

Zbiór mniej lub bardziej ciekawych algorytmów i struktur danych, jakie bywały omawiane na wykładzie (albo i nie).

PRACA ZBIOROWA POD REDAKCJĄ Krzysztofa Piecucha

Korzystać na własną odpowiedzialność.

Spis treści

1	\mathbf{Pod}	stawy	5
	1.1	Złożoność obliczeniowa	6
	1.2	Model obliczeń	7
	1.3	Twierdzenie o rekursji uniwersalnej	8
		1.3.1 Przykłady wykorzystania twierdzenia	9
2	Stru	ıktury danych	11
	2.1	Kopce binarne	12
3	Algo	orytmy	15
	3.1	Sortowanie bitoniczne	16
	3.2	Algorytm rosyjskich wieśniaków	21
	3.3	Algorytm macierzowy wyznaczania liczb Fibonacciego	24
	3.4	Sortowanie topologiczne	26
	3.5	Algorytmy sortowania	27
	3.6	Minimalne drzewa rozpinające	
		3.6.1 Cut Property i Circle Property	
		3.6.2 Algorytm Prima	28
		3.6.3 Algorytm Kruskala	28
		3.6.4 Algorytm Borůvki	28
	3.7	Algorytm Dijkstry	29
	3.8	Algorytm szeregowania	
	3.9	Programowanie dynamiczne na drzewach	31
		Mnożenie macierzy	32
\mathbf{D}	odate	ek A Porównanie programów przedmiotu AiSD na różnych	
	ucze	elniach	35

Rozdział 1

Podstawy

1.1 Złożoność obliczeniowa

1.2 Model obliczeń

1.3 Twierdzenie o rekursji uniwersalnej

Twierdzenie o rekursji uniwersalnej pozwala nam ocenić złożoność obliczeniową algorytmu, który wywołuje się rekurencyjnie dla mniejszych danych.

```
Procedura T 1:

Input: n

if (n < constant) then

| return |

end

Stwórz a podproblemów wielkości n/b w czasie c(n)

for i \leftarrow 1 to a do

| T[n/b] |

end

Połącz wyniki w czasie d(n)
```

Złożoność takiego algorytmu możemy zapisać zależnością rekurencyjną

$$T(n) = aT(\frac{n}{b}) + f(n)$$

$$gdzie f(n) = c(n) + d(n)$$

Twierdzenie 1. Rekurencja $T(n) = aT(\frac{n}{b}) + f(n)$ może zostać rozwiązana

- $je\dot{z}eli\ af(n/b)=cf(n)\ gdzie\ c<1,\ to\ T(n)=\Theta(f(n))$
- $jezeli \ af(n/b) = cf(n) \ gdzie \ c > 1$, to $T(n) = \Theta(n^{log_b a})$
- $je\dot{z}eli\ af(n/b) = f(n),\ to\ T(n) = \Theta(f(n)log_bn)$

Jeżeli f(n) jest większy o wielokrotność stałej od af(b/n), wtedy suma jest malejącym ciągiem geometrycznym. Suma każdego ciągu geometrycznego jest wynikiem przemnożenia jej największego elementu przez stałą. W tym przypadku największym elementem jest f(n).

Jeżeli f(n) jest mniejszy o wielokrotność stałej od af(b/n), wtedy suma jest rosnący ciągiem geometrycznym. Suma każdego ciągu geometrycznego jest wynikiem przemnożenia jej największego elementu przez stałą. W tym przypadku, jako, że $f(1) = \Theta(1)$ ostatni element sumy to ilość liści w drzewie rekursji $\Theta(a^{log_b n}) = \Theta(n^{log_b a})$

Jeżeli f(n) = af(b/n) to każdy element sumy jest równy f(n).

Tutaj wstawiłbym rysunek drzewka rekursji, ale nie umiem

1.3.1 Przykłady wykorzystania twierdzenia

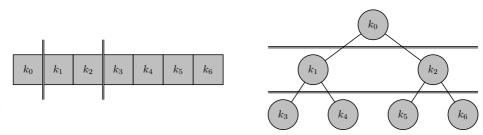
- Mergesort: $T(n) = 2 * T(n/2) + n \log(n)$ a * f(n/b) = 2 * n/2 = n = f(n), wiec $T(n) = \Theta(n\log n)$
- Mergesort z dziwnym mergem(przykład z próbnego egzaminu): T(n) = 2 * T(n/2) + n log(n)
 - a*f(n/b)=2*n/2*log(n/2)=n*log(n/2)=n*(log(n)-1),nie możemy zastosować tutaj prostej równości, jednak zauważmy, iż przy odpowiednio dużym n
 wartość ta jest bliska f(n); tj. $\lim_{x\to\infty}\frac{nlog(n)}{n(log(n)-1)}=1,$ więc
 $T(n)=n*log(n)*log(n)=n*log^2(n)$
- Mergesort z mergem w czasie stałym
(przykład z próbnego egzaminu): T(n) = 2 * T(n/2) + 1
 - a*f(n/b)=2, więc nasze twierdzenie nie będzie miało zastosowania. Można jednak łatwo zauważyć, że $T(n)=\Theta(n)$ i udowodnić to indukcyjnie.
- Algorytm Karatsuby: $T(n) = 3 * T(n/2) + n \ a * f(n/b) = \frac{3}{2} * n; \frac{3}{2} > 1,$ wiec $T(n) = n^{\log_2(3)}$.

