情報を示す。	
NBDC00363	AQUA DNABook		http://ppdb.genome.nig.ac.jp/cgi-bin/index.cgi	休止	ja/ja	200905030843758625/C006000000	東京大学 行政人材化	アラビアアマランサスの転写開始部位や、イネなどのプロモーター情報を示す。	
NBDC01010	Southeastern Rare Plant Information Network	SERPIN	http://www.serpin.org/index1.html	休止	en	2009050242535790/C006005000	The State Botanic Garden of the United States	アラビアアマランサスの転写開始部位や、イネなどのプロモーター情報を示す。	
NBDC00696	Transcription Analysis of BY-2	TAB project	http://ppdb.genome.nig.ac.jp/cgi-bin/index.cgi	休止	en	2009050242535790/C006005000	Nicotiana tabacum/ニコチンタバコの細胞として最も広く利用されているタバコ細胞株BY-2		
NBDC00999	The Integrated X Chromosome Database	IDB	http://idb.riken.ac.jp/	休止	ja	2009050242535790/C006005000	Max-Planck-Institut für Biologie	ヒトX染色体に関するデータベースです。	
NBDC00703	The Content Library of Medical Information		http://www.ncbi.nlm.nih.gov/ndg/	休止	ja	20090508104544626/013200000	Homo sapiens/9606	構造生物学研究推進本部 (RSGI)では、医療情報のデータベースです。	
NBDC00988	Database Of Transcribed Sequences	DoTS	http://www.ncbi.nlm.nih.gov/ndg/	休止	ja	20090508104544626/013200000	東北大学	シロアマナの転写開始部位や、イネなどのプロモーター情報を示す。	
NBDC00704	The Kidney Development Database	KIDDB	http://kidd.med.tohoku.ac.jp/	休止	ja	20090508104544626/013200000	Computational Biology Department, United Kingdom	腎臓の発達に関するデータベースです。腎臓の発達過程や腎臓の前位等で異なる発達過程を示す。	
NBDC01057	植物画像データベース		http://edict.med.tohoku.ac.jp/tpo.do	休止	ja	20090508104544626/013200000	University of Edinburgh, United Kingdom	腎臓の発達に関するデータベースです。腎臓の発達過程や腎臓の前位等で異なる発達過程を示す。	
NBDC00715	tmRDB		http://www.allgenes.org/	休止	ja	20090508104544626/013200000	Homo sapiens/9606	第一絶縁子発現に関するデータベースです。	
NBDC01059	KEGG EDRUG		http://edict.med.tohoku.ac.jp/kidhome.html	休止	ja	20090509134343172/261500000	Computational Biology Department, United Kingdom	腎臓の発達に関するデータベースです。腎臓の発達過程や腎臓の前位等で異なる発達過程を示す。	
NBDC00724	UK Crop Plant Bioinformatics Network	UK CROPNET	http://polyp.ana.ed.ac.jp/kidhome.html	休止	ja	20090509134343172/261500000	University of Edinburgh, United Kingdom	腎臓の発達に関するデータベースです。腎臓の発達過程や腎臓の前位等で異なる発達過程を示す。	
NBDC01038	The Sugimoto Lab. C. elegans Monoclonal Antibody mAbs		http://image2.kmri.jp/dge/KTtopDB/KTtop.htm	休止	en	200905038403758825/C006000000	Caenorhabditis elegans/ヒエラルギー抗体法を用いて、線虫の胚の各発生段階におけるタンパク質発現の細胞分布を示す。		
NBDC00728	UR-DBMS/Syndrome Finder		http://becomerich.lab.u-yuuku.ac.jp/	休止	ja	201105085242217310/10092729440	Homo sapiens/9606	構造生物学研究推進本部 (RSGI)では、医療情報のデータベースです。	
NBDC01019	蛋白実験データベース		http://www.anex.tohoku.ac.jp/index.js	休止	不明	201105085242217310/10092729440	Metazoa/33208	メタゾアの転写研究に関するデータベースです。	
NBDC00367	Caenorhabditis elegans WWW Server		http://elegans.swmed.edu/	休止	en	201105085242217310/10092729440	Virginia Commonwealth University, United States	Caenorhabditis elegans 線虫研究に関するデータベースです。最新の論文、学会情報、	
NBDC00978	Brain EST Database	BED	http://genome.mcprf.osaka.ac.jp/BED/index.html	休止	不明	200905032137720428/V103000000	University of Texas at Austin, United States	大正製薬製剤ゲノム研究所で開発された3'末端ESTコレクションに基づく。	
NBDC00392	ChimeDB (A Knowledgebase for fusion sequences)		http://kayoom.sci.ehu.ac.kr/ChimeDB/	休止	en	200905032137720428/V103000000	Ehime Women's U., Korea	ChimeDB (A Knowledgebase for fusion sequences)のデータベースです。融合遺伝子の情報を示す。	

OK

Cancel

Integbioデータベースカタログ 実習

実習1 微生物に関するDBを表示する。
微生物に関するDBはいくつ登録されているか。

実習2 運用機関所在国を表示し、DBを並べ替えて
所在国の種類を確認する。何カ国登録されているか。

実習3 説明情報をダウンロードしてエクセルで開く。

Integbioデータベースカタログ 実習1~3

全件1ページに表示

1 [Show Advanced Search](#)

2 **微生物**

3 **34 Found**

データベース名とURL	説明
a genome database of microorganisms sequenced at NITE 【略称：DOGAN】 http://www.bio.nite.go.jp/dogan/top	NITE 基配分 らの性 行つ ■ データベース名とURL ■ データベースID ■ データベース名称 ■ 略称 ■ URL ■ 稼働状況 (7/4) ■ 言語 ■ 運用機関ID ■ 運用機関名
Genome Sequences Analyzed by JAMSTEC 【略称：Extremo Base】 http://www.jamstec.go.jp/gbrowse/cgi-bin/top.cgi	海洋 基配分 らの性 行つ ■ 生物種 ■ 説明 ■ 運用機関所在国
Genome Information Broker 【略称：GIB】 http://gib.genes.nig.ac.jp	既に登録 データ ■ 生物種 ■ 説明
Microbial Genome Database for Comparative Analysis 【略称：MBGD】 http://mbgd.genome.ad.jp/	微生物 え、遺 ■ 論文 (PubMed ID) ■ 生命科学系データベースカタログへのリンク ■ WINGproへのリンク ■ 生命科学系データベースアーカイブへのリンク
Microbial Resources and Chemotaxonomy Database	知的財 ば)、 ギー等 ■ MEDALSへのリンク ■ カタログデータ作成日 ■ カタログデータ最終更新日

4 [download](#)

5 [Columns ..](#) 50

3 **全件1ページに表示**

4 **download**

5 **Columns ..** 50

3 **全件1ページに表示**

4 **download**

5 **Columns ..** 50

OK Cancel

2012 統合データベース講習会 Licensed Under CC 表示 2.1 日本 13

Integbioデータベースカタログ 実習1~3

7

Show Advanced Search Search Reset Download

6 Columns ... 50 ▾

34 Found

データベース名称とURL			
Rhodococcus genome Project 【略称】 http://www.rhodococcus.ca/index.html	稼働中	Canada	Show
LECTINES 【略称】 http://www.cermav.cnrs.fr/lectin	稼働中	France	Show
World Federation for Culture Collections 【略称】WFCC http://www.wfcc.info/datacenter	休止	Global	Show
Microbial Genome Database for Comparative Analysis 【略称】MBGD http://mbgd.genome.ad.jp/	稼働中	Japan	Show
Microbial Resources and Chemotaxis Database 【略称】MRCD	稼働中	Japan	Show

次のファイルを開こうとしています:

integbio_dbcatalog_beta1_0_20120604.csv
 ファイルの種類: Microsoft Excel Document (16.5 KB)
 ファイルの場所: <http://togodb.dbcls.jp>

このファイルをどのように処理するか選んでください

アプリケーションで開く: Microsoft Excel (デフォルト) ▾
 ファイルを保存する
 今後この種類のファイルは同様に処理する

キャンセル OK

numberなどの情報がテキストベースで得られます。Type strain (基準株) が微生物菌株保全機関に登録されています。[DBP1/EMBL](#)

Googleと生命科学データベース横断検索

Googleで「マウス」と検索した場合

- 研究者は生き物の「マウス」を意図
- 結果にはコンピュータの付属物である「マウス」も表示

Google マウス

Search About 73,000,000 results (0.16 seconds)

Web Ad related to マウス Why this ad?

