

Laboratorio/getXmlDati

Indice

1. [Descrizione](#)
2. [Invocazione](#)
3.
 1. [Autenticazione](#)
 2. [URL di chiamata](#)
 3. [Parametri di chiamata](#)
 4. [Combinazioni di chiamata](#)
4. [Output](#)
5.
 1. [Struttura XML di risposta](#)
 2. [Struttura dei singoli rami](#)

Descrizione

Servizio che fornisce i risultati di laboratorio per i dati criteri impostati

Invocazione

Autenticazione

L'autenticazione avviene attraverso la verifica di utente e password che vanno inseriti come header "Authentication" nell chiamata di invocazione in formato "<utente>:<password>"

URL di chiamata

http://<applicationserver>:<port>/<application>/Action/Laboratorio/getXmlDati/{ "<parametro1>":<valore1>,"<parametro2>":<valore2>, .. , "<parametron>":<valoren> }

Parametri di chiamata

| Nome | Tipo | Obbligatorietà | Descrizione |
|-------------------------|---|---|--|
| modalita | String (valori accettati: "PAZIENTE", "PAZIENTE_REPARTO", "RICOVERO") | SI | Filtro principale da applicare ai dati |
| idPatient | String | SI | Identificativo del paziente |
| forzaVerificaAnagrafica | Boolean (default false) | NO | Indica se verificare l'anagrafica utilizzando i dati fondamentali contenuti nel parametro 'paziente' |
| paziente | Object (struttura , esempio) | se omissso "idPatient" oppure se "forzaVerificaAnagrafica" è impostato a "true" | Dati fondamentali del paziente |
| reparto | String | se "modalita" è impostato a "PAZIENTE_REPARTO" | Identificativo del reparto |
| nosologico | String | se "modalita" è impostato a "RICOVERO" | Identificativo del ricovero |
| daData | String (formato "yyyyMMdd") | NO | Data di inizio dell'intervallo temporale |
| aData | String (formato "yyyyMMdd") | NO | Data di fine dell'intervallo temporale |
| elencoEsami | String (sequenza di codici separati dal carattere ",") | NO | Codici prestazione |
| branca | String [valori accettati: "L"(laboratorio), "A" (microbiologia)] | NO | Codica branca |
| numRichieste | Integer | NO | Valore per limitare temporalmente il dato alle ultime n richieste |
| provRisultati | String [valori accettati: "INT"(interni), "EST"(esterni), "PS"(pronto soccorso), "INS_MANU"(inserimento manuale)] | NO | Codice provenienza del dato |

Struttura parametro "paziente"

Il parametro paziente si presenta come sub-document ed accetta le seguenti proprietà:

| Nome | Tipo | Obbligatorietà | Descrizione |
|----------------|--|----------------|--|
| nome | String | SI | Nome del paziente per cui vengono richiesti i dati |
| cognome | String | SI | Cognome del paziente per cui vengono richiesti i dati |
| sex | String (valori accettati: "M", "F", "X") | SI | Sesso del paziente per cui vengono richiesti i dati |
| dataNascita | String (formato "yyyyMMdd") | SI | Data di nascita del paziente per cui vengono richiesti i dati |
| comuneNascita | String (valore composto dal codice regione + codice comune) | SI | Codice comune di nascita del paziente per cui vengono richiesti i dati |
| codiceFiscale | String | SI | Codice fiscale del paziente per cui vengono richiesti i dati |
| identificativi | Object (struttura , esempio) | NO | Identificativi del paziente per cui vengono richiesti i dati |

Struttura parametro "paziente.identificativi"

Il parametro identificativi si presenta come sub-document contenente coppie chiave-valore con il seguente significato:

- Chiave : assigning authority dell'identificativo anagrafico
- Valore : identificativo anagrafico relativo alla chiave