Rozdział 2 Struktury danych

2.1 Kopce binarne

Kopiec binarny to struktura danych, która reprezentowana jest jako prawie pełne drzewo binarne 1 i na której zachowana jest własność kopca. Kopiec przechowuje klucze, które tworzą ciąg uporządkowany. W przypadku kopca typu min ścieżka prowadząca od dowolnego liścia do korzenia tworzy ciąg malejący.

Kopce można w prosty sposób reprezentować w tablicy jednowymiarowej –kolejne poziomy drzewa zapisywane są po sobie.



Rysunek 2.1: Reprezentacja kolejnych warstw kopca w tablicy jednowymiarowej.

Warto zauważyć, że tak reprezentowane drzewo pozwala na łatwy dostęp do powiązanych węzłów. Synami węzła o indeksie i są węzły 2i+1 oraz 2i+2, natomiast jego ojcem jest $\left|\frac{i-1}{2}\right|$.

Kopiec powinien udostępniać trzy podstawowe funkcje: zamien_element, która podmienia wartość w konkretnym węźle kopca, przesun_w_gore oraz przesun_w_dol, które zamieniają odpowiednie elementy pilnując przy tym, aby własność kopca została zachowana.

```
egin{aligned} \mathbf{if} & k[i] < v & \mathbf{then} \ & k[i] = v; \ & \mathrm{przesum\_w\_dol}(k, i); \ & \mathbf{end} \ & \mathbf{else} \ & k[i] = v; \ & \mathrm{przesum} & w & \mathrm{gore}(k, i); \end{aligned}
```

Algorithm 2: Implementacja funkcji zamien_element

Chciałbym, aby skrypt był skryptem żebyśmy tam pisali formalnie. Dlatego definicję kopca chciałbym mieć zapisaną formalnie (bez przypisów) i w znacznikach begin{definition} end{definition} Teraz śmieszna rzecz jest taka, że kopiec trudno ładnie formalnie zdefiniować na drzewach. W sensie najpierw musielibyśmy powiedzieć co to jest poziom w drzewie, co to jest pełny poziom w drzewie a następnie w sumie to nawet ja nie wiem jak to ładnie zdefiniować na drzewach :F Więc zamiast mówić, że kopiec to drzewo które można reprezentować v tablicy, lepiej zdefiniować kopiec jako tablicę na którą możemy patrzeć jako na drzewo. Wtedy

patrzeć jako na drzewo. Wtedy musimy zdefiniować co to jest lewy syn elementu w tablicy, prawy syn oraz ojciec. Na tej podstawie będzie łatwiej nam zdefiniować własność kopca jako, że dla każdego wierzchołka wartość elementu jest mniejsza od wartości elementów jego

dzieci. Jeśli

wolimy zamiast tego powiedzieć że ciąg elementów na

ścieżce od liścia do

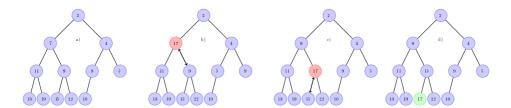
korzenia tworzy
ciag malejący to
musimy
zdefiniować co to
jest liść, korzeń i
ścieżka. Co da się
zrobić ale nie wiem
czy jest to warte
świeczki, gdyż to
będzie bodajże
jedyne miejsce w
których użyjemy
tych definicji).
Zamień element

end

ale funkcje przesun w dol i przesun w gore są ważniejsze. Ponadto nie chcemy nazywać funkcje w języku polskim.

jest fajną funkcją

¹To znaczy wypełniony na wszystkich poziomach (poza, być może, ostatnim).



Rysunek 2.2: Przykład działania funkcji zamien_element. a) Oryginalny kopiec. b) Zmiana wartości w wyróżnionym węźle. c) Ponieważ nowa wartość jest większa od wartości swoich dzieci, należy wykonać wywołanie funkcji przesn_w_dol. d) Po zmianie własność kopca nie jest zachowana, dlatego należy ponownie wywołać funkcję przesn_w_dol. To przywraca kopcowi jego własność.

Rozdział 3

Algorytmy

3.1 Sortowanie bitoniczne

W tym rozdziale przedstawimy algorytm sortowania bitonicznego. Jest to algorytm działający w czasie $O(n\log^2 n)$ czyli gorszym niż inne, znane algorytmy sortujące takie jak sortowanie przez scalanie albo sortowanie szybkie. Zaletą sortowania bitonicznego jest to, że może zostać uruchomiony równolegle na wielu procesorach. Ponadto, dzięki temu, że algorytm zawsze porównuje te same elementy bez względu na dane wejściowe, istnieje prosta implementacja fizyczna tego algorytmu (np. w postaci tzw. sieci sortujących). Algorytm będzie zakładał, że rozmiar danych n jest potęgą dwójki. Gdyby tak nie było, moglibyśmy wypełnić tablicę do posortowania nieskończonościami, tak aby uzupełnić rozmiar danych do potęgi dwójki. Rozmiar danych zwiększyłby się wtedy nie więcej niż dwukrotnie, zatem złożoność asymptotyczna pozostałaby taka sama.

Sortowanie bitoniczne posługuje się tzw. ciągami bitonicznymi, które sobie teraz zdefiniujemy.

Definicja 1. Ciągiem bitonicznym właściwym nazywamy każdy ciąg powstały przez sklejenie ciągu niemalejącego z ciągiem nierosnącym.

Dla przykładu ciąg 2, 2, 5, 100, 72, 69, 42, 17 jest ciągiem bitonicznym, gdyż powstał przez sklejenie ciągu niemalejącego 2, 2, 5 oraz ciągu nierosnącego 100, 72, 69, 42, 17. Ciąg 1, 0, 1, 0 nie jest ciągiem bitonicznym, gdyż nie istnieją taki ciąg niemalejący i taki ciąg nierosnący, które w wyniku sklejenia dałyby podany ciąg.