[《公式》マウスコンピューター - インテル最新CPU搭載モデル](#)
www.mouse-jp.co.jp/
目的別・ご予算に合わせてカスタマイズ

個人のお客様-デスクトップPC 法人のお客様-スリムタイプPC
個人のお客様-ノートパソコン 法人のお客様-ミニタワータイプPC
タブレットPC 法人のお客様-ノートパソコン

価格.com - マウス | 製品情報、価格比較、通販
kakaku.com/pc/mouse/ - Cached - Translate this page
マウスを買うなら、まずは価格.comをチェック！全国の通販サイトの販売価格情報をはじめ、スペック検索、クチコミ情報、ランキングなど、さまざまな視点から商品を比較・検討できます！
↳ マウスの人気売れ筋ランキング - マウス 満足度ランキング - ワイヤレス - ロジクール

パソコン・BTOパソコンの通販ショップ マウスコンピューター
www.mouse-jp.co.jp/ - Cached - Translate this page
パソコン（BTOパソコン）通販のマウスコンピューター。マウスコンピューターの通販ショップのBTOパソコンは、選べるバージが豊富で、値段もお手ごろ。サポート&サービスも充実。



結果は網羅的だが、意図したものと異なる

生命科学データベース横断検索

- 生命科学分野のコンテンツを対象にした検索システム
分子DBの中を文献や特許情報とあわせて一括検索できる
検索対象DB数：約320件
- 検索キーワードの日英相互翻訳
日英の辞書（京都大学 ライフサイエンス辞書）を搭載
- 検索結果の絞込み機能
DBのカテゴリ、遺伝子名称

生命科学データベース横断検索の検索対象

DBカテゴリ	DB数	主なDB
文献	29	蛋白質核酸酵素(共立出版)(1985~)、新着論文レビュー、文科省「ゲノム特定領域」報告書、各種実験プロトコル集
学会要旨	2	日本農芸化学会、日本生物物理学会
特許関連文書	9	日本国特許公報(2004~)
統合DBプロジェクト	4	生命科学DBアーカイブ、統合TV
用語解説	3	Gene Wiki、Proteopedia、Molecule of the Month
ゲノム・遺伝子・RNA	68	EntrezGene、RefSeq、H-Invitational、FANTOM
遺伝子発現・転写制御	29	CGED(がん組織発現)、DBTSS(転写開始部位)、coexpressdb(共発現)
タンパク質	54	UniProt、PIR、PDBj
パスウェイ・相互作用・生体反応	11	KEGG、ゲノムネットワークプロジェクト
糖・脂質	13	LipidBank、産総研糖鎖PJ
細胞・組織	7	SCMD(出芽酵母変異体顕微鏡写真)
発生	3	3D Microscopic Images of Kyoto Collection of Human Embryos
医療・薬	39	OMIM、MedlinePlus、PharmGKB
食品・栄養	9	食品成分DB、トクホなど機能性食品DB
農学・環境	12	イネ品種・特性DB、イネゲノムプロジェクト
生物図鑑・分類	14	水生生物情報DB、放線菌図鑑、牧野標本館所蔵標本DB

生命科学データベース横断検索



The screenshot shows the NBDC homepage with a search bar for "データベース横断検索". Below the search bar, there are several categories of links:

- データベースのカタログ**: Integbioデータベースカタログβ版 (生命科学系 データベース カタログとWINGproが含まれています)
- コンテンツ**: 生命科学系 学協会 カタログ, 生命科学系主要プロジェクト一覧, 生物アイコン, Webリソースポータルサイト, ゲノム解析ツール リンク集, ライフサイエンス 新着論文レビュー
- DBの一括検索**: A large blue button with the text "DBの一括検索" and a magnifying glass icon.
- 広報**: NBDC広報サイト, パンフレット (PDF:1.59MB)
- アーカイブ**: 生命科学系データベースアーカイブ
- 開発ツール**: TogoDB, TogoWS, DBCLS Galaxy, アнатモグラフィ-/BodyParts3D, TogoDoc
- データベース**: コホト関連データベース, 疾患・医薬品・環境物質関連データベース, 蛋白質構造関連データベース, 糖鎖関連データベース, メタボローム関連データベース, ヒトゲノム多様性関連データベース (旧ヒトゲノムバリエーションデータベース), フェノーム関連データベース, 微生物関連データベース, データベース統合化基盤技術

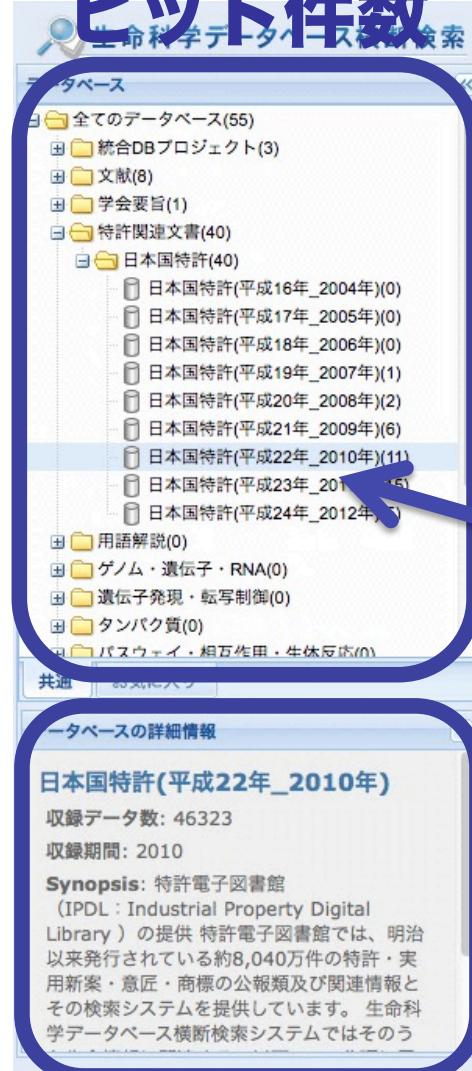
<http://biosciencedbc.jp/dbsearch/>

生命科学データベース横断検索

検索ボックス収録DB一覧

生命科学データベース横断検索

ヒット件数



検索結果

データベース

- 全てのデータベース(55)
 - 総合DBプロジェクト(3)
 - 文献(8)
 - 学会要旨(1)
 - 特許関連文書(40)
 - 日本国特許(40)
 - 日本国特許(平成16年_2004年)(0)
 - 日本国特許(平成17年_2005年)(0)
 - 日本国特許(平成18年_2006年)(0)
 - 日本国特許(平成19年_2007年)(1)
 - 日本国特許(平成20年_2008年)(2)
 - 日本国特許(平成21年_2009年)(6)
 - 日本国特許(平成22年_2010年)(11)**
 - 日本国特許(平成23年_2011年)(5)
 - 日本国特許(平成24年_2012年)(5)
 - 用語解説(0)
 - ゲノム・遺伝子・RNA(0)
 - 遺伝子発現・転写制御(0)
 - タンパク質(0)
 - パスウェイ・相互作用・生体反応(0)

