

#### کیوان ایپچی حق - ۹۸۳۱۰۷۳

# سوال اول

برای این امر می توان از الگوریتم های متعددی – بر اساس تابع heuristic تعریف شده – استفاده کرد و مشکل چندانی پیش نخواهد آمد. ولی در این امر می توان از الگوریتم Density-based Clustering انتخاب خوبی است زیرا می توان معیار ۱ تا ۱۳ امتیاز شباهت را به راحتی تعریف کرد. به گونه ای که ویژگی ها را برداری کرده و روی scatter plot نمایش می دهیم (برای اینکار می توان از PCA یا روش های دیگر استفاده کرد). سپس حیوانات را کشیده و به مرکز هر حیوان یک radius به شعاع قرار دادی می کشیم (اندازه شعاع را ما تعریف می کنیم). در نهایت حیواناتی که اشتراک ۲ ویژگی را ۲ امتیاز و ۱ ویژگی را ۱ امتیاز می دهیم (همچنین می توان تعریف کرد بالای کا مشترک ۳ امتیاز و کمتر از آن ۱ امتیاز). سپس خوشه بندی را بدون نظارت انجام می دهیم.

# سوال دوم

برای اثبات این موضوع باید به خواص دو تابع مجاورت بپردازیم:

الف) نرم ١)

f(c, d) = |d - c|

در الگوريتم خوشه بندى با استفاده از تابع بالا فاصله بين دو نقطه برابر با مجموع قدر مطلق هاى آنهاست:

$$d(A, B) = |A_1 - B_1| + |A_2 - B_2| + ... + |A_n - B_n|$$

حال میخواهیم نشان دهیم اگر C نقطه مرکزی خوشه انتخاب شود، نقاطی که مجاورت نرم ۱ آنها با C کمتر از نقاط دیگر است داخل دسته C قرار می گیرند. برای مثال نقطه D در دسته C قرار میگیرد به طوری که d(C, D) کمتر از d(E, D) برای مجموعه نقاط دیگر است. پس برای هر بعد i داریم:

 $|C_i - D_i| \le |C_j - D_j| (j \ne i)$ 

سپس دو طرف تساوی را بر یک عدد مشترک تقسیم میکنیم (چون هر دو مثبت هستند):

 $\left(C_{i}\text{ - }D_{i}\right)/\left|C_{i}\text{ - }D_{i}\right|\leq\left(C_{j}\text{ - }D_{j}\right)/\left|C_{j}\text{ - }D_{j}\right|\left(j\neq i\right)$ 

همچنین میدانیم a<=b اگر و تنها اگر a=>d باشد. پس می توان از این فرض برای مسئله خودمان استفاده کنیم:

 $|C_i - D_i| / |C_j - D_i| \le 1 \ (j \ne i)$ 

و در ادامه:

$$|C_i - D_i| + |C_j - D_j| \leq |C_j - D_j| \ (j \neq i)$$



### کیوان ایبچی حق - ۹۸۳۱۰۷۳

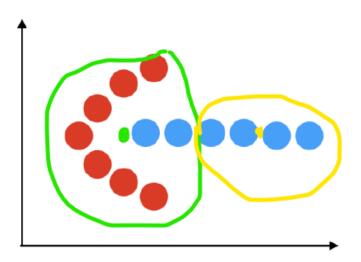
نتیجه گیری آن روابط بالا این است که برای هر بعد i برای D داریم که نسبت به C کمترین فاصله را دارد.