Definicja 2. Ciągiem bitonicznym nazywamy każdy ciąg powstały przez rotację cykliczną ciągu bitonicznego właściwego.

Ciąg 69, 42, 17, 2, 2, 5, 100, 72 jest ciągiem bitonicznym, gdyż powstało przez rotację cykliczną ciągu bitonicznego właściwego 2, 2, 5, 100, 72, 69, 42, 17.

Istnieje prosty algorytm sprawdzający, czy ciąg jest bitoniczny. Należy znaleźć element największy oraz najmniejszy. Następnie od elementu najmniejszego należy przejść cyklicznie w prawo (tj. w sytuacji gdy natrafimy na koniec ciągu, wracamy do początku) aż napotkamy element największy. Elementy, które przeszliśmy w ten sposób powinny tworzyć ciąg niemalejący. Analogicznie, idziemy od elementy największego cyklicznie w prawo aż do elementu najmniejszego. Elementy, które odwiedziliśmy powinny tworzyć ciąg nierosnący. W sytuacji w której mamy wiele elementów najmniejszych (największych), powinny one ze sobą sąsiadować (w sensie cyklicznym) i nie ma znaczenia, który z nich wybierzemy. Dla przykładu w ciągu 69, 42, 17, 2, 2, 5, 100, 72 idąc od elementu najmniejszego do największego tworzymy ciąg 2, 2, 5, 100 i jest to ciąg niemalejący. Idąc od elementu największego do najmniejszego otrzymujemy ciąg 100, 72, 69, 42, 17, 2 i jest to ciąg nierosnący.

Jedyną procedurą, która będzie przestawiała elementy w tablicy, będzie procedura bitonic_compare (Algorytm 3). Jako dane wejściowe otrzymuje ona tablicę A, wielkość tablicy n oraz wartość logiczną up, która określa, czy ciąg będzie sortowany rosnąco czy malejąco. Procedura dzieli zadaną na wejściu tablicę na

Algorytm 3: Procedura bitonic_compare

```
Input: A, n, up

for i \leftarrow 1 to n do

| if (A[i] > A[i+n/2]) = up then

| A[i] \leftrightarrow A[i+n/2]

end

end
```

dwie równe części. Następnie porównuje pierwszy element z pierwszej części z pierwszym elementem z drugiej części. Jeśli te elementy nie znajdują się w pożądanym porządku, to je przestawia. Następnie powtarza tą czynność z kolejnymi elementami.

Dla przykładu, jeśli procedurę uruchomimy z tablicą A[] = 2, 8, 7, 1, 4, 3, 5, 6, wartością n = 8 oraz up = true, w wyniku otrzymamy tablicę A[] = 2, 3, 5, 1, 4, 8, 7, 6. W pierwszym kroku wartość 2 zostanie porównana z wartością 4. Ponieważ chcemy otrzymać porządek rosnący (wartość zmiennej up jest ustawiona na true), to zostawiamy tą parę w spokoju. W następnym kroku porównujemy wartość 8 z wartością 3. Te wartości są w złym porządku, dlatego algorytm zamienia je miejscami. Dalej porównujemy 7 z 5 i zamieniamy je miejscami i w końcu porównujemy 1 z 6 i te wartości zostawiamy w spokoju, gdyż są w dobrym porządku.

Procedura bitonic_compare ma bardzo ważną własność, którą teraz udowodnimy.

Twierdzenie 2. Jeżeli elementy tablicy A[0..n-1] tworzą ciąg bitoniczny, to po zakończeniu procedury bitonic_compare elementy tablicy A[0..n/2-1] oraz tablicy A[n/2..n-1] będą tworzyły ciągi bitoniczne. Ponadto jeśli wartość zmiennej up jest ustawiona na true to każdy element tablicy A[0..n/2-1] będzie niewiększy od każdego elementu tablicy A[n/2..n-1]. W przeciwnym przypadku będzie większy.

Weźmy dla przykładu ciąg bitoniczny 69, 42, 17, 2, 2, 5, 100, 72. Po przejściu procedury bitonic_compare z ustawioną zmienną up na wartość true otrzymamy ciąg 2, 5, 17, 2, 69, 42, 100, 72. Ciągi 2, 5, 17, 2 oraz 69, 42, 100, 72 są ciągami bitonicznymi. Ponadto każdy element ciągu 2, 5, 17, 2 jest niewiększy od każdego elementu ciągu 69, 42, 100, 72.

Przejdźmy do dowodu powyższego twierdzenia. Przyda nam się do tego poniższy lemat:

Lemat 1 (zasada zero-jeden). Twierdzenie 2 jest prawdziwe dla dowolnych tablic wtedy i tylko wtedy, gdy jest prawdziwe dla tablic zero-jedynkowych.

Dowód. Oczywiście - jeśli twierdzenie jest prawdziwe dla każdej tablicy to w szczególności jest prawdziwe dla tablic złożonych z zer i jedynek. Dowód w drugą stronę jest dużo ciekawszy.