共通

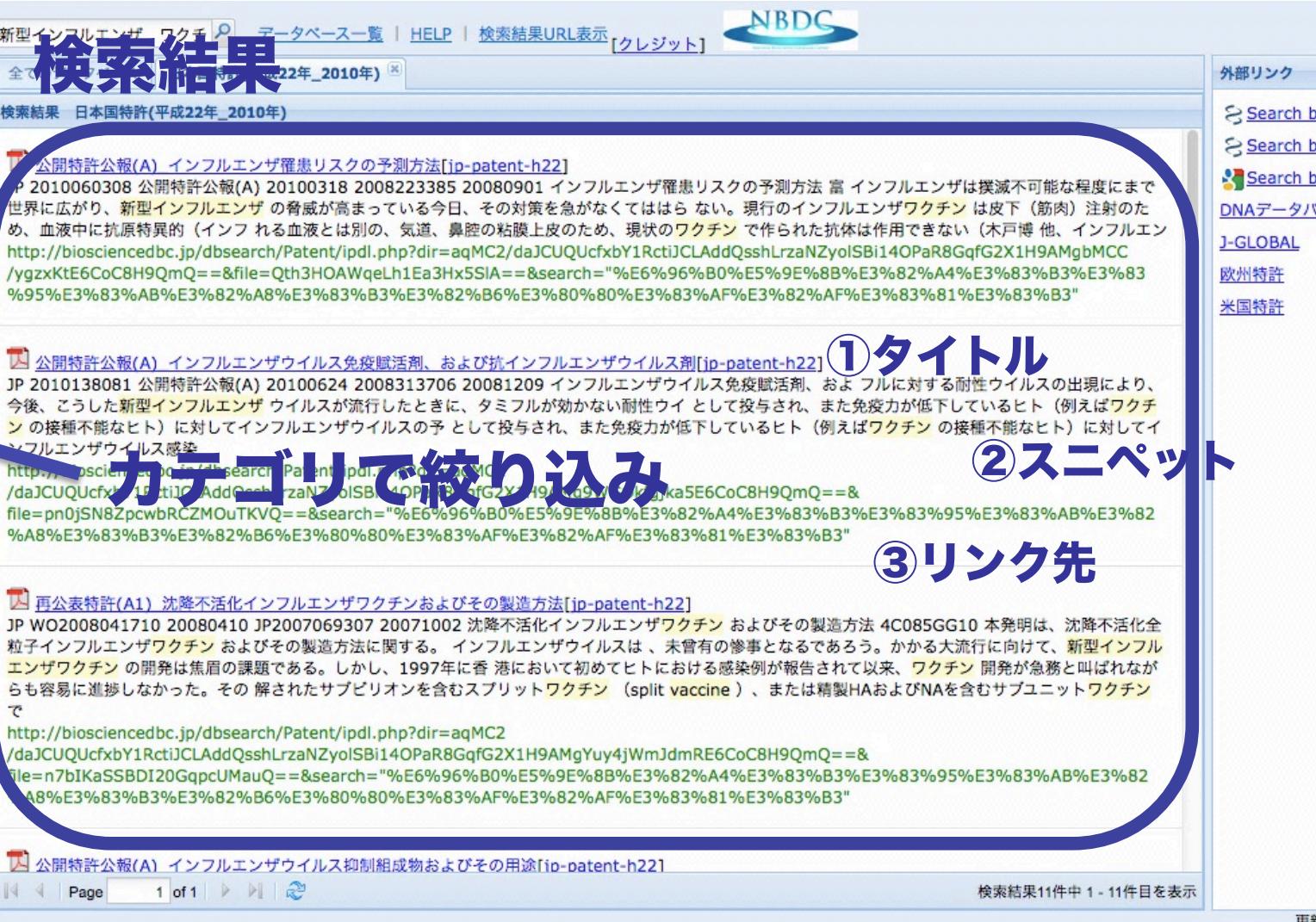
データベースの詳細情報

日本国特許(平成22年_2010年)

収録データ数: 46323

収録期間: 2010

Synopsis: 特許電子図書館
(IPDL : Industrial Property Digital Library) の提供 特許電子図書館では、明治以来発行されている約8,040万件の特許・実用新案・意匠・商標の公報類及び関連情報とその検索システムを提供しています。生命科学データベース横断検索システムではそのう



検索結果 日本国特許(平成22年_2010年)

① タイトル

JP 20100624 200813706 20081209 インフルエンザウイルス免疫賦活剤、および抗インフルエンザウイルス剤 [jp-patent-h22]

JP 2010138081 公開特許公報(A) 20100624 200813706 20081209 インフルエンザウイルス免疫賦活剤、および耐性ウイルスの出現により、今後、こうした新型インフルエンザウイルスが流行したときに、タミフルが効かない耐性ウイルスとして投与され、また免疫力が低下しているヒト(例えばワクチンの接種不能なヒト)に対してインフルエンザウイルスの予防として投与され、また免疫力が低下しているヒト(例えばワクチンの接種不能なヒト)に対してインフルエンザウイルス感染

② スニペット

JP 2010138081 公開特許公報(A) 20100624 200813706 20081209 インフルエンザウイルス免疫賦活剤、および耐性ウイルスの出現により、今後、こうした新型インフルエンザウイルスが流行したときに、タミフルが効かない耐性ウイルスとして投与され、また免疫力が低下しているヒト(例えばワクチンの接種不能なヒト)に対してインフルエンザウイルスの予防として投与され、また免疫力が低下しているヒト(例えばワクチンの接種不能なヒト)に対してインフルエンザウイルス感染

③ リンク先

再公表特許(A1) 沈降不活性インフルエンザワクチンおよびその製造方法 [jp-patent-h22]

JP WO2008041710 20080410 JP2007069307 20071002 沈降不活性インフルエンザワクチン およびその製造方法 4C085GG10 本発明は、沈降不活性全粒子インフルエンザワクチン およびその製造方法に関する。インフルエンザウイルスは、未曾有の惨事となるであろう。かかる大流行に向けて、新型インフルエンザワクチンの開発は焦眉の課題である。しかし、1997年に香港において初めてヒトにおける感染例が報告されて以来、ワクチン開発が急務と呼ばれながらも容易に進捗しなかった。その解されたサブピリオンを含むスプリットワクチン(split vaccine)、または精製HAおよびNAを含むサブユニットワクチンで

公開特許公報(A) インフルエンザウイルス抑制組成物およびその用途 [jp-patent-h22]

検索結果11件中 1 - 11件目を表示

外部リンク

- Search b
- Search b
- Search b
- DNAデータベース
- J-GLOBAL
- 欧州特許
- 米国特許

DBの詳細説明

生命科学データベース横断検索

p53

遺伝子名で検索

検索結果 ALL

[DBTSS:H_sapiens-NM_032636/p53-regulated DDA3 isoform a\[dbtss\]](#)
(H. sapiens) About this gene Entrez GeneID Unigene ID ID of transcript Comparative analysis Prod t mRNA Length dbQSNP 84722 Hs.405925 NM_032636 --- p53 -regulated DDA3 isoform a 1722 base Link NM_0010052 90 --- p53 -regulated DDA3 isoform b 1621 base Link NM_0010322 n with M. musculus (align) Genome viewer (blastz) p53 -regulated DDA3 isoform c 1828 base Link NM_0010322 91 --- p53 -regulated DDA3 isoform a 1738 base Link Other cell
http://dbtss.hgc.jp/cgi-bin/home.cgi?UID=2&SEE=1&IDS=NM_032636

[MBGD: Gene Information \[dme:DMEL_CG33336\] p53 CG33336-PB, isoform B\[mbgd\]](#)
dme DMEL_CG33336 p53 complement(join(18875687..18875709,18875769..18876163,18876226..18876472,18 0)) NP_996267.1 GI: 45553461 EntrezGeneID: 2768677 p53 CG33336-PB, isoform B AA length: 495
http://mbgd.genome.ad.jp/htbin/MBGD_gene_info_frame.pl?name=dme%3ADMEL_CG33336

[TP53 \[PharmGKB\]\[pharm_gkb\]](#)
Gene: TP53 tumor protein p53 Clinical PGx PGx Research Overview Pathways Is Related To Downloads unction ?
Amino Acid ? Translation CA VA rs1042522 P53 :Arg72Pro, R72P, TP53 Arg72Pro, c.215C>G, g.16392C> 00221340;
Arg72Pro, R72P, TP53 Arg72Pro, c.215C>G, g.16392C> 00221340;

遺伝子リストによる絞込み

遺伝子リスト-->Human

- [tumor protein p53 \(Li-Fraumeni syndrome\) \[GENE:7157\]\[GNP:7157\]\[UNP:P04637\]\[HGNC:11998\]](#)
- [Tumor suppressor p53-binding protein 2 \[GENE:7159\]\[GNP:7159\]\[UNP:Q13625\]\[HGNC:12000\]](#)
- [p53-dependent damage-inducible nuclear protein 1 \[GENE:94241\]\[GNP:94241\]\[UNP:Q96A56\]\[HGNC:18022\]](#)
- [Tumor protein p53-inducible protein 3 \[GENE:9540\]\[GNP:9540\]\[UNP:Q53FA7\]\[HGNC:19373\]](#)
- [tumor protein p53 inducible nuclear protein 2 \[GENE:58476\]\[GNP:58476\]\[UNP:Q8IXH6\]\[HGNC:16104\]](#)
- [Tumor suppressor p53-binding protein 1 \[GENE:7158\]\[GNP:7158\]\[UNP:Q12888\]\[HGNC:11999\]](#)
- [tumor protein p53 inducible protein 11 \[GENE:9537\]\[GNP:9537\]\[UNP:Q14683\]\[HGNC:16842\]](#)
- [p53-like transcription factor \[GENE:7161\]\[GNP:7161\]\[UNP:Q15350\]\[HGNC:12003\]](#)
- [Mdm2-like p53-binding protein \[GENE:4194\]\[GNP:4194\]\[UNP:Q15151\]\[HGNC:6974\]](#)
- [p53-responsive gene 1 \[GENE:23574\]\[GNP:23574\]\[UNP:\]\[HGNC:\]](#)

