# **CURSO SABATINO**

HERRAMIENTAS GNU/LINUX PARA EL MANEJO DE DATOS DE SECUENCIACIÓN MASIVA Y ANÁLISIS DE AMPLICONES DE 16S rRNA (40 HORAS)

## Fechas (Sábados):

3, 10, 17, 24 de Febrero y 3 de Marzo

#### Lugar:

Ignacio Allende 21 Col. Ampliación Torre Blanca. CDMX.

#### Horario

09:00 am - 05:00 pm

#### **Instructor:**

M. en C. Otoniel Maya

### **Inscripciones:**

http://atgenomics.github.io/registro

#### **Contacto:**

atgenomics@gmail.com (044) 55-2090-3653

## Más información:

http://atgenomics.github.io/w/16s

Costo \$4,000.00 + 16 % IVA (en caso de requerir factura)