Weźmy dowolną funkcję niemalejącą f. To znaczy funkcję $f: \mathbb{R} \to \mathbb{R}$ taką, że $\forall_{a,b\in\mathbb{R}} \ a\leqslant b\Rightarrow f(a)\leqslant f(b)$. Dla tablicy T przez f(T) będziemy rozumieli tablicę powstałą przez zaaplikowanie funkcji f do każdego elementu tablicy T. Niech A oznacza tablicę wejściową do procedury bitonic_compare i niech B oznacza tablicę wyjściową. Udowodnimy, że karmiąc procedurę bitonic_compare tablicą f(A) otrzymamy tablicę f(B). W kroku i-tym procedura rozważa przestawienie elementów t_i oraz $t_{i+n/2}$. Jeśli $f(a_i)=f(a_{i+n/2})$ to nie ma znaczenia czy elementy zostaną przestawione. Z kolei jeśli $f(a_i)< f(a_{i+n/2})$ to również przestawi elementy a_i oraz $a_{i+n/2}$. Analogicznie gdy $f(a_i)>f(a_{i+n/2})$. Zatem istotnie: dla każdej funkcji niemalejącej f, procedura bitonic_compare otrzymując na wejściu tablicę f(A) zwróci na wyjściu tablicę f(B).

Wróćmy do dowodu lematu. Dowód niewprost. Załóżmy, że twierdzenie jest prawdziwe dla wszystkich tablic zero-jedynkowych i nie jest prawdziwe dla pewnej tablicy T[0..n-1]. Niech S[0..n-1] oznacza zawartość tablicy po zakończeniu procedury bitonic_compare. Jeśli twierdzenie nie jest prawdziwe, oznacza to, że albo któraś z tablic S[0..n/2-1], S[n/2..n-1] nie jest bitoniczna albo, że elementy z jednej z nich nie są mniejsze od wszystkich elementów z drugiej tablicy. Rozważmy dwa przypadki.

Załóżmy, że tablica S[0..n/2-1] nie jest bitoniczna (przypadek kiedy druga z tablic nie jest bitoniczna, jest analogiczny). Załóżmy, że ciąg powstały przez przejście od najmniejszego elementu w tej tablicy do największego nie tworzy ciągu niemalejącego (przypadek gdy ciąg powstały przez przejście od największego elementu do najmniejszego nie tworzy ciągu nierosnącego jest analogiczny). Zatem istenieje w tablicy element S[i] większy od elementu S[i+1]. Rozważmy następują funkcje:

$$f(a) = \begin{cases} 1 & \text{ jeśli } a \leqslant S[i] \\ 0 & \text{ wpp.} \end{cases}$$

Zwróćmy uwagę, że w takiej sytuacji twierdzenie nie byłoby prawdziwe dla tablicy f(T), zatem dla tablicy zero-jedynkowej. Gdyż ponownie - element f(S[i]) = 1 byłby większy od elementu f(S[i+1]) = 0.

Drugi przypadek. Załóżmy, że zmienna up ustawiona jest na true (przypadek drugi jest analogiczny). Załóżmy, że element S[i] jest mniejszy od elementu S[j]

gdzie j < n/2 oraz $i \ge n/2$. Rozważmy funkcję:

$$f(a) = \begin{cases} 1 & \text{jeśli } a \leqslant S[j] \\ 0 & \text{wpp.} \end{cases}$$

Wtedy twierdzenie nie byłoby prawdziwe dla tablicy f(T) (zero-jedynkowej). Ponownie - element f(S[i]) = 0 byłby mniejszy od elementu f(S[j]) = 1.

Do pełni szczęścia potrzebujemy udowodnić, że Twierdzenie 2 jest prawdziwe dla wszystkich ciągów zero-jedynkowych.

Lemat 2. Twierdzenie 2 jest prawdziwe dla wszystkich ciągów zero-jedynkowych.

Dowód. Zakładać będziemy, że zmienna up jest ustawiona na true (dowód dla sytuacji przeciwnej jest analogiczny). Istnieją cztery rodzaje bitonicznych ciągów zero-jedynkowych : 0^n , 0^k1^l , $0^k1^l0^m$, 1^n , 1^k0^l , $1^k0^l1^m$ z czego trzy ostatnie są symetryczne do trzech pierwszych (więc zostaną pominięte w dowodzie). Rozważmy wszystkie interesujące nas przypadki:

Ten dowód jest nudny.

- 0^n . Po wykonaniu procedury bitonic_compare otrzymamy $0^{n/2}$ oraz $0^{n/2}$. Oba ciągi są bitoniczne i każdy element z pierwszego ciągu jest niewiększy od każdego elementu z ciągu drugiego.
- $0^k 1^l$ oraz k < n/2. Wtedy po wykonaniu procedury bitonic_compare otrzymamy ciągi $0^k 1^{l-n/2}$ oraz $1^{n/2}$. Oba ciągi są bitoniczne i każdy element z pierwszego ciągu jest niewiększy od każdego elementu z ciągu drugiego.
- 0^k1^l oraz k>n/2. Otrzymamy ciągi $0^{n/2}$ oraz $0^{k-n/2}1^l$. Znowu oba są bitoniczne i każdy element z pierwszego jest niewiększy od każdego z drugiego.
- $0^k 1^l 0^m$ oraz k > n/2. Wtedy otrzymujemy ciągi $0^{n/2}$ oraz $0^{k-n/2} 1^l 0^m$. Spełniają one tezę twierdzenia.
- $0^k 1^l 0^m$ oraz m > n/2. Ciągi, które otrzymamy wyglądają tak: $0^{n/2}$ oraz $0^k 1^l 0^{n/2-m}$. Są to ciągi, które nas cieszą.
- $0^k1^l0^m$ oraz l>n/2. Dostaniemy wtedy ciągi $0^k1^{l-n/2}0^m$ oraz $1^{n/2}$. Są to ciągi, które spełniają naszą tezę.
- $0^k 1^l 0^m$ oraz k, l, m < n/2. Ciągi, które uzyskamy to $0^{n/2}$ oraz $1^{n/2-m} 0^{n/2-l}$ $1^{n/2-k}$. Spełniają one naszą tezę.