外部リンク

- [Search b](#)
- [Search b](#)
- [Search b](#)
- [DNAデータベース](#)
- [J-GLOBAL](#)
- [欧州特許](#)
- [米国特許](#)

[cc] BY

© 2012 統合データベース講習会 Licensed Under CC 表示 2.1 日本 21

生命科学データベース横断検索 実習

- 実習1** バイオ燃料と細菌に関する文献を探す。
「バイオ燃料 細菌」で検索して、DBのカテゴリを用いて検索結果を絞り込む。
- 実習2** 「COX2」の検索結果を眺める。遺伝子リストを用いて検索結果を絞り込む。

生命科学データベース横断検索

キーワードを英語に変換して検索
キーワードをハイライト

**件数の確認
カテゴリで絞込み**

生命科学データベース横断検索 バイオ燃料 細菌 データベース一覧 | HELP | 検索結果URL表示 [クリエット]

全てのデータベース

検索結果 1 - 50 / 216

JoVE Video: Metabolic Pathway Confirmation and Discovery Through 13C-labeling of Proteinogenic Amino Acids[[jove](#)]
 JoVE General Metabolic Pathway Confirmation and Discovery Through 13C-labeling of Proteinogenic to investigate central metabolisms in phototrophic bacteria , because biochemical knowledge of the central meta ly used in analyzing biological systems related to biofuel , ecological and medical applications. Subscription ore related to Firmicutes than to the green sulfur bacteria . J. Biol. Chem. 285, 35104-35112 (2010). Feng, X., <http://www.jove.com/video/3583>

FMM: a web server for metabolic pathway reconstruction and comparative analysis - Nucleic Acids Res[[narweb](#)]
 FMM: a web server for metabolic pathway reconstruction and comparative analysis Chih-Hung Chou 1 e valuable metabolites or secondary metabolites in bacteria or yeast is a promising strategy for drug products in synthetic biology to produce both drugs and biofuels. This novel and innovative resource is now freely intermediate precursors for antibiotics (9) and biofuels (10). These benefits have motivated scientists http://nar.oxfordjournals.org/content/37/suppl_2/W129.full

生命科学横断検索-科学新聞記事-イエシロアリ腸内原生生物の細胞内共生細菌のゲノム解読 バイオマス利用法開発に期待 理研チーム 2008年11月21日[[kagakushinbun](#)]
 イエシロアリ腸内原生生物の細胞内共生細菌のゲノム解読 バイオマス利用法開発に期待 理研チーム 理化学 チームは、イエシロアリ腸内にいる原生生物の細胞内共生細菌 のゲノムを完全解読することに成功した。新たな木質バイ が存在する。1匹の腸の中に数千匹の原生生物と約1億個の細菌 が共生しているが、微生物の大部分は未だに培養すること ノム解読を進め、情報を蓄積していくことで、木質からのバイオ燃料 開発や新たな害虫駆除方法の開発にもつながっていきそ http://biosciencedbc.jp/dbsearch/KagakuShinbun/KagakuShinbun2008_168.html

JoVE Video: A High Throughput Screen for Biomining Cellulase Activity from Metagenomic Libraries[[jove](#)]
 JoVE General A High Throughput Screen for Biomining Cellulase Activity from Metagenomic Librarie industrial applications with increasing emphasis on biofuel production 1. Chemical methods to modify or degrad While the identification of active cellulases from bacteria l and fungal isolates has been somewhat effective, Libraries Rubin, Edward M. Genomics of cellulosic biofuel s. Nature 454, 841-845 (2008). Voget, S., Steele, H <http://www.jove.com/video/2461>

Page 1 of 5 | 検索結果216件中 1 - 50件目を表示

外部リンク

- [Search b](#)
- [Search b](#)
- [Search b](#)
- [DNAデータバ](#)
- [J-GLOBAL](#)
- [欧州特許](#)
- [米国特許](#)

生命科学データベース横断検索

 生命科学データベース横断検索

[データベース一覧](#) | [HELP](#) | [検索結果URL表示](#) [クレジット]

データベース
全てのデータベース(4546)
NCBI Resources How To
Gene
Gene Limits Advanced
Search
Help

Display Settings: Full Report
Send to:
Table of contents

PTGS2 prostaglandin-endoperoxide synthase 2 (prostaglandin G/H synthase and cyclooxygenase) [
Homo sapiens]
Summary Genomic context

Gene ID: 5743, updated on 18-Jun-2012
Summary Genomic context

Summary
Genomic context

Official Symbol PTGS2 provided by HGNC
Table of contents

Official Full Name prostaglandin-endoperoxide synthase 2 (prostaglandin G/H synthase and cyclooxygenase) provided by HGNC
Summary

Primary source HGNC:9605
Genomic context

See related Ensembl:ENSG0000073756; HPRD:02599; MIM:600262; Vega:OTTHUMG00000035473
Genomic regions, transcripts, and products

Gene type protein coding
Bibliography

RefSeq status REVIEWED
Phenotypes

Organism Homo sapiens
HIV-1 protein interactions

Lineage Eukaryota; Metazoa; Chordata; Craniata; Vertebrata; Euteleostomi; Mammalia; Eutheria; Euarchontoglires; Primates; Haplorrhini; Catarrhini; Hominidae; Homo
Interactions

Also known as COX2; COX-2; PHS-2; PGG/HS; PGHS-2; hCox-2; GRIPGHS
General gene info

Summary Prostaglandin-endoperoxide synthase (PTGS), also known as cyclooxygenase, is the key enzyme in prostaglandin biosynthesis, and acts both as a dioxygenase and as a peroxidase. There are two isozymes of PTGS: a constitutive PTGS1 and an inducible PTGS2, which differ in their regulation of expression and tissue distribution. This gene encodes the inducible isozyme. It is regulated by specific stimulatory events, suggesting that it is responsible for the prostanoid biosynthesis involved in inflammation and mitogenesis. [provided by RefSeq, Feb 2009]
General protein info

Genomic context
Reference sequences

Genomic context
Related sequences

Genomic context
Additional links

Genomic context
Links

Genomic context
Order cDNA clone

Genomic context
BioAssays, RNAi Target,Active

Genomic context
BioProjects

Genomic context
BioSystems

Genomic context
CCDS

Genomic context
Conserved Domains

Genomic context
dbVar

生命科学データベースアーカイブ

- ・ 国内で作成されたDBを丸ごとダウンロードできる
サービス
収録DB数：約60件
- ・ ダウンロードしたデータは表形式（CSV形式）
DBやデータについての説明（メタデータ）
- ・ データはCCライセンスで配布
CC表示-継承ライセンス、利用許諾を統一して明確に

生命科学データベースアーカイブの収録DB

DBカテゴリ	DB数	対象・生物種
DNA配列	7	クラミドモナス、シロイヌナズナ、トマト、マウス、ミヤコグサ、ムラサキツユクサ、大腸菌
cDNA	6	トコジラミ、シダ、マボヤ、メダカ、粘菌
RNA配列	1	原核生物
発現	6	カタユウレイボヤ、ヒト、マウス、粘菌、酵母、プラナリア
トキシコゲノミクス	2	ヒト、ラット
代謝物、代謝系／シグナル伝達経路	4	植物、ヒト、酵母、マウス、ラット
変異体・発現／変異体・表現型	7	ショウジョウバエ、マウス、シアノバクテリア、線虫
多型	2	ヒト
蛋白質、立体構造、配列	4	ヒト、マウス、生物全般
カタログ	3	データベース情報、学協会情報、国内の主要プロジェクト情報
文献	4	微生物全般（ウィルス、真正細菌、古細菌、菌、原生生物を含む）
辞書	2	ヒト、マウス、ラット、ゼブラフィッシュ、ショウジョウバエ、線虫、出芽酵母、分裂酵母、枯草菌
その他	7	-

生命科学データベースアーカイブ



The screenshot shows the homepage of the NBDC BioArchive website. At the top, there is a navigation bar with links for Home, NBDC About, Research & Development Programs, Public Information, Employment Information, News, Contact, and Links. The main content area features a news feed with recent updates, a search bar for cross-database search, and several sections: 'Database Catalog' (listing Integbio and WINGpro), 'Content' (listing various databases like Life Science Society Catalog, DBCLS Galaxy, and TogoDB), 'Search' (listing various search tools like TogoProt and GenLibi), and 'Database' (listing various databases like GGRNA and RefEx). A large banner on the right side reads 'データの一括ダウンロード' (Batch Download of Data).

