

Kelime (Text) İşleme Algoritmaları

Prof. Dr. Banu Diri



- >Trie Ağacı
- ➤ Sonek Ağacı (Suffix Tree)
- ➤ Longest Common String (LCS)
- >Minimum Edit Distance

Ağaçların Bağlı Yapısı

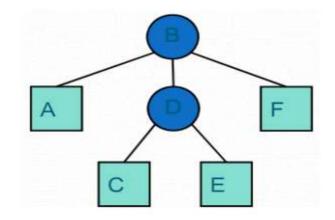
* Düğüm (node), çeşitli bilgiler ile ifade edilen bir nesnedir.

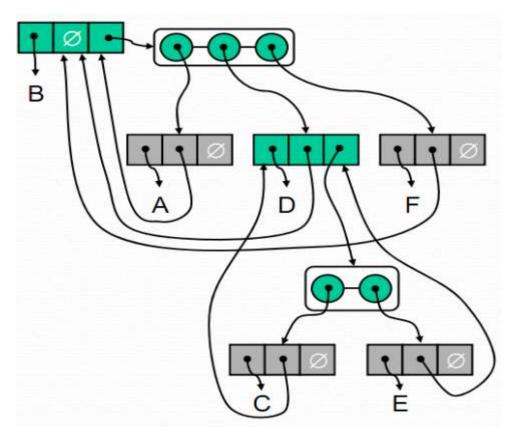
Her bir bağlantı (edge) için, birer

bağlantı bilgisi tutulur.

Nesne/Değer (Element)

- Ana düğüm (Parent node)
- Çocuk düğümlerin listesi





Metin ağaçları (TRIE)

Trie ağacının ismi re**trie**val kelimesininin [3..6] arasındaki harflerinden oluşmaktadır.

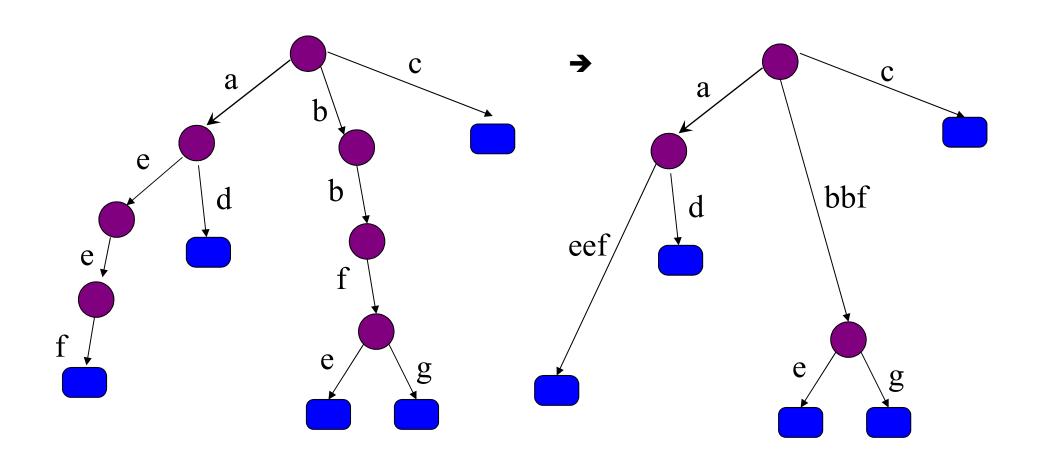
Bir ağacın üzerinde bir metin (string, sözlük, ...) kodlanmak isteniyorsa TRIE ağaçları tercih edilir.

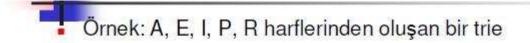
- İgili metni veren ağacın üzerinde izlenebilir tek bir yol vardır.
- Kök düğüm her zaman boş bir metni (string) ifade eder.
- Her düğüm kendisinden sonra gelen harfi işaret eder.
- Boş metin hangi harf ile devam ederse, o harfe ait dal takip edilir ve gelinen düğüm o ana kadar geçilmiş olan dallardaki harflerin birleştirilmiş halidir.
- Bir düğümden bir harf taşıyan sadece bir dal çıkabilir.
- Metin ağaçlarının en önemli avantajı, bir metni ararken metinin boyutu kadar işlem gerektirmesidir.
- Ağaçta ne kadar bilgi bulunduğunun önemi yoktur.
- Hafızayı verimli kullanırlar. Trie ağacının en derin noktası, ağaç üzerindeki en uzun metin kadardır.