Na mocy Lematu 1 i 2 Twierdzenie 2 jest prawdziwe dla wszystkich tablic T[0..n-1]. Mając tak piękne twierdzenie, możemy napisać prosty algorytm sortujący ciągi bitoniczne (Algorytm 4).

Algorytm 4: Procedura bitonic_merge

```
Input: A - tablica bitoniczna, n, up

Output: A - tablica posortowana

if n > 1 then

bitonic_compare(A[0..n - 1], n, up)

bitonic_merge(A[0..n / 2 - 1], n / 2, up)

bitonic_merge(A[n / 2..n - 1], n / 2, up)

end
```

Algorytm zaczyna od wywołania procedury bitonic_compare. Dzięki niej, wszystkie elementy mniejsze wrzucane są do pierwszej połowy tablicy, a elementy większe do drugiej połowy. Ponadto bitonic_compare gwarantuje, że obie podtablice pozostają bitoniczne (jakie to piękne!). Możemy zatem wykonać całą procedurę ponownie na obu podtablicach rekurencyjnie.

Złożoność algorytmu wyraża się wzorem rekurencyjnym $T(n) = 2 \cdot T(n/2) + O(n)$. Rozwiązując rekurencję otrzymujemy, że złożoność algorytmu to $O(n \log n)$.

Mamy algorytm sortujący ciągi bitoniczne. Jak uzyskać algorytm sortujący dowolne ciągi? Zrealizujemy to w najprostszy możliwy sposób! Posortujemy (rekurencyjnie) pierwszą połowę tablicy rosnąco, drugą połowę tablicy malejąco (dlatego potrzebna nam była zmienna up!) i uzyskamy w ten sposób ciąg bitoniczny. Teraz wystarczy już uruchomić algorytm sortujący ciągi bitoniczne i voilà.

Algorytm 5: Procedura bitonic_sort

```
Input: A, n, up

Output: A - tablica posortowana

if n > 1 then

bitonic_sort(A[0..n/2 - 1], n/2, true)
bitonic_sort(A[n/2..n - 1], n/2, false)
bitonic_merge(A[0..n - 1], n, up)

end
```

Złożoność algorytmu wyraża się wzorem rekurencyjnym $T(n) = 2 \cdot T(n/2) + O(n \log n)$. Rozwiązaniem tej rekurencji jest $O(n \log^2 n)$.

3.2 Algorytm rosyjskich wieśniaków

Algorytm rosyjskich wieśniaków jest przypisywany sposobowi mnożenia liczb używanemu w XIX-wiecznej Rosji. Aktualnie jest on stosowany w niektórych układach mnożących.

W celu obliczenia $a\cdot b$ tworzymy tabelkę i liczby a i b zapisujemy w pierwszym jej wierszu. Kolumnę a wypełniamy następująco: w i+1 wierszu wpisujemy wartość z wiersza i podzieloną całkowicie przez 2. W kolumnie b kolejne wiersze tworzą ciąg geometryczny o ilorazie równym 2. Wypełnianie tabelki kończymy wtedy, gdy w kolumnie a otrzymamy wartość 1. Na koniec sumujemy wartości w kolumine b z tych wierszy dla których wartości w kolumine a są nieparzyste. Uzyskany wynik to $a\cdot b$.

W poniższym przykładzie obliczymy 42 · 17.

\mathbf{a}	b
42	17
${\bf 21}$	$17 \cdot 2 = 34$
10	$17 \cdot 2^2 = 68$
5	$17 \cdot 2^3 = 136$
2	$17 \cdot 2^4 = 272$
1	$17 \cdot 2^5 = 544$

Wartości a są nieparzyste w wierszach 2, 4 oraz 6. Zatem będziemy sumować wartości b z wierszy 2, 4 i 6.

Jak usuniecie
enter po tabelce,
to to zdanie nie
dostanie w pdfie
tabulatora.
Tabulator
powinien się
znajdować przed
akapitami. To
zdanie jest częścią
poprzedniego
akapitu.

$$a \cdot b = 17 \cdot 2 + 17 \cdot 2^3 + 17 \cdot 2^5$$
$$= 34 + 136 + 544$$
$$= 714$$

Faktycznie, otrzymaliśmy wynik poprawny. Spójrzmy raz jeszcze na na tę sumę:

$$a \cdot b = 17 \cdot 2 + 17 \cdot 2^{3} + 17 \cdot 2^{5}$$

$$= 17 \cdot (2^{5} + 2^{3} + 2)$$

$$= 17 \cdot (1 \cdot 2^{5} + 0 \cdot 2^{4} + 1 \cdot 2^{3} + 0 \cdot 2^{2} + 1 \cdot 2^{1} + 0 \cdot 2^{0})$$

$$= 17_{10} \cdot 101010_{2}$$

$$= 17 \cdot 42 = 714$$

Przypomnij sobie algorytm zamiany liczby w systemie dziesiętnym na system binarny. Okazuje się, że algorytm rosyjskich wieśniaków "po cichu" wylicza tę reprezentacje a.

Algorytm 6: Algorytm rosyjskich wieśniaków

```
Input: a, b - liczby naturalne

Output: wynik = a \cdot b

a' \leftarrow a

b' \leftarrow b

wynik \leftarrow 0

while a' > 0 do

if a' \mod 2 = 1 then

wynik \leftarrow wynik \leftarrow wynik + b'

end

a' \leftarrow a' \text{ div } 2

b' \leftarrow b' \cdot 2

end
```

W kolejnych paragrafach podamy algorytm i w celu jego udowodnienia sformułujmy niezmiennik oraz wykażemy jego prawdziwośc.