<http://dbarchive.biosciencedbc.jp/>

生命科学データベースアーカイブ

DB名

アーカイブデータベース一覧 (ヘルプ)

今後公開予定のデータベースを、「公開準備中のデータベース一覧」に掲載しています。

一覧内検索

全 56 件 (1 件から10件)

データベース	データベース運用場所	代表者	データベースカテゴリ	生物種	要約 (キーワードを太字表示)	利用許諾
 tRNADB-CE ダウンロード 簡易検索	長浜バイオ大学 生体分子情報学研究室	阿部 貴志	RNA配列	原核生物	世界的に最も精度が高い、エキスパートが精査を加えたtRNA 遺伝子配列データベース	CC 表示-継承 詳細
 GDBS ダウンロード 簡易検索					解析したデータベース	
 CIEST ダウンロード 簡易検索	産業技術総合研究所 生物プロセス研究部門 生物共生進化機構研究グループ	森山 実	cDNA	トコジラミ	トコジラミCimex leculariusのさまざまな器官や体全体に発現する遺伝子配列(EST)のデータベース	CC 表示-継承 詳細
 Open TG-GATEs 病理写真データベース ダウンロード 簡易検索	独立行政法人 医薬基盤研究所	トキシコゲノミクスプロジェクト	トキシコゲノミクスデータベース	ラット	160の化合物を用いて実施した動物試験で作製した肝臓および腎臓の病理標本の高解像度画像データベース	CC 表示-継承 詳細
 Open TG-GATEs データベース ダウンロード 簡易検索	独立行政法人 医薬基盤研究所	トキシコゲノミクスプロジェクト	トキシコゲノミクスデータベース	ヒト、ラット	170の化合物をラット個体およびラット・ヒト肝細胞へ曝露した際の遺伝子発現と毒性のデータベース	CC 表示-継承 詳細
 DIAM - 微生物情報 ダウンロード 簡易検索	バイオインダストリー協会	-	文献	微生物生化学 (ウイルス、真正細菌界、古細菌界、菌界、原生生物界を含む)	微生物の同定・分類関連情報、安全関連情報、利用関連情報データベース	CC 表示-継承 詳細

項目ごとに並べ替え可能

DBの概要

利用許諾

生命科学データベースアーカイブ

DIAM - 微生物情報

DBの説明（メタデータ）

このデータベースについて	
<input type="checkbox"/>	データベースの説明
<input type="checkbox"/>	ダウンロード
<input type="checkbox"/>	利用許諾
ダウンロード	
<input type="checkbox"/>	このデータベースの更新履歴

- **名称**
- **作成者**
- **連絡先**
- **DB分類**
- **生物種**
- **関連論文…**
- **など**

データベース全般	
 名称	DIAM - 微生物情報
 名称の読み方	ダイアム
 別名	微生物産業利用支援データベース : DataBiosafety for Industrial Applications of Microbes
 作成者	作成者氏名: (財)バイオインダストリー協会 作成者英名: 作成者所属:
 連絡先	〒104-0032 東京都中央区八丁堀2-26-9グランティビル8F 一般財団法人バイオインダストリー協会 TEL:03-5541-2731 FAX:03-5541-2737 E-mail: diam-dbcls@jba.or.jp
 データベース分類	文献
 データベースの説明	微生物やバイオセーフティ関連情報のデータベース「DIAM」の中で、微生物の「同定・分類関連情報」「安全関連情報」「利用関連情報」に関する情報を提供するデータベース。
 データベースの特長・有用性・活用方法	組換え微生物を産業利用する事業者が、微生物を適切に管理し、関連技術の安全性を確保するための取り組みの一助となるように、同定・分類、安全、利用の3つの観点から微生物の情報を幅広く提供している。
	経済産業省委託事業「環境対応技術開発等（バイオインダストリー安全対策調査（バイオテ

生命科学データベースアーカイブ

DIAM - 微生物情報

このデータベースについて

- [データベースの説明](#)
- [ダウンロード](#)
- [利用許諾](#)
- [このデータベースの更新履歴](#)

ダウンロード

はじめに利用許諾をお読みください。

なお、ここに表示したデータ名およびその説明は、生命科学系データベースアーカイブからダウンロード可能なデータについてのものです。オリジナルのデータベースの内容とは一致しない場合があります。

**データを眺めてから
ダウンロード可能**

「データ名」のリンクをクリックすると、データ項目の説明を参照できます。

#	データ名	データファイル	検索&ダウンロード
1	README	README.html	-
2	生物種リスト	diam_microbe_species_list.zip (2.3MB)	検索&ダウンロード
同定・分類関連情報			
3	和名、分類等 (寄生虫の分類学的情報)	diam_microbe_ident1.zip (4.1KB)	検索&ダウンロード
4	分離源、至適生育温度等 (生理学的情報)	diam_microbe_ident2.zip (92.3KB)	検索&ダウンロード
5	ゲノムサイズ、G+C含量等 (Archaeaの化学成分情報)	diam_microbe_ident3.zip (1.6KB)	検索&ダウンロード
6	基準株 (Bacteriaの菌株)	diam_microbe_ident4.zip (27.2KB)	検索&ダウンロード

生命科学データベースアーカイブ

項目(列)の説明

DIAM 微生物情報 - 生物種リスト

データベースの説明 | データ項目の説明 | ダウンロード | 利用許諾 | 利用許諾の確認

NBDC - アーカイブトップ - ヘルプ

DIAM - 微生物情報

このデータベースについて

- データベースの説明
- ダウンロード
- 利用許諾
- このデータベースの更新履歴

本データベースの利用許諾

利用許諾更新日:2010/04/19

本データベースは、以下で定める標準利用許諾及び追加利用許諾に基づきご利用いただくことができます。標準利用許諾は、本データベース利用における許諾内容、及び利用者が従うべき条件を定めています。追加利用許諾は、標準利用許諾で原則として禁止されている事項の中で例外的に許諾される事項を定めています。

標準利用許諾



本データベースの標準利用許諾は、クリエイティブ・コモンズ 表示-継承2.1 日本の定める利用許諾です。

本データベースのクレジットは、"DIAM, Copyright© 2010 バイオインダストリー協会 licensed under CC表示-継承2.1 日本"ですので、利用にあたり必ず表示してください。

CC表示-継承  日本の概要は [こちら](#)です。具体的な許諾条項は [こちら](#)をご覧ください。

作成者、URLなどのクレジットを表示すること

同じCC表示-継承で配布すること

1. 本データベースにて、標準利用許諾の下での以下の条件に従うことで、データを取得することができます。

2. 本データベースの全部または一部のデータを自由に再配布することができます。
3. 本データベースの全部または一部のデータを利用した、データベースなどの二次的著作物を自由に作成し、配布することができます。

生命科学データベースアーカイブ

DIAM 微生物情報 - 生物種リスト

[NBDC - アーカイブトップ - ヘルプ](#)

[データベースの説明](#) | [データ項目の説明](#) | [ダウンロード](#) | [利用許諾](#) | [ヘルプ](#)

テーブルリスト +

<利用者の方へ>

- ・ダウンロードボタン([Download])を押す前に利用許諾を注意深くお読み下さい。ダウンロードボタンを押すことによって、本利用許諾を承諾したものと見なします。