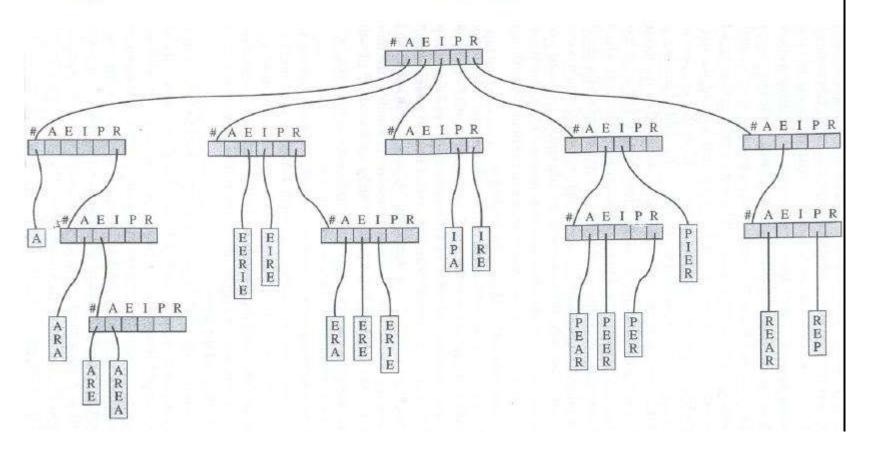
String kümesinin TRIE üzerinde gösterilimi

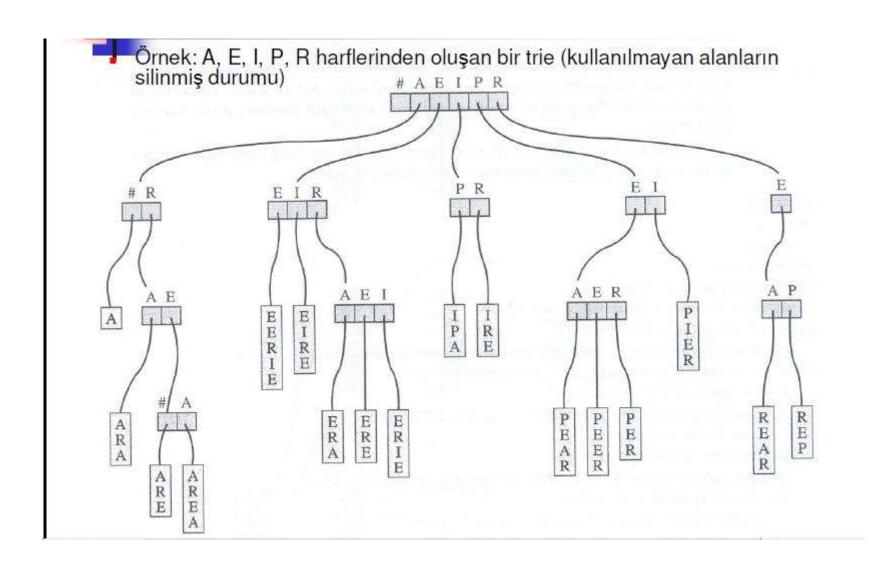
```
aeef
ad
                            a
                                   b
bbfe
bbfg
                      e
                                    b
                           d
```

Sikiştirilmiş TRIE









Örnek: A, E, I, P, R harflerinden oluşan bir trie'ın binary tree olarak gösterimi $IA \rightarrow IE \rightarrow II \rightarrow IR/$ $P \rightarrow R$ E - 11/ IE/ A - B E I R E $A \rightarrow E \rightarrow I$ I I R A E , A - , E - , R / 1 A --- 1 P / E R I E P I E R A R A E R E # -- IA/ R E A R A R E A

Suffix Tree

- > Suffix Tree (Sonek Ağacı) kelime işleme algoritmalarındandır
- > DNA dosyaları gigabyte seviyesinde yer kapladıklarından DNA analizinin elle yapılması mümkün değildir. Hatta, DNA dosyalarının bilgisayar yardımıyla işlenmesi de çok uzun sürmektedir.
- > Biyolojik veriler, arama motorları, derleyici tasarımı, işletim sistemi, veri tabanı, vs... kullanılır.