Twierdzenie 3. Niech a'_i (kolejno: b'_i , wyni k_i) będzie wartością zmiennej a' (b', wynik) w i-tej iteracji pętli while. Zachodzi następujący niezmiennik pętli:

$$a_i' \cdot b_i' + wynik_i = a \cdot b$$
.

Lemat 3. Przed wejściem do pętli while niezmiennik jest prawdziwy.

Dowód. Skoro przed przed wejściem do pętli mamy: $a_0' = a$, $b_0' = b$ oraz $wynik_0 = 0$, to oczywiście: $a_0' \cdot b_0' + wynik_0 = a \cdot b + 0 = a \cdot b$.

Lemat 4. Po i-tym obrocie pętli niezmiennik jest spełniony.

Dowód. Załóżmy, że niezmiennik zachodzi w i-tej iteracji i sprawdźmy co dzieje się w i+1 iteracji. Rozważmy dwa przypadki.

• a'_i parzyste. Instrukcja if się nie wykona, w i+1 iteracji $wynik_i$ pozostanie niezmieniony, a'_i zmniejszy się o połowę, a b'_i zwiększy dwukrotnie.

$$wynik_{i+1} = wynik_i$$

$$a'_{i+1} = a'_i \text{ div } 2 = \frac{a'_i}{2}$$

$$b'_{i+1} = b'_i \cdot 2$$

W tym przypadku otrzymujemy:

$$a'_{i+1} \cdot b'_{i+1} + wynik_{i+1} = \frac{a'_i}{2} \cdot 2b'_i + wynik_i = a'_i \cdot b'_i + wynik_i = a \cdot b$$

Nie możesz czegoś takiego założyć :) • a'_i nieparzyste:

$$wynik_{i+1} = wynik_i + b'_i$$

$$a'_{i+1} = a'_i \text{ div } 2 = \frac{a'_i - 1}{2}$$

$$b'_{i+1} = b'_i \cdot 2$$

Ostatecznie otrzymujemy:

$$a'_{i+1} \cdot b'_{i+1} + wynik_{i+1} = \frac{a'_i - 1}{2} \cdot 2b'_i + wynik_i + b'_i = a'_i \cdot wynik_i + b'_i = a \cdot b$$

Lemat 5. Po zakończeniu algorytmu wyni $k = a \cdot b$

Dowód. Wystarczy zauważyć, że tuż po wyjściu z pętli while wartość zmiennej a' wynosi 0. Podstawiając do niezmiennika okazuje się, że faktycznie algorytm rosyjskich wieśniaków liczy $a \cdot b$.

Lemat 6. Algorytm sie kończy.

 $Dow \acute{o}d$. Skoro $a_i \in \mathbb{N}$ oraz \mathbb{N} jest dobrze uporządkowany, to połowiąc a_i po pewnej liczbie iteracji otrzymamy 0.

Z powyższych lematów wynika, że niemiennik spełniony jest zarówno przed, w trakcie jak i po zakończeniu algorytmu. Algorytm rosyjskich wieśniaków jest poprawny.

Złożoność Z każdą iteracją połowimy a'. Biorąc pod uwagę kryterium jednorodne pozostałe instrukcje w pętli nic nie kosztują. Stąd złożoność to $O(\log a)$.

W kryterium logarytmicznym musimy uwzględnić czas dominującej instrukcji: dodawania $wynik \leftarrow wynik+b'$. W najgorszym przypadku zajmuje ono $O(\log ab)$. Zatem złożoność to $O(\log a \cdot \log ab)$.

3.3 Algorytm macierzowy wyznaczania liczb Fibonacciego

Algorytm szybkiego potęgowania będzie opisany w tym skrypcie, więc jak już będzie to będziemy chciali się odwolać do odpowiedniego rozdzialu a nie do wikipedii.

W tym rozdziale opiszemy algorytm obliczania liczb Fibonacciego, który wykorzystuje szybkie potęgowanie¹. Algorytm działa w czasie $O(\log n)$, co sprawia, że jest znacznie atrakcyjniejszy (gdy pytamy tylko o jedną liczbę) od algorytmu dynamicznego, który wymaga czasu O(n).

Znajdźmy taką macierz M, która po wymnożeniu przez transponowany wektor wyrazów F_n i F_{n-1} da nam wektor, w którym otrzymamy wyrazy F_{n+1} oraz F_n . Łatwo sprawdzić, że dla ciągu Fibonacciego taka macierz ma postać:

$$M = \begin{bmatrix} 1 & 1 \\ 1 & 0 \end{bmatrix}$$

Bo:

$$M \times \begin{bmatrix} F_n \\ F_{n-1} \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} F_{n+1} \\ F_n \end{bmatrix} \tag{3.1}$$

Wynika to wprost z definicji mnożenia macierzy oraz definicji ciągu Fibonacciego. Wykonajmy mnożenie z równania $3.1\ n$ razy:

$$\underbrace{M \times (M \times (M \times \dots (M} \times \begin{bmatrix} F_n \\ F_{n-1} \end{bmatrix}) \dots))$$
 (3.2)

Fakt 1. Mnożenie macierzy jest łączne.

Z Faktu 1. i wyrażenia 3.2. mamy:

$$M^n \times \begin{bmatrix} F_n \\ F_{n-1} \end{bmatrix}$$

Pokażemy, że powyższa macierz ma zastosowanie w obliczaniu n-tej liczby Fibonacciego.