ب) مطابق بخش الف عمل مي كنيم:

$$\begin{split} &f(c,\,d)=|\textit{d}-\textit{c}|\\ &d(A,\,B)=\sqrt{((A_1-B_1)^2+(A_2-B_2)^2+...+(A_n-B_n)^2)}\\ &(C_i-D_i)^2\leq (C_j-D_j)^2\;(j\neq i)\\ &(C_1-D_1)^2+(C_2-D_2)^2+...+(C_n-D_n)^2\leq (C_j-D_j)^2\;(j\neq i)\\ &\sqrt{((C_1-D_1)^2+(C_2-D_2)^2+...+(C_n-D_n)^2)}\leq \sqrt{((C_j-E_j)^2)\;(j\neq i)}\\ &d(C,\,D)\leq d(C,\,E)\;(j\neq i) \end{split}$$

# سوال سوم

الف) یک دسته شامل تمامی نقاط قرمز و دو نقطه آبی سمت چپ به مرکز اولین نقطه آبی چپ بوده و دسته دیگر ۴ نقطه آبی به مرکز وسط نقطه دوم و سوم از راست است. بدین شکل:



دلیل این پیشبینی، در نظر گرفتن نقاط مرکزی است به گونه ای که بتواند بیشترین پوشش را بدهد. دو نقطه آبی و زرد در نظر گرفته شده بیشترین پوشش را دارند به طوری که فقط دو دسته داشته باشیم. اجرای الگوریتم نیز این پیش بینی را تایید کرد.

ب) قطعا. روش DBSCAN که بر اساس Density-based Clustering عمل کرده اما به صورت Spatial، قادر است بین دو دسته نقاط قرمز و آبی تمایز قائل شده و هر کدام را یک دسته کند، که نتیجه مطلوب ما است. این الگوریتم بر خلاف K-Means به صرفا بر اساس فاصله Centroid ها عمل می کند، چگالی را اندازه گرفته که heuristic بهتری در مسئله مطرح شده است.



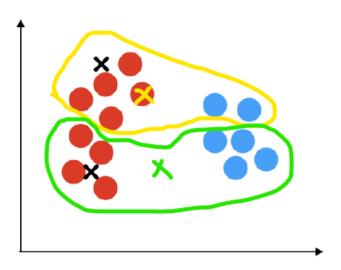
#### کیوان اییچی حق - ۹۸۳۱۰۷۳

ج) در صورتی که مجموعه داده در بخش های مختلف چگالی های متنوع و بسیار گسترده ای داشته باشد الگوریتم Density-based ها نمی توانند دسته بندی درستی داشته باشند. یا زمانی که داده تعداد بعد زیادی داشته باشد (High-Dimensional Data). همچنین وجود برخی noise ها و outlier ها در داده می تواند کار کرد آن را دچار مشکل کند.

برای مثال مجموعه داده ای داریم که دو دسته دارد که مقدار خوبی noise و outlier داشته باشد. دسته اول چگالی بالایی داشته و نقاط آن نزدیک هم باشد و در دسته دوم نقاط پراکنده باشند. در این صورت الگوریتم density-based ها با چندین چالش تشخیص outlier ها، تعیین میزان density threshold و ترکیب cluster ها روبرو می شوند.

## سوال چهارم

الف) با اجرای تخمینی الگوریتم با K=2 میبینیم دو دسته زرد و سبز بوجود می آیند زیرا تابع heuristic ما برای الگوریتم K-Means فاصله اقلیدوسی است (با اجرای الگوریتم در شبیه سازی پیشبینی تایید شد). دلیل بوجود آمدن centroid نهایی سبز رنگ، وسط بودن بین چهار نقطه آبی است که منجر می شود مرکز به چپ متمایل شود. دلیل درست دسته بندی نکردن این الگوریتم انتخاب نقاط اولیه نامناسب است.



#### ب) مزايا و معايب:

• استفاده از median به جای median: از مزایا این روش می توان به کاهش تاثیر outlier ها اشاره کرد به طوری که medoid ها به جای outlier: از مزایا این روش می توان به کاهش تاثیر outlier ها در اصل نقاط واقعی ما به outlier ها حساسیت پایین تری دارند. همچنین قابلیت فهم و استدلال بالاتری می دهد زیرا medoid ها در اصل نقاط واقعی ما هستند در صورتی که mean و median یک نقطه جدید خارج داده اصلی هستند. همچنین برای داده غیر عددی استفاده از medoid مناسب تر است.