Esempio struttura parametro "paziente":

```
"paziente":{
  "nome":"TIZIO"
  ,"cognome":"CAIO"
  ,"sex":"M"
  ,"dataNascita":"19709023"
  ,"comuneNascita":"009015"
  ,"codiceFiscale":"TZICAI70P23I480Q"
  ,"identificativi":{
    "AAC":"100"
    ,"ONE.SYS":"400"
  }
}
```

Combinazioni di chiamata

1. Richiesta dati del paziente

```
{"modalita":"PAZIENTE", "idPatient", "<valore>"}
{"modalita":"PAZIENTE", "paziente", "<valore>"}
{"modalita":"PAZIENTE", "idPatient", "<valore>", "paziente", "<valore>", "forzaVerificaAnagrafica", "<valore>"}
```

2. Richiesta dati del paziente richiesti da uno specifico reparto

```
{"modalita":"PAZIENTE_REPARTO", "idPatient", "<valore>", "reparto":"<valore>"}
{"modalita":"PAZIENTE", "paziente", "<valore>", "reparto":"<valore>"}
{"modalita":"PAZIENTE", "idPatient", "<valore>", "paziente", "<valore>", "forzaVerificaAnagrafica", "<valore>", "reparto":"<valore>"}
```

3. Richiesta dati del ricovero

```
{"modalita":"RICOVERO", "idPatient", "<valore>", "nosologico", "<valore>"}
{"modalita":"PAZIENTE", "paziente", "<valore>", "nosologico", "<valore>"}
{"modalita":"PAZIENTE", "idPatient", "<valore>", "paziente", "<valore>", "forzaVerificaAnagrafica", "<valore>", "nosologico", "<valore>"}
```

Output

L'output si presenta in formato JSON e rispetta la seguente struttura:

```
{
  "success":<boolean>, //indica la corretta esecuzione del servizio
  "message":<string>, //eventuale messaggio di errore
  "documento":<string> //rappresentazione XML dei dati richiesti
}
```

La proprietà "documento" si presenta in formato XML e rispetta la seguente struttura:

```
<ROOT>

  <DATICONF>

    <!--riepilogo dati anagrafici-->
    <DATIANAG COGNOME="" NOME="" CODFISC="" SESSO="" DATANASC=""/>

  </DATICONF>

  <ANALISI>

    <!--elenco analisi contenute nel documento-->
    <RICHIESTA IDEN_RICHIESTA="" INT_EST="" STRIDRICHIESTA="" DATA="" ORA="" TIPO="" COD_CDC="" DESCR_CDC="" NOTE=""/>
    <RICHIESTA IDEN_RICHIESTA="" INT_EST="" STRIDRICHIESTA="" DATA="" ORA="" TIPO="" COD_CDC="" DESCR_CDC="" NOTE=""/>
    ...
    ...
    <RICHIESTA IDEN_RICHIESTA="" INT_EST="" STRIDRICHIESTA="" DATA="" ORA="" TIPO="" COD_CDC="" DESCR_CDC="" NOTE=""/>

  </ANALISI>

  <!-- Elemento contenente i risultati degli esami svolti-->
  <ESAMI>

    <!-- Gruppo di visualizzazione (ripetibile)-->
    <GRUPPO DESCR_GRUPPO="">

      <!-- Profilo (ripetibile)-->
      <ANALISI_MULTI IDESAMEMULTIPLIO="" DESCR="">

        <!-- Esame specifico (ripetibile)-->
        <ESAME COD_DEC="" COD_ESA="" DESCR="" VALORERIFMIN="" VALORERIFMAX="" VALORERIF="" UNMISURA="" MATERIALE="" CODICE_MATERIALE="" >

          <-- Elenco risultati, l'attributo "IDEN_RICHIESTA" fa riferimento all'attributo "/ROOT/ANALISI/RICHIESTA/@IDEN_RICHIESTA" -->
          <RICHIESTA IDEN_RICHIESTA="" RICHIESTA_VALIDATA="" RISULTATOESAMELUNGO="" GERMI="" PROGRANALISI="" PROGRANALISIPR=""></RICHIESTA>
          <RICHIESTA IDEN_RICHIESTA="" RICHIESTA_VALIDATA="" RISULTATOESAMELUNGO="" GERMI="" PROGRANALISI="" PROGRANALISIPR=""></RICHIESTA>
          ...
          ...
          <RICHIESTA IDEN_RICHIESTA="" RICHIESTA_VALIDATA="" RISULTATOESAMELUNGO="" GERMI="" PROGRANALISI="" PROGRANALISIPR=""></RICHIESTA>

        </ESAME>

      </ANALISI_MULTI>

    </GRUPPO>

  </ESAMI>

</ROOT>
```