Lemat 7.

$$M^n \times \begin{bmatrix} F_1 \\ F_0 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} F_{n+1} \\ F_n \end{bmatrix}$$

 $Dow \acute{o}d$. Przez indukcję. Sprawdźmy dla n=1. Mamy:

$$\begin{bmatrix} 1 & 1 \\ 1 & 0 \end{bmatrix}^1 \times \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 1 \\ 1 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} F_2 \\ F_1 \end{bmatrix}$$

¹https://en.wikipedia.org/wiki/Exponentiation_by_squaring

Rozważmy n+1 zakładając poprawność dla n.

$$\begin{bmatrix} 1 & 1 \\ 1 & 0 \end{bmatrix}^{n+1} \times \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 1 & 1 \\ 1 & 0 \end{bmatrix} \times \begin{bmatrix} 1 & 1 \\ 1 & 0 \end{bmatrix}^n \times \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 1 & 1 \\ 1 & 0 \end{bmatrix} \times \begin{bmatrix} F_{n+1} \\ F_n \end{bmatrix} \overset{3.1}{=} \begin{bmatrix} F_{n+2} \\ F_{n+1} \end{bmatrix}$$

Algorytm 7: Procedura get_fibonacci

Input: n
Output: n-ta liczba Fibonacciego $M \leftarrow \begin{bmatrix} 1 & 1 \\ 1 & 0 \end{bmatrix}$ $M' \leftarrow \exp_{\text{by_squaring}}(\text{M, n - 1})$ $M'' \leftarrow M' \times \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \end{bmatrix}$ return $M''_{1,1}$

Mimo że powyższy algorytm działa w czasie $O(\log n)$, warto mieć na uwadze fakt, że liczby Fibonacciego rosną wykładniczo. W praktyce oznacza to pracę na liczbach przekraczających długość słowa maszynowego.

Zaprezentowaną metodę można u
ogólnić na dowolne ciągi, które zdefiniowane są przez liniową kombinację skończonej liczby poprzednich elementów. Wystarczy znaleźć odpowiednią macier
zM;dla ciągów postaci:

$$G_{n+1} = a_n G_n + a_{n-1} G_{n-1} + \dots + a_{n-k} G_{n-k}$$

wygląda ona następująco:

$$M = \begin{bmatrix} a_n & a_{n-1} & a_{n-2} & \dots & a_{n-k+1} & a_{n-k} \\ 1 & 0 & 0 & \dots & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & \dots & 0 & 0 \\ 0 & 0 & \ddots & & & & \\ \vdots & & & \ddots & & & \\ 0 & 0 & 0 & \dots & 1 & 0 \end{bmatrix}$$

Dowód tej konstrukcji pozostawiamy czytelnikowi jako ćwiczenie.

3.4 Sortowanie topologiczne



Rysunek 3.1: Przykładowy graf z ubraniami dla bramkarza hokejowego. Krawędź między wierzchołkami a oraz b istnieje wtedy i tylko wtedy, gdy gracz musi ubrać a zanim ubierze b. Pytanie o to w jakiej kolejności bramkarz powinien się ubierać, jest pytaniem o posortowanie topologiczne tego grafu.

3.5 Algorytmy sortowania

3.6 Minimalne drzewa rozpinające

- 3.6.1 Cut Property i Circle Property
- 3.6.2 Algorytm Prima
- 3.6.3 Algorytm Kruskala
- 3.6.4 Algorytm Borůvki

3.7 Algorytm Dijkstry

3.8 Algorytm szeregowania

3.9 Programowanie dynamiczne na drzewach

3.10 Mnożenie macierzy

Z mnożeniem macierzy mieliście już prawdopodobnie do czynienia na Algebrze. Mając dane dwie macierze nad ciałem liczb rzeczywistych A (o rozmiarze $n \times m$) oraz B (o rozmiarze $m \times p$), chcemy policzyć ich iloczyn:

$$A \cdot B = C$$

gdzie elementy macierzy C (o rozmiarze $n \times p$) zadane są wzorem:

$$c_{i,j} = \sum_{r=1}^{m} a_{i,r} \cdot b_{r,j}$$

Przykładowo:

$$\begin{bmatrix} 1 & 0 & 2 \\ 0 & 3 & 1 \end{bmatrix} \cdot \begin{bmatrix} 3 & 1 \\ 2 & 1 \\ 1 & 0 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} (1 \cdot 3 + 0 \cdot 2 + 2 \cdot 1) & (1 \cdot 1 + 0 \cdot 1 + 2 \cdot 0) \\ (0 \cdot 3 + 3 \cdot 2 + 1 \cdot 1) & (0 \cdot 1 + 3 \cdot 1 + 1 \cdot 0) \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 5 & 1 \\ 7 & 3 \end{bmatrix}$$

Korzystając prosto z definicji możemy napisać następujący algorytm mnożenia dwóch macierzy:

Algorytm 8: Naiwny algorytm mnożenia macierzy

```
Input: A, B - macierze o rozmiarach n \times m oraz m \times p

Output: C = A \cdot B

for i \leftarrow 1 to n do

for j \leftarrow 1 to p do

 \begin{vmatrix} C[i][j] \leftarrow 0 \\ \text{for } r \leftarrow 1 \text{ to } m \text{ do} \\ & | C[i][j] \leftarrow C[i][j] + A[i][r] \cdot B[r][j] \\ \text{end} \end{vmatrix}
end
```

Powyższy algorytm działa w czasie $O(n^3)$. Korzystając ze sprytnej sztuczki, jesteśmy w stanie zmniejszyć złożoność naszego algorytmu.