Suffix Trees

Substring bulma problemidir...

- Verilen text m uzunluğunda bir string (S)
- S için harcanan zaman O(m)
- Bulunması istenen string Q olup, n uzunluğunda olsun
- Q'nun S içerisinde aranması için harcanan zaman O(n)

Suffix Tree ler kullanılarak bu problemi çözebiliriz.

Suffix Tree'nin Tanımı

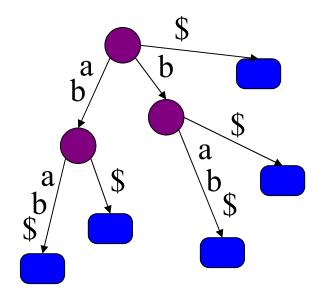
m uzunluğundaki bir 5 string için T suffix tree aşağıdaki özelliklere sahiptir:

- Köklü bir ağaçtır ve yönlüdür
- •1 ile m arasında etiketlenmiş m yaprağı vardır
- Ağaçtaki her bir dal S string nin bir alt stringini oluşturur
- Kökten, i. yaprağa kadar etiketlenmiş bir yol üzerindeki kenarlar birleştirilebilir
- Kök olmayan her ara düğümün en az 2 yaprağı vardır
- Bir düğümden çıkan kenarlar farklı karakterler ile başlar

S=abab

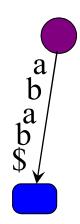
5 string'inin suffix tree'si, 5'nin bütün suffix'lerini sıkıştırılmış bir trie de tutsun. \$ sembolü ilgili suffix'in sonunu göstersin.

```
{
    $
    b$
    ab$
    bab$
    abab$
}
```

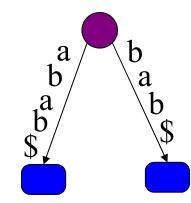


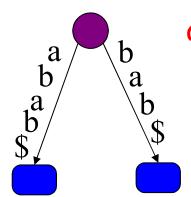
Suffix Tree'nin oluşturulması

En geniş suffix

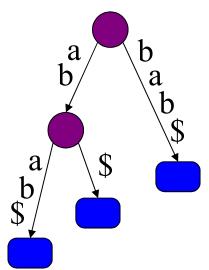


bab\$ suffix'inin eklenmesi

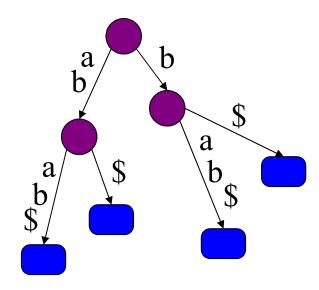


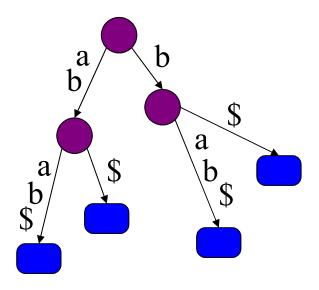


ab\$ suffix'inin eklenmesi

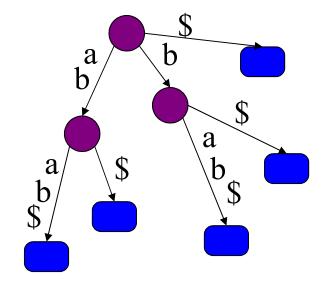


b\$ suffix'inin eklenmesi

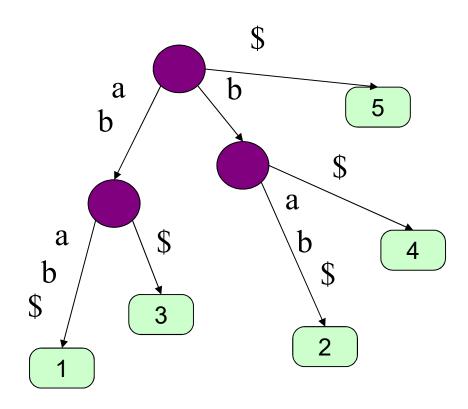




\$ suffix'in eklenmesi



Herbir yaprağı etiketleyerek nerden erişeceğimizi biliriz.