#### کیوان اییچی حق - ۹۸۳۱۰۷۳

از معایب آن، میتوان اشاره کرد این کار محاسبه medoid ها را بیشتر کرده و اصطلاحا computationally expensive است. در این حال محدودیتی بر روی dissimilarity measures داریم.

- انتخاب نقاط اولیه به شکلی که بیشترین فاصله را از هم داشته باشند: از مزایا آن دیرتر converge شدن centroid ها می توان اشاره کرد تا در نقاط بهینه محلی گیر نیفتیم. همچنین برای مجموعه داده هایی با توزیع نامتعارف انتخاب خوبی است.
- از معایب آن: به outlier ها بشدت حساس خواهیم شد و محاسبات ما بیشتر میشود زیرا به تعداد iteration بیشتری برای converge شدن نیاز داریم. در نهایت هم برای دسته هایی که همپوشانی داشته باشند می تواند مشکل ساز باشد.
- انتخاب نقاط اولیه بر اساس توزیع داده ها: خوبی این روش به مقدار دهی اولیه بهتر برای دسته ها است به طوری که شروع خوبی داریم (لااقل!) و حساسیت به outlier ها کاهش میابد. از طرفی برای داده های با چگالی نامتعارف این روش بهتر جواب می دهد. از طرفی میزان محاسبات به طور قابل توجهی افزایش میابد و مثل روش قبل دسته های با همپوشانی قابل توجه را نمیتوان به خوبی دسته بندی کرد.
  - انتخاب چند باره مراکز اولیه برای رسیدن به جواب مناسب: بهترین روش است زیرا با افزایش تکرار این امر خطا کاهش میابد و outlier ها را کمرنگ می کنیم و مشکلات حالت های پیشین به طور قابل توجهی کاهش میابد.

از طرفی میزان محاسبات ما بیش تر از حالت های پیش افزایش پیدا کرده و باید روشی برای اتمام آن (چه وقتی converge را قبول می کنیم و یا threshold ما برای اینکار چیست؟) (مگر اینکه تعداد مشخص داشته باشیم برای انتخاب چند باره مراکز) داشته باشیم و این می تواند زمان اجرا را افزایش دهد.

د) بهتر است K را معادل ۲ و یا ۳ قرار دهیم. انتخاب ۳ بهتر است زیرا دسته های بیشتری داریم در ازای مقداری خطا و انتخاب ۲ شاید خیلی هم خوب نباشد (با اعداد و ارقام می توان بهتر گفت ^\_^). معیار انتخاب این عدد طول خط های عمودی است که هرچه بیشتر باشد یعنی دسته ها از هم متمایز تر هستند (مثل عدد K در الگوریتم K-)

# سوال پنجم

ماترىس اوليه:

$$initial\ matrix = \begin{bmatrix} 1 & 1 \\ 1 & 2 \\ 2 & 1 \\ -1 & -1 \\ -1 & -2 \\ -2 & -1 \end{bmatrix}$$

1. در قدم اول باید داده را center کنیم به صورتی که میانگین را از تمامی اعضا کم کرده و یک ماتریس جدید تشکیل دهیم:

$$mean_{column\ one}$$
:  $\frac{1+1+2-1-1-2}{6} = 0$ 

$$mean_{column\ two}: \frac{1+2+1-1-2-1}{6} = 0$$



کیوان ایپچی حق - ۹۸۳۱۰۷۳

$$centered\ matrix = \begin{bmatrix} 1 & 1 \\ 1 & 2 \\ 2 & 1 \\ -1 & -1 \\ -1 & -2 \\ -2 & -1 \end{bmatrix}$$

 $(\underbrace{matrix*matrix.T}_{n-1}:$ قدم دوم محاسبه ماتریس کوواریانس است (فرمول محاسبه آن: 2

covariance matrix = 
$$\begin{bmatrix} 2.4 & 2 \\ 2 & 2.4 \end{bmatrix}$$

Eigenvalues و Eigenvectors را محاسبه کنیم 3

(Covariance Matrix\*Eigen Vectors = Eigen Values\*Eigen Vectors) (با حل رابطه مقابل:

$$EigenValues = \begin{bmatrix} 4.4, 0.4 \end{bmatrix} \qquad EigenVector = \begin{bmatrix} 0.7 & -0.7 \\ 0.7 & 0.7 \end{bmatrix}$$