高度な検索

Group		Family		dicty_atlas.csv																							
Bacteria	Sphingomonadaceae			A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T	U			
Fungi	mitosporic Hypocreales			1	Clone name	Expression paths	Gene name	Product	Accession numb	round	tipped round	standing slug	young slug	migrating slug	slug	mexican hat	cumillard	mid culmilla	late culmilla	very late culmilla	fruity body						
Bacteria	Rhizobium/Agrobacteri			2	SLA449	pressure		related to heat	ALU06153																		
				3	SLJ70	pressure	pspA	cplA																			
				4	SFT56	pressure		calcium binding	CS9215																		
				5	SKT26	pressure		unknown	CI94273																		
				6	SLD233	pressure		related to SEC1	ALU06119																		
				7	SLA591	pressure		related to pspA	ALU06216																		
				8	SSB684	pressure		unknown	ALU071509																		
				9	SLA453	pressure		unknown	ALU050383																		
				10	SS248	pressure		unknown	ALU073745																		
				11	SEI143	pressure		unknown	ALU072303																		
				12	SEI392	pressure		related to ipse	ALU034952																		
				13	SLF177	pressure		unknown	ALU01750																		
				14	SLB171	pressure		EF-1A	ALU034063																		
				15	SLF503	pressure		SPB5	ALU053006																		
				16	SSK446	pressure		cyclophilin	CI9432																		
				17	SLB23	pressure		related to pers	ALU062238																		
				18	SLB116	pressure		related to spA	ALU060982																		
				19	SLB92	pressure		related to AIC1	ALU062282																		
				20	SFB94	pressure		unknown	CE04812																		
				21	SLC104	pressure		ABC transporter	ALU060898																		
				22	SSD150	pressure		unknown	CS92150																		
				23	SLF122	pressure		related to sigma	ALU011772																		
				24	SLK57	pressure		unknown	ALU060674																		
				25	SLB586	pressure		spore coat	ALU033901																		
				26	SLH115	pressure		costA	ALU061992																		
				27	SH704	pressure		unknown	ALU073628																		
				28	SSH904	pressure		wscA	ALU073587																		
				29	SSB780	pressure		related to CAP	ALU01553																		
				30	SSJ106	pressure		unknown	ALU03994																		
				31	SLB722	pressure		related to gutan	ALU034007																		
				32	SSD113	pressure		related to PA012918	ALU039218																		
				33	SLG203	pressure		EF-40	ALU039723																		
				34	SLC615	pressure		unknown	ALU034607																		
				35	SB171	pressure		unknown	ALU071293																		
				36	SLB45	pressure		related to endo	ALU062273																		
				37	SGS26	pressure		related to dpgA	ALU04045																		
				38	SSM188	pressure		unknown	CS93202																		
				39	SSB791	pressure		unknown	ALU03737																		
				40	SSK438	pressure		related to diess	ALU014346																		
				41	SLA466	pressure		unknown	ALU061959																		
				42	SSB895	pressure		related to stress	ALU015153																		
				43	SLA590	pressure		related to mouse	ALU060210																		
				44	SSL17	pressure		pspA	ALU061944																		
				45	SSJ438	pressure		prespore specific	CS93875																		
				46	SLF179	pressure		UDP-glucose 4	ALU014151																		
				47	SSG308	pressure		related to comII	ALU011803																		
				48	SLB128	pressure		related to gutel	ALU04233																		
				49	SSH606	pressure		spore coat	ALU033521																		
				50	SLB103	pressure		related to SPB5	ALU060864																		
				51	SSL337	pressure		unknown	ALU03878																		
				52	SSC609	pressure		aspA	CS9360																		
				53	SLK51	pressure		catG	CS9360																		

生命科学データベースアーカイブ 実習

実習1 至適生育温度が100度である微生物はDIAMにいくつ登録されているか。

実習2 至適生育温度が100度である微生物のTaxonomy IDや出典情報をダウンロードしてエクセルで聞く。

利用するデータベース：DIAM - 微生物情報

微生物の「同定・分類関連情報」「安全関連情報」「利用関連情報」に関する情報をその出典と共に提供するデータベース

生命科学データベースアーカイブ 実習

実習3 ヒトの肝臓サンプルにカフェイン(caffeine)を暴露した場合のマイクロアレイのデータをダウンロードする。

利用するデータベース : Open TG-Gates

170の化合物をラット個体およびラット・ヒト肝細胞へ曝露した際の遺伝子発現と毒性のデータベース

生命科学データベースアーカイブ 実習1+2

アーカイブデータベース一覧 (ヘルプ)

今後公開予定のデータベースを、「公開準備中のデータベース一覧」に掲載しています。

一覧内検索

① 「微生物」で検索

全2件 (1件から2件) 全56エントリからフィルタリング

10 件を表示 Previous Next

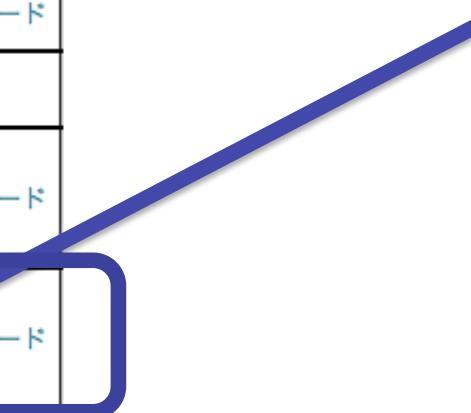
データベース	データベース運用場所	代表者	データベースカテゴリ	生物種	要約 (キーワードを太字表示)	利用許諾
微生物企画						
 DIAM - 微生物情報 ダウンロード 簡易検索	バイオインダストリー協会	-	文献	(ウイルス、真正細菌界、古細菌界、菌界、原生生物界を含む)	微生物の同定・分類関連情報、安全関連情報、利用関連情報データベース	CC 表示-継承 詳細
 WorTS - Worm TS mutant Database ダウンロード 簡易検索 オリジナルサイト	東京大学 関野研究室	田村邦明	変異型表現型	微生物の発生致死度感受性変異株のデータベース	CC 表示-継承 詳細	

② 「ダウンロード」をクリック

生命科学データベースアーカイブ 実習1+2

#	データ名	データファイル	検索&ダウンロード
1	README	README.html	-
2	生物種リスト	diam_microbe_species_list.zip (2.3MB)	検索&ダウンロード
同定・分類関連情報			
3	和名、分類等 (寄生虫の分類学的情報)	diam_microbe_ident1.zip (4.1KB)	検索&ダウンロード
4	分離源、至適生育温度等 (生理学的情報)	diam_microbe_ident2.zip (92.3KB)	検索&ダウンロード
5	ゲノムサイズ、G+C含量等 (Archaeaの化学成分情報)	diam_microbe_ident3.zip (1.6KB)	検索&ダウンロード
6	基準株 (Bacteriaの化学成分情報)	diam_microbe_ident4.zip (27.2KB)	検索&ダウンロード
7	菌体脂肪酸組成 (Bacteriaの化学成分情報)	diam_microbe_ident5.zip (58.4KB)	検索&ダウンロード

「検索&ダウンロード」
をクリック



生命科学データベースアーカイブ 実習1+2

DIAM 微生物情報 - 分離源、至適生育温度等 (生理学的情報) NBDC - アーカイブトップ - ヘルプ

データベースの説明 | データ項目の説明 | ダウンロード | 利用許諾 | ヘルプ

②

テーブルリスト +

<利用者の方へ>

- ・ダウンロードボタン([Download])を押す前に利用許諾を注意深くお読み下さい。ダウンロードボタンを押すことによって、本利用許諾を承諾したものと見なします。

Hide Advanced Search

③

Advanced Search

Species	string	<input type="text"/>
Taxonomy ID	integer	from <input type="text"/> to <input type="text"/>
Strain	string	<input type="text"/>
分離源	string	<input type="text"/>
至適生育温度	string	<input type="text"/> 100
至適生育pH	string	<input type="text"/>
出典	text	<input type="text"/>

Search Reset Download

表示されている5件分について表の内容をダウンロード

5 Found Columns ...

Species	Strain	分離源	至適生育温度	至適生育pH	出典	Show
Aeropyrum pernix	-	好気性、近海硫化水素	90-95-100	7(5-9)	46:1076* (volume:pages in the IJSB)	Show
Pyrococcus furiosus	-	高温泉	100(70-103)	7(5-9)	36:573 (volume:pages in the IJSB)	Show
Pyrococcus woesei	-	イタリア近郊の火山	100(70-103)	7(5-9)	38:136 (volume:pages in the IJSB)	Show
Thermofilum pendens	-	硫化高温泉	85-90(100)	5(2.8-6.7)	33:673 (volume:pages in the IJSB)	Show
Thermoproteus neutrophilus	-	高温泉	85-90(100)	5(2.8-6.7)	59:96 (volume:pages in the IJSB)	Show