Longest Common Subsequence

A subsequence of a string S, is a set of characters that appear in left -to-right order, but not necessarily consecutively.

Example

ACTTGCG

- ACT, ATTC, T, ACTTGC are all subsequences.
- TTA is not a subequence

A common subequence of two strings is a subsequence that appears in both strings. A longest common subequence is a common subsequence of maximal length.

Example

S1 = AAACCGTGAGTTATTCGTTCTAGAA

S2 = CACCCCTAAGGTACCTTTGGTTC

S1 = AAACCGTGAGTTATTCGTTCTAGAA

S2 = CACCCCTAAGGTACCTTTGGTTC

LCS is ACCTAGTACTTTG

$$c[i,j] = \left\{ \begin{array}{ll} 0 & \text{if } i = 0 \text{ or } j = 0 \text{ ,} \\ c[i-1,j-1] + 1 & \text{if } i,j > 0 \text{ and } x_i = y_j \text{ ,} \\ \max(c[i,j-1], c[i-1,j]) & \text{if } i,j > 0 \text{ and } x_i \neq y_j \text{ .} \end{array} \right.$$

```
LCS - Length(X, Y)
 1 m \leftarrow length[X]
 2 \quad n \leftarrow length[Y]
 3 for i \leftarrow 1 to m
              do c[i,0] \leftarrow 0
      for j \leftarrow 0 to n
              do c[0, j] \leftarrow 0
      for i \leftarrow 1 to m
 8
               do for j \leftarrow 1 to n
 9
                          do if x_i = y_i
                                   then c[i, j] \leftarrow c[i - 1, j - 1] + 1
10
                                          b[i,j] \leftarrow "
11
                                   else if c[i-1, j] \ge c[i, j-1]
12
                                              then c[i,j] \leftarrow c[i-1,j]
13
14
                                                      b[i,j] \leftarrow "\uparrow"
                                              else c[i,j] \leftarrow c[i,j-1]
15
                                                      b[i,j] \leftarrow "\leftarrow"
16
17
      return c and b
```

 $X_{m=7} \rightarrow ACTTGCG$ $Y_{n=6} \rightarrow ATTCGG$

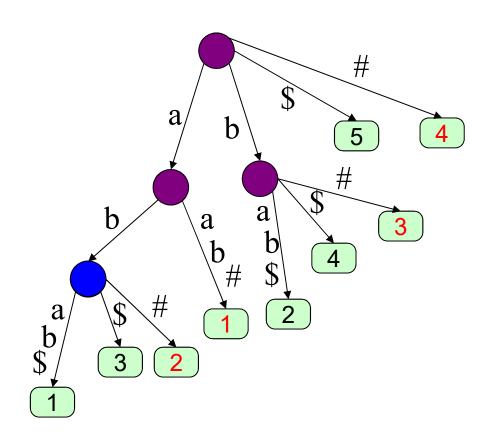
LCS→ ATTGG

			A	Т	Т	С	G	G
		0	1	2	3	4	5	6
	0	0	0	0	0	0	0	0
A	1	0	1	1 🕳	1_	1_	1_	1_
С	2	0	1 🕇	1 🕇	1 🕇	2	2=	2 —
Т	3	0	1 1	2	2	2 1	2 1	2 1
Т	4	0	1 🛊	2	3	3←	3_	3_
G	5	0	1 🕇	2 🛊	3 🕇	3 🕇	4	4
С	6	0	1 🕇	2 🕇	3 🕇	4	41	4 🕇
G	7	0	1 1	2 1	3 1	4 🕇	5	5

Longest Common Substring (of two strings)

S₁ aab#

S₂ abab\$



Longest Common Suffix

$$LCSuff(S_{1..p}, T_{1..q}) = \begin{cases} LCSuff(S_{1..p-1}, T_{1..q-1}) + 1 & \text{if } S[p] = T[q] \\ 0 & \text{otherwise} \end{cases}$$

Örnek: "ABAB" ve "BABA"