Zacznijmy od założenia, że rozmiar macierzy jest postaci $2^k \times 2^k$. Jeśli macierze nie są takiej postaci, to możemy uzupełnić brakujące wiersze i kolumny zerami. Następnie podzielmy macierze na cztery równe części:

$$A = \begin{bmatrix} A_{1,1} & A_{1,2} \\ A_{2,1} & A_{2,2} \end{bmatrix} \quad B = \begin{bmatrix} B_{1,1} & B_{1,2} \\ B_{2,1} & B_{2,2} \end{bmatrix} \quad C = \begin{bmatrix} C_{1,1} & C_{1,2} \\ C_{2,1} & C_{2,2} \end{bmatrix}$$

Każda z części jest rozmiaru $2^{k-1} \times 2^{k-1}$. Ponadto wzór na każdą część macierzy C wyraża się wzorem:

$$C_{i,j} = A_{i,1} \cdot B_{1,j} + A_{i,2} \cdot B_{2,j}$$

Czy wzór ten umożliwia nam ułożenie efektywnego algorytmu mnożenia macierzy? Nie. W algorytmie mamy do policzenia 4 podmacierze macierzy C. Każda podmacierz wymaga 2 mnożeń oraz jednego dodawania. Dodawanie macierzy możemy w prosty sposób zrealizować w czasie $O(n^2)$. Mnożenie podmacierzy możemy wykonać rekurencyjnie. Taki algorytm będzie działał w czasie $T(n) = 8 \cdot T(n/2) + O(n^2)$ czyli $O(n^3)$. Osiągnęliśmy tą samą złożoność czasową jak w przypadku algorytmu liczącego iloczyn wprost z definicji.

Algorytm Strassena osięga lepszą złożoność asymptotyczną przez pozbycie się jednego z mnożeń. Algorytm ten liczy następujące macierze:

$$\begin{split} M_1 &= (A_{1,1} + A_{2,2}) \cdot (B_{1,1} + B_{2,2}) \\ M_2 &= (A_{2,1} + A_{2,2}) \cdot B_{1,1} \\ M_3 &= A_{1,1} \cdot (B_{1,2} - B_{2,2}) \\ M_4 &= A_{2,2} \cdot (B_{2,1} - B_{1,1}) \\ M_5 &= (A_{1,1} + A_{1,2}) \cdot B_{2,2} \\ M_6 &= (A_{2,1} - A_{1,1}) \cdot (B_{1,1} + B_{1,2}) \\ M_7 &= (A_{1,2} - A_{2,2}) \cdot (B_{2,1} + B_{2,2}) \end{split}$$

Do policzenia każdej z tych macierzy potrzebujemy jednego mnożenia i co najwyżej dwóch dodawań/odejmowań. Podmacierze macierzy C możemy policzyć teraz w następujący sposób:

$$C_{1,1} = M_1 + M_4 - M_5 + M_7$$

$$C_{1,2} = M_3 + M_5$$

$$C_{2,1} = M_2 + M_4$$

$$C_{2,2} = M_1 - M_2 + M_3 + M_6$$

Wykonując proste przekształcenia arytmetyczne, możemy dowieść poprawności powyższych równań.

Używając powyższych wzorów, możemy skonstruować algorytm rekurencyjny. Będzie on dzielić macierze A oraz B o rozmiarze $2^k \times 2^k$ na cztery równe części. Następnie policzy on macierze M_i . Tam, gdzie będzie musiał dodawać/odejmować użyje on algorytmu działającego w czasie $O(n^2)$. Tam, gdzie będzie musiał mnożyć - wywoła się on rekurencyjnie. Na podstawie macierzy M_i policzy macierz C. Ponieważ wykona dokładnie 7 mnożeń oraz stałą ilość dodawań, jego złożoność obliczeniowa będzie wyrażała się wzorem rekurencyjnym $T(n) = 7 \cdot T(n/2) + O(n^2)$. Korzystając z twierdzenia o rekurencji uniwersalnej otrzymujemy złożoność $O(n^{\log_2 7})$ czyli około $O(n^{2.81})$.

Dodatek A

Porównanie programów przedmiotu AiSD na różnych uczelniach

	UWr	UW	UJ	MIT	Oxford
Stosy, kolejki, listy		✓			
Dziel i zwyciężaj	\checkmark				
Programowanie Dynamiczne	\checkmark	✓	\checkmark	✓	
Metoda Zachłanna	\checkmark	\checkmark	\checkmark		
Koszt zamortyzowany	\checkmark	\checkmark			✓
NP-zupełność	\checkmark	\checkmark		\checkmark	
PRAM / NC	\checkmark				
Sortowanie	\checkmark	✓			
Selekcja	\checkmark	/			
Słowniki	\checkmark	/	\checkmark		✓
Kolejki priorytetowe	\checkmark	/			
Hashowanie	\checkmark	✓			
Zbiory rozłączne	\checkmark				
Algorytmy grafowe	\checkmark	✓	✓	\checkmark	✓
Algorytmy tekstowe	✓	✓			
Geometria obliczeniowa	✓				
FFT	\checkmark				✓
Algorytm Karatsuby	\checkmark			\checkmark	
Metoda Newtona				\checkmark	
Algorytmy randomizowane	\checkmark				✓
Programowanie liniowe					✓
Algorytmy aproksymacyjne	\checkmark				✓
Sieci komparatorów	\checkmark				
Obwody logiczne	\checkmark				