5 Found

生命科学データベースアーカイブ 実習3

データベース	データベース運用場所	代表者	データベースカテゴリ	生物種	要約（キーワードを太字表示）	利用許諾	
	GDBS ダウンロード 簡易検索 オリジナルサイト	産業技術総合研究所 バイオ メディシナル情報センター	五條堀 孝	遺伝子多型	ヒト	多因子性疾患（関節リウマチ、尋常性乾癬、摂食障害）に関する遺 伝子多型情報をタイピングにより 解析したデータベース	CC 表示-継 承 詳細
	CIEST ダウンロード 簡易検索	産業技術総合研究所 生物ブ ロセス研究部門 生物共生進 化機構研究グループ	森山 実	cDNA	トコジラミ	トコジラミCimex lectulariusのさ まざまな器官や体全体に発現する 遺伝子配列(EST)のデータベース	CC 表示-継 承 詳細
	Open TG-GATEs 病理写真データベー ス ダウンロード 簡易検索 オリジナルサイト	独立行政法人 医薬基盤研究 所	トキシコゲ ノミクスブ ロジェクト	トキシコゲノミ クスデータベー ス	ラット	160の化合物を用いて実施した動物 試験で作製した肝臓および腎臓の 病理標本の高解像度画像データベー ス	CC 表示-継 承 詳細
	Open TG-GATEs ダウンロード 簡易検索 オリジナルサイト	独立行政法人 医薬基盤研究 所	トキシコゲ ノミクスブ ロジェクト	トキシコゲノミ クスデータベー ス	ヒト、ラッ ト	170の化合物をラット個体および ラット・ヒト肝細胞へ曝露した際 の遺伝子発現と毒性のデータベース	CC 表示-継 承 詳細
	DIAM - 微生物情報 ダウンロード 簡易検索 パブリックストリート会員	微生物全般 (ウイル ス、真正細 菌界、古細 菌界、古 細菌界)	微生物の同定・分類関連情報、安 全関連情報、利用関連情報データ ベース	CC 表示-継 承 詳細			

「ダウンロード」をクリック

生命科学データベースアーカイブ 実習3

Open TG-GATEs

このデータベースについて

- データベースの説明
- **ダウンロード**
- 利用許諾
- このデータベースの更新履歴

ダウンロード

はじめに利用許諾をお読みください。

なお、ここに表示したデータ名およびその説明は、生命科学系データベースアーカイブからダウンロード可能なデータについてのものです。オリジナルのデータベースの内容とは一致しない場合があります。

「データ名」のリンクをクリックすると、データ項目の説明を参照できます。

#	データ名	データファイル	検索&ダウンロード
1	README	README.html	-
2	化合物リスト	open_tggates_main.zip (6.4 KB)	検索&ダウンロード
3	遺伝子発現データ (CELファイル)	ヒトサンプルにおける遺伝子発現データ ラットサンプルにおける遺伝子発現データ	-
4	CELファイル属性情報	open_tggates_cel_file_attribute.zip (199 KB)	検索&ダウンロード
5	細胞試料	open_tggates_cell.zip (54 KB)	検索&ダウンロード
6	細胞生存率情報	open_tggates_cell_viability.zip (51 KB)	検索&ダウンロード
7	個体リスト	open_tggates_individual.zip (97 KB)	検索&ダウンロード
8	臓器重量情報	open_tggates_organ_weight.zip (379 KB)	検索&ダウンロード
9	血液学情報	open_tggates_hematology.zip (638 KB)	検索&ダウンロード
10	血液化学情報	open_tggates_biochemistry.zip (662 KB)	検索&ダウンロード

「検索&ダウンロード」
をクリック

生命科学データベースアーカイブ 実習3

Open TG-GATEs – Compound list

NBDC - アーカイブトップ - ヘルプ

データベースの説明 | データ項目の説明 | ダウンロード | 利用許諾 | ヘルプ

1

2

3

表示されている表の内容が
ダウンロード可能

マイクロアレイデータの
ダウンロードが可能

1 Found

COMPOUND_NAME	Human - in vitro	Rat - in vitro	Rat - In vivo - Liver - Single	Rat - In vivo - Liver - Repeat	Rat - In vivo - Kidney - Single	Rat - In vivo - Kidney - Repeat	Pathological Items (Liver)	Pathological Items (Kidney)	Columns ...
caffeine	CEL files [Attributes]	CEL files [Attributes]	CEL files [Attributes]	CEL files [Attributes]	CEL files [Attributes]	CEL files [Attributes]	[Pathological items] [Pathological images] [Attributes]	[Pathological images]	Show

1 Found

CEL files
[Attributes]

[Pathological items]
[Pathological images]
[Attributes]

[Pathological images]

Show

生命科学データベースアーカイブ

今までではアーカイブに保存されているDBを使う話
→DB/データセットを預けることも可能

- データを共有することが容易
利用許諾の標準テンプレートあり
DB/データセットごとの詳細なメタデータを付与

DB/データセットの寄託は
support@biosciencedbc.jp
までご相談下さい

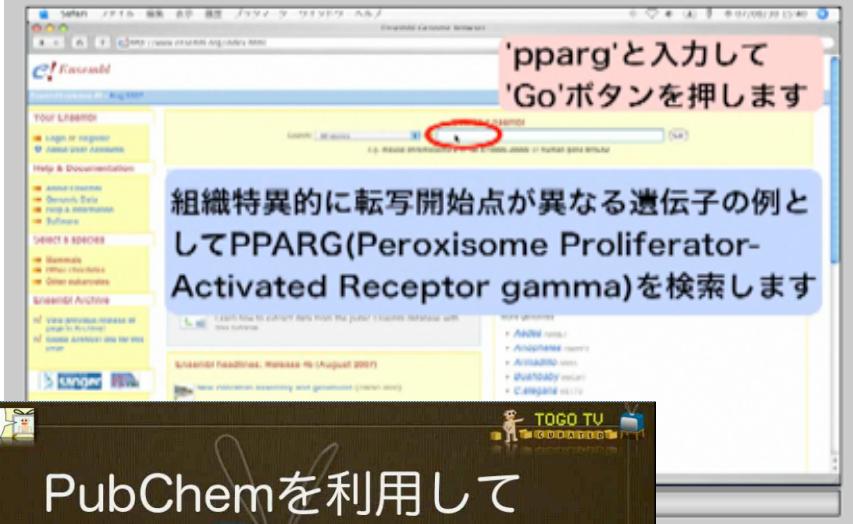
- データを長期、安定的に管理
NBDCでアーカイブ運営→独自のサイト管理は不要
担当者の異動やプロジェクト終了後のデータ公開が持続的に可能

統合TV

- DBやツールの使い方、講演を動画で配信
動画数：600件以上
吹き出しによる解説
- 好きなときには好きな場所で視聴可能
YouTubeからも視聴可能
iPadやiPhoneからも視聴可能
- 本日紹介したカタログ・横断検索・アーカイブの
使い方動画もあります

<http://togotv.dbcls.jp/>、<http://togotv-curated.dbcls.jp/>

統合TV



'pparg' と入力して
'Go'ボタンを押します

組織特異的に転写開始点が異なる遺伝子の例としてPPARG(Peroxisome Proliferator-Activated Receptor gamma)を検索します

PubChemを利用して
化学物質やアッセイの結果
を調べる

120326版

CC BY

00:00



使い倒し系チャンネル
統合TV
統合TV

統合TV CURATED

生命科学の使い倒し系チャンネル 統合TVのまとめサイト！

検索:

番組名	番組の説明文
1 文獻執筆支援ツールの紹介	本日の統合TVは、2010年6月23,24日にライフサイエンス統合データベースセンター（DBCLS）にて開催されたAJACS & 第22回DOBling講習会in東京より、DBCLS 山本泰吾 特任研究員による「文献執筆支援ツールの紹介」をお送りします。
2 統合データベースのサービス紹介～カタログ・アーカイブ・横断検索を中心	本日の統合TVは、2010年6月23,24日にライフサイエンス統合データベースセンター（DBCLS）にて開催されたAJACS & 第22回DOBling講習会in東京より、DBCLS 川本祥子 特任准教授による「統合データベースのサービス紹介～カタログ・アーカイブ・横断検索を中心～」をお送りします。
3 統合データベースプロジェクトの紹介	本日の統合TVは、2010年6月23,24日にDBCLSにて開催されたAJACS & 第22回DOBling講習会in東京より、DBCLS 高畠歩美 特任研究員による「統合データベースプロジェクトの紹介」をお送りします。
317 2010-06-29 分子可視化ソフト「Chimera」の使い方 2010応用編	ChimeraはPDBファイルなどのデータを元に生体高分子（主にタンパク質）の立体構造を3D画像で表示する分子可視化ソフトです。今回の番組では、基本編の内容を踏まえ、より高度な操作について解説しています。
316 2010-06-24 MIGAPの使い方～導入と基本操作～	MIGAP[Microbial Genome Annotation Pipeline]はライフサイエンス統合データベースセンター[DBCLS]が提供する塩基配列解析サービスです。MIGAPの特徴は原核生物ゲノム塩基配列に対しアノテーション（注釈）をつけることができます。本サービスは、塩基配列解析にMetaGeneAnnotatorとGlimmerとRNAmmer、配列相似性解析にNCBI BLASTを使用しています。
4 JCGGD8は質量分析による糖鎖構造解析のスペクトルや、レクチン-糖鎖相互作用のプロファイリング、糖鎖関連遺伝子など、糖鎖に関係するさまざまなデータベースを集めたウェブページです。 今回は横断検索にかけた結果を通して、データベースの種類と特徴について説明します。	JCGGD8は質量分析による糖鎖構造解析のスペクトルや、レクチン-糖鎖相互作用のプロファイリング、糖鎖関連遺伝子など、糖鎖に関係するさまざまなデータベースを集めたウェブページです。 今回は横断検索にかけた結果を通して、データベースの種類と特徴について説明します。
reference Expression	RefEx(Reference Expression dataset)は、ライフサイエンス統合データベースセンター[DBCLS]によるヒトやマウス遺伝子の解剖学的な発現パターンデータの統合サイトです。4種類の発現データ (EST, GeneChip, IAFU, CAGE)に対して、Witスーパーファミリーを付与されたinterProのアノテーションの申込から検索し、(IPR005817 Wit superfamilly)、Witファミリーに属する遺伝子群をその発現パターンと共に表示し可視化する方法を説明しています。なお、マップされる染色体の位置の順番に並び替えたり、ウェブブラウザの「文字を縮小」する機能を利用して発現パターンを縮小することができます。
4 次に、囊胞性線維症（「のうぼううせいせんいじょう」と読みます）の責任領域としてしられている7q31.2領域のエントリを発現の高い順に表示する方法を紹介します。さらに、その中のNM_000245 met proto-oncogeneに関して遺伝子の情報の詳解（絶対発現量、相対発現量、30人体マップでの発現量のピートマップ表示）をブラウズする方法を説明しています。	次に、囊胞性線維症（「のうぼううせいせんいじょう」と読みます）の責任領域としてしられている7q31.2領域のエントリを発現の高い順に表示する方法を紹介します。さらに、その中のNM_000245 met proto-oncogeneに関して遺伝子の情報の詳解（絶対発現量、相対発現量、30人体マップでの発現量のピートマップ表示）をブラウズする方法を説明しています。

→を自動で解析

<http://togotv.dbcls.jp/>、<http://togotv-curated.dbcls.jp/>

ライフサイエンス新着論文レビュー

- ・ **日本語による英語論文の解説記事**

公開数：250件以上

Nature, Scienceなどのトップジャーナル掲載記事

第一著者が日本人

著者本人の日本語による解説記事

- ・ **文章や図の再利用が可能**

CC表示により配布



著者、URLなどのクレジットを表示すること

<http://first.lifesciencedb.jp/>

ライフサイエンス新着論文レビュー

ライフサイエンス 新着論文レビュー



食事の時間を制限したマウスは高脂肪食を摂取しても肥満やメタボリックシンドロームにならない

2012年6月8日

羽鳥 恵

(米国Salk Institute for Biological Studies, Regulatory Biology Laboratory)

email : 羽鳥 恵

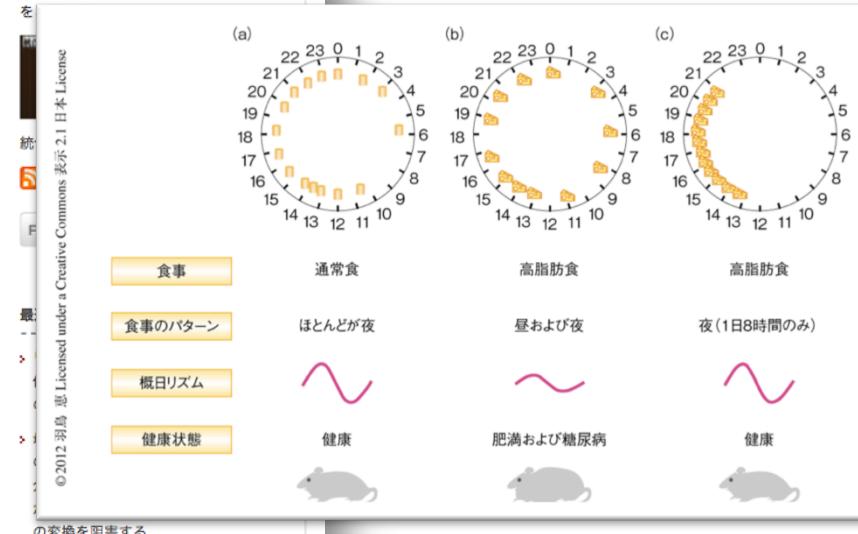
Time-restricted feeding without reducing caloric intake prevents metabolic diseases in mice fed a high-fat diet.
Megumi Hatori, Christopher Vollmers, Amir Zarrinpar, Luciano DiTacchio, Eric A. Bushong, Shubhroz Gill, Mathias Leblanc, Amandine Chaix, Matthew Joens, James A.J. Fitzpatrick, Mark H. Ellisman, Satchidananda Panda
Cell Metabolism, 15, 848-860 (2012)

要約

高脂肪食を摂取しつづけると肥満やメタボリックシンドロームになりやすい。それはなぜか? 夜行性であるマウスに通常食をあたえるとおもに夜間に摂取するが、高脂肪食をあたえると昼夜の差なく食べしつづける。それにもともない、肝臓などにおいて時計遺伝子や代謝にかかる遺伝子の発現の日内変動が減弱する。つまり、高脂肪食を自由に摂取できる環境におかれられたマウスは“食事の種類”と“概日リズムの振幅”の両方が変化する。筆者らは、高脂肪食がひき起こす肥満やメタボリックシンドロームは、食事の種類に起因するのか、それとも、概日リズムの振幅が減弱することに由来するのか、という疑問をもった。そこで今回、夜の時間帯の8時間にかぎり高脂肪食を摂取できるような環境にマウスをおいてみたところ、このマウスは高脂肪食を一日じゅう自由に摂取できるマウスと同じ程度の食事およびカロリーを摂取していたにもかかわらず、時計遺伝子の発現の振幅は正常であり、また、高脂肪食による肥満や炎症などの影響が軽減されていた。つまり、高脂肪食による肥満や炎症の原因は、概日リズムの振幅の減弱によるものではなく、高脂肪食によるエネルギー過剰によるものである。

このサイトについて

トップジャーナルに掲載された日本人を著者とする生命科学分野の論文について、論文の著者自身の執筆による日本語のレビューを、だれでも自由に閲覧・利用できるよう、いち早く公開します。くわしくは、「新着論文レビュー」とは



論文掲載が決まつたら
新着論文レビューへも
ぜひご協力ください!

<http://first.lifesciencedb.jp/>

- **微生物ゲノムの塩基配列にアノテーションを付けるパイプライン**
定評あるデータベースとアルゴリズムを組み合わせて計算
バクテリア、アーケア、菌類などの解析が可能
- **解析結果をさまざまな形式で出力**
csv形式、DDBJ登録形式、GenBank登録形式など
- **国立遺伝学研究所の「Webサービス利用アカウント」の取得が必要**

<http://www.migap.org/>

The screenshot shows the MiGAP Microbial Genome Annotation Pipeline interface. The top navigation bar includes links for Home, Forum, FAQ, Help, and Management Information. The main header features the MiGAP logo and the text "Microbial Genome Annotation Pipeline ver2.03". On the left sidebar, there are sections for Top Menu (including MiGAP Overview, Help, Contact, and Server Operator), Pipeline Login (with a MiGAP logo icon), Forum Login, User Name, Password, and an "Account" section with a "Get Account" button. The central content area displays a "Pipe Line" sidebar with options: Pipe Line, Pipe Line History, Change, User Level, Current, and Process. The main workspace shows a message about RNA-seq analysis and a "Input Pipe Line" section with status [Running:1 Waiting:0]. It includes fields for Pipe Line Name, Upload File Name (with a "Select..." button), and a box for pasting sample data. Below this is a large text area containing a DNA sequence. At the bottom, there are radio buttons for Linear, Circular, Bacteria, Archaea, and Eukarya, with "Eukarya" selected, and a dropdown menu showing "saccharomyces". Finally, there are "Run" and "Clear" buttons at the bottom.

<http://www.migap.org/>