		Α	В	Α	В
	0	0	0	0	0
В	0	0	1	0	1
Α	0	1	0	2	0
В	0	0	2	0	3
Α	0	1	0	3	0

```
function LCSubstr(S[1..m], T[1..n])
L := array(1..m, 1..n)
z := 0
ret := {}
for i := 1..m
  for j := 1..n
    if S[i] = T[j]
       if i = 1 or j = 1
         L[i,j] := 1
         else
            L[i,i] := L[i-1,i-1] + 1
         if L[i,j] > z
           z := L[i,j]
           ret := {}
        if L[i,j] = z
           ret := ret \cup \{S[i-z+1..z]\}
```

return ret

Dinamik Programlama kodu

Minimum Edit Distance

- Is the minimum number of editing operations needed to transform one into the other
 - Insertion
 - Deletion
 - Substitution
- Many applications in string comparison/alignment, e.g., spell checking, machine translation, bioinformatics, etc.

Minimum Edit Distance

- If each operation has cost of 1
 - Distance between these is 5
- If substitutions cost 2 (Levenshtein)
 - Distance between them is 8

Minimum Edit Distance

One possible path

Defining Min Edit Distance

- For two strings S₁ of len n, S₂ of len m
 - distance(i,j) or D(i,j)
 - means the edit distance of S₁[1..i] and S₂[1..j]
 - i.e., the minimum number of edit operations need to transform the first i characters of S₁ into the first j characters of S₂
 - The edit distance of S₁, S₂ is D(n,m)
- We compute D(n,m) by computing D(i,j) for all i
 (0 ≤ i ≤ n) and j (0 ≤ j ≤ m)
- Note the index associated with the source/target string: first is source and second is the target

Defining Min Edit Distance

· Base conditions:

$$-D(i,0) = i$$
 /* deletion cost*/
 $-D(0,j) = j$ /* insertion cost*/

Recurrence Relation:

$$-D(i,j) = \min \begin{cases} D(i-1,j) + 1 & /* \text{ cost for deletion*/} \\ D(i,j-1) + 1 & /* \text{ cost for insertion*/} \\ D(i-1,j-1) + \begin{bmatrix} 2; & \text{if } S_1(i) \neq S_2(j) \\ 0; & \text{if } S_1(i) = S_2(j) \end{cases}$$
/* cost for substitution */

Dynamic Programming

- A tabular computation of D(n,m)
- Bottom-up
 - Compute D(i,j) for smaller i,j
 - Increase i, j to computer D(i,j) using previously computed values based on smaller indexes.

The Edit Distance Table

	#	E	X	E	C	U	T	I	0	N
#	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
I	1	50k	38	300		254 254	30	38	63	
N	2									
T	3		je B			3	8	38	6)	
E	4	236	18 16	300		Si Si	26	38	193 163	
N	5									
T	6	94: 33:	16 16			8	30	36 36		
Ι	7	XX	25			139	38	85	67	
O	8									
N	9	500 500	0.5	133		33	26	0 S	160	

target

N	9	630		100	0.0	0.0		400	0.0	300
0	8	98 35	78 92	8		3 24	88	100 100	8	89
I	7		ľ	Ī	(D)	(i-1,j)	† + 1	T	Ť	
Т	б	38	D(<i>l,j</i>)	= mir	ı D	(l,J-1)	+1	22 33		SECUL
N	5	A10			D	(i-1,j-1) +			≠ S ₂ (j)
Ε	4			U	1.	J	.1	U; II	S ₁ (1) =	= S ₂ (j)
	11	776	1				70	303		
Т	3	95	Λ							
T N	2	1		8	8	(S)	80	\$00 \$00	0	
N	W 200	1		6) 63	3	3	38 38	30 30 30	8	39 3 22 3
T N I #	2	1	2	3	4	5	6	7	8	9

Adding Backtrace to MinEdit

- · Base conditions:
 - D(i,0) = i
 - D(0,j) = j
- Recurrence Relation:

$$- D(i,j) = \min \begin{cases} D(i-1,j) + 1 & \text{DOWN} \\ D(i,j-1) + 1 & \text{LEFT} \\ D(i-1,j-1) + \begin{bmatrix} 1; & \text{if } S_1(i) \neq S_2(j) \\ 0; & \text{if } S_1(i) = S_2(j) \end{cases}$$

