Zmiany klimatyczne doprowadziły do jednoczesnego występowania różnych stresów abiotycznych i biotycznych, oddziaływujących na niemal wszystkie organizmy żywe. Kiedy rośliny są poddawane kombinacji kilku czynników stresogennych, mogą aktywować specyficzne i charakterystyczne reakcje na stres. Aby lepiej zrozumieć tolerancję na stres, zaleca się zintegrowanie różnych informacji i wyników uzyskanych poprzez zastosowanie metod z różnych dziedzin badawczych.

Niedobór wody jest kluczowym czynnikiem zwiększającym częstotliwość występowania chorób powodowanych przez grzyby z rodzaju *Fusarium*. W odpowiedzi na kilka czynników stresogennych, rośliny muszą dostosować się do indywidualnych potrzeb, ponieważ w wielu przypadkach pojedyncze stresy zazwyczaj wywołują sprzeczne reakcje. Stąd potrzeba poszerzonych badań nad interakcjami pomiędzy roślinami a grzybami. Strategia ucieczki przed suszą (ang. Drought Escape - DE) okazuje się skutecznym narzędziem zwalczania nie tylko niedoboru wody, ale także infekcji patogenami. Z tego względu aktywacja bioaktywnych substancji chemicznych, takich jak antocyjany, można uznać za jeden z najskuteczniejszych mechanizmów zwiększania tolerancji roślin na stres, ponieważ te metabolity działają jako silne przeciwutleniacze, a także wykazują działanie przeciwwirusowe, przeciwbakteryjne i grzybobójcze.

Głównym celem projektu jest rozszyfrowanie wieloczynnikowej reakcji roślin na stres i jej powiązania z zawartością antocyjanów i biosyntezą tychże substancji. Wyniki proponowanych eksperymentów przyczynią się do wyjaśnienia podstawowych mechanizmów przyczyniających się do tolerancji upraw zbóż w konfrontacji z kombinacją wielu czynników stresogennych. Mechanizmy te będą badane na wielu poziomach obejmujących: profilowanie transkryptomiczne, analizę fenolomu oraz szczegółowe obserwacje histologiczne i mikromorfologiczne. Ponadto zastosowane zostaną innowacyjne technologie fenotypowania w celu uzyskania wszechstronnego zrozumienia dynamicznych zmian w morfologii i architekturze korzeni oraz pędów, związanych z wieloczynnikowymi warunkami stresowymi.

Nasz projekt opiera się na hipotezach, że: (i) tolerancja na stres związana z wczesnym kwitnieniem jest powiązana ze zmianami w biosyntezie antocyjanów w różnych tkankach lub częściach roślin. Z kolei na intensywność tej biosyntezy wpływają dynamiczne zmiany w rozwoju rośliny. (ii) Działanie antocyjanów umożliwia roślinom późno kłoszącym się – tym, które nie mogą przyspieszyć swojego wzrostu w stopniu wystarczającym, aby uniknąć warunków stresowych rozwinięcie zdolności do minimalizowania negatywnych skutków stresu.

Aby zweryfikować te hipotezy, zastosujemy metody, które będą modyfikować rozwój roślin charakteryzujących się dużą zawartością antocyjanów lub niedoborem antocyjanów, uzyskanych w wyniku kombinacji krzyżówkowych mutantów antocyjanowych i genotypów wczesno/późno kłoszących się.

Zastosowanie regulatorów wzrostu roślin umożliwi przyspieszenie lub spowolnienie wzrostu roślin zarówno wczesnych, jak i późnych. Dodatkowo wykorzystamy specjalistyczne narzędzia do oceny roli mikroorganizacji antocyjanów, uznawanych za marker dynamicznych zmian w odporności roślin.

W proponowanym projekcie, przeprowadzimy kompleksowe badania w celu zbadania roli antocyjanów w reakcjach roślin wywołanych stresem. Badania te będą obejmowały: (i) analizę transkryptomu, (ii) profilowanie związków fenolowych, (iii) mikrodystrybucję cząsteczek antocyjanów oraz (iv) ocenę fenotypową w czasie rzeczywistym, roślin zróżnicowanych zarówno pod względem fenologii, jak i zawartości antocyjanów.

Integracja metod multiomicznych jest podstawowym aspektem tych badań, ponieważ pozwala na powiązanie genotypu z fenotypem, zapewniając kompleksowe zrozumienie procesów biologicznych, takich jak wielokrotna reakcja na stres u roślin. Proponowany projekt może poszerzyć naszą wiedzę na temat złożonego związku między akumulacją antocyjanów a odpornością na liczne stresy, w szczególności w kontekście zmian w fenologii roślin.