Struttura dei singoli rami

- /ROOT/DATICONF/DATIANAG**

| Nome attributo | Descrizione |
|----------------|---|
| COGNOME | Cognome dell'assistito |
| NOME | Nome dell'assistito |
| CODFISC | Codice fiscale dell'assito |
| SESSO | Sesso dell'assistito |
| DATANASC | Data di nascita dell'assistito (formato 'yyyyMMdd') |
- /ROOT/ANALISI/RICHIESTA**

| Nome attributo | Descrizione |
|----------------|---|
| IDEN_RICHIESTA | Identificativo interno della richiesta |
| INT_EST | Provenienza richiesta ["T"(interna), "E"(esterna), "PS"(pronto soccorso)] |
| STRIDRICHIESTA | Identificativo esterno(laboratorio analisi) della richiesta |
| DATA | Data della richiesta |
| ORA | Ora della richiesta |
| TIPO | Provenienza dato ["LAB"(laboratorio analisi), "PS"(pronto soccorso), "INS_MANU"(inserimento manuale)] |
| COD_CDC | Codice reparto richiente della richiesta |
| DESCR_CDC | Descrizione reparto richiedente della richiesta |
| NOTE | Note della richiesta |

- **ROOT/ESAMI/GRUPPO**

| Nome attributo | Descrizione |
|----------------|----------------------------|
| DESCR_GRUPPO | Descrizione raggruppamento |

- **ROOT/ESAMI/GRUPPO/ANALISI_MULTI**

| Nome attributo | Descrizione |
|-----------------|----------------------------|
| IDESAMEMULTIPLO | Identificativo del profilo |
| DESCR | Descrizione del profilo |

- **ROOT/ESAMI/GRUPPO/ANALISI_MULTI/ESAME**

| Nome attributo | Descrizione |
|------------------|---|
| COD_DEC | Codice interno della prestazione |
| COD_ESA | Codice esterno(laboratorio analisi) della prestazione |
| DESCR | Descrizione della prestazione |
| VALORERIFMIN | Valore di riferimento minimo della prestazione |
| VALORERIFMAX | Valore di riferimento massimo della prestazione |
| VALORERIF | Valore/i di riferimento descrittivo della prestazione |
| UNMISURA | Unità di misura della prestazione |
| MATERIALE | Descrizione materiale legato alla prestazione |
| CODICE_MATERIALE | Codice materiale legato alla prestazione |

- **ROOT/ESAMI/GRUPPO/ANALISI_MULTI/ESAME/RICHIESTA**

Il testo del nodo contiene il risultato numerico della prestazione

| Nome attributo | Descrizione |
|---------------------|--|
| IDEN_RICHIESTA | Identificativo interno della richiesta |
| RICHIESTA_VALIDATA | Stato della richiesta ["4" (in lavorazione), "5" (parzialmente refertata), "6" (refertata), "7" (validata), "7,3" (da firmare), "7,6" (firmata), "8" (stampata)] |
| RISULTATOESAMELUNGO | Risultato descrittivo della prestazione |
| GERMI | Riscontro di germi sul campione analizzato |
| PROGRANALISIPR | Identificativo del profilo all'interno della richiesta |
| PROGRANALISI | Identificativo dell'analisi all'interno del profilo della richiesta |