N	9	0.0	28	och			400		100
O	8						***	Ĭ.	
I	7			3.0			200	5.00	
Т	6	1							
N	5						3.3		
Е	4		\$0	300			100	30	131
T	3	18	88	10			SE	78 4s	8
nse	rtion								
I	1 2	3		34.8			7.45		
#	0 1	delet	ion	4	5	6	7	8	9
osti	tution E	X	E	C	U	Т	I	0	N

#	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
Ι	*	2	3							
N	2	93				20	322			me :
T	3	18 18				98	32			
Ε	4		Ĭ. j	Î ŝ	Ž		8	19, 11	J ₁ (1) -	■ S ₂ (j)-
N	5	100			(D)	i-1,j-1) +			≠ S₂(j)
T	6	28 - 3 16 - 3	D(<i>i,j</i>)	= min	D((i,j-1)	+ 1	18 <u>08</u> - 33		
Ι	7		B 8		(D)	 -1,j)	+ 1	8	8	
0	8	43				20	375			
N	9	38				58.	** **			88

	#	E	\mathbf{x}	E	C	U	T	I	O	N
#	0	1,	2	3	4	5	6	7	8	9
I	1	2	BL	S.	30	283		83	886	100
N	2	8		3 2	88	-900 -300	8	83 83	98 38	28 36
T	3			14.						
Ε	4									
N	5	G.		S)	200	263	6-	4	205	100
Т	6	8	3	3 2	38			88	98 38	78 36
Ι	7									
0	8	<u> </u>		34	30					
N	9	(5)		à	8	-80			A	8

	#	E	X	E	C	U	T	I	0	N
#	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
I	1	2	3	4	5	6	7	б	7	8
N	2	3	4	5	6	7	8	7	8	7
Т	3	4	5	6	7	8	7	8	9	8
E	4	3	4	5	6	7	8	9	10	9
N	5	4	5	6	7	8	9	10	11	10
T	6	5	6	7	8	9	8	9	10	11
I	7	6	7	8	9	10	9	8	9	10
0	8	7	8	9	10	11	10	9	8	9
N	9	8	9	10	11	12	11	10	9	8

MinEdit with Backtrace

n	9	18	/-19	/-↓10	/ 11	/⊢i 12	11	110	19	- 8	
0	8	17	1-18	1-19	/ 10	/111	110	19	28	9	
i	7	16	1-17	1-18	/-19	/ 10	⊥9	/8	- 9	-10	
t	6	1.5	/-16	1-17	/ 8	1-19	/8	-9	10	- 11	
n	5	14	1-15	1-16	7-17	1-18	<i>/</i> −↓9	/ 110	/ 11	/110	
6	4	/3	-4	1-5	6	⊷ 7	- 8	/-19	/⊷ <u> </u> 10	19	
t	3	1-14	1-15	/ +↓6	1-17	/-18	17	-18	1-19	18	
n	2	1-13	Z-14	J+15			/ - 18	17	1-18	17	
ī	1	1-12	1-13	1-14	/ ←15	1-16	y-17	16	⊢ 7	- 8	
#	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	
	#	e	x	e	c	u	ŧ	i	0	n	

MinEdit with Backtrace

	#	e	x	e	c	u	t	i	0	n	
, del	0		2	3	4	5	6	7	8	9	
September 1	1	sub	F + 4 m	1-14	1-15	∠-16	/ - ↓7	76	-7	- 8	
n	2	1-13	sub	1-15	/ LO	1-17	/⊢ 8	17	/-18	/7	
t	3	/ 4	1-15	2-16	ins	/-18	17	8	/-19	↓8	
6	4	13	← 4	1-5	- 6	sub 7	-↓8	/ 9	/ 110	19	
n	5	1.4	1-15	1-16	1-17	1-18	/-19	/ ← 110	√- <u> </u> 11	/110	
t	6	1.5	1-16	1-17	/-18	/19	/8	-9	+ 10	-111	
i	7	1.6	/-17	/18	/-19	/ 10	⊥9	18	- 9	10	
0	8	17	∠ '←18	∠ <u></u>	/-↓10	2-111	110	10	/8	- 9	
n	9	1.8	√ -19	/⊷j 10	/ 11	/ 12	111	110	. 9	78	

Performance

- Time: O(nm)
- Space: O(nm)
- Backtrace: O(n+m)