Eigenvector و کام بعد باید مقادیر PC را با استفاده از Eigenvalues و Eigenvector بدست آوریم که معادل ستون اول میشود:

$$PC = [0.7, 0.7]$$

dot product ما براى ماتريس هاى PC و Centered Matrix را بدست آوريم كه مطابق زير است:

$$projected\ matrix = [1.4\ 2.1\ 2.1, -1.4, -2.1, -2.1]$$

اعداد بالا با استفاده از اسكريپت پايتون كه در كنار همين فايل ضميمه شده نيز تست شده و اعداد يكسان در آمده!

## سوال ششم

#### 1. Choosing the item sets

Itemset-1 (minsup= 0.3):

Item	Frequency	Support
Bread	5	0.71
Milk	5	0.71
Diaper	6	0.85
Beer	4	0.57
Eggs	1	0.14
Coke	3	0.42

Itemset2 (minsup= 0.3):

Item	Frequency	Support
Bread, Milk	3	0.42
Bread, Diaper	4	0.57
Bread, Beer	3	0.42
Bread, Coke	1	0.14



# کیوان ایپچی حق – ۹۸۳۱۰۷۳

Milk, Diaper	4	0.57
Milk, Beer	2	0.28
Milk, Coke	3	0.42
Diaper, Beer	4	0.57
Diaper, Coke	3	0.42
Beer, Coke	2	0.28

#### Itemset3 (minsup= 0.3):

Item	Frequency	Support
Bread, Milk, Diaper	2	0.28
Bread, Beer, Diaper	3	0.42
Milk, Diaper, Coke	3	0.42

بر اساس اجرای الگوریتم بالا برای یافتن itemset، خروجی نهایی سبز رنگ شده است.

#### 2. Finding Associative Rules:

Item	Confidence
Milk -> Diaper	0.66
Milk -> Coke	0.6
Diaper -> Milk	0.6
Diaper -> Coke	0.5
Coke -> Milk	1
Coke -> Diaper	1
Milk, Diaper -> Coke	0.75
Coke -> Milk, Diaper	1
Milk, Coke -> Diaper	1
Diaper -> Milk, Coke	0.5
Diaper, Coke -> Milk	1
Milk -> Diaper, Coke	0.6
Bread -> Beer	0.6
Beer -> Bread	0.75
Bread -> Diaper	0.8
Diaper -> Bread	0.66
Beer -> Diaper	1
Diaper -> Beer	0.66
Bread, Beer -> Diaper	1
Diaper -> Beer, Bread	0.5
Bread, Diaper -> Beer	0.75
Beer -> Bread, Diaper	0.75
Beer, Diaper -> Bread	0.75
Bread -> Beer, Diaper	0.6

سوال هفتم

الف) مانند سوال قبلي عمل مي كنيم.

Itemset-1 (Support=0.33):



# کیوان ایپچی حق - ۹۸۳۱۰۷۳

Item	Frequency	Support
А	5	0.62
В	5	0.62
С	5	0.62
D	3	0.37
E	2	0.25

### Itemset-2 (Support=0.33):

Item	Frequency	Support
А, В	3	0.37
А, С	3	0.37
A, D	2	0.25
В, С	4	0.5
B, D	2	0.25

#### Itemset-3 (Support=0.33):

Item	Frequency	Support
A, B, C	3	0.37

ر\_

Item	Confidence
A -> B	0.6
B -> A	0.6
B -> C	
C -> B	
A -> C	0.6
C -> A	0.6
A, B -> C	1
C -> A, B	0.6
A, C -> B	1
B -> A, C	0.6
B, C -> A	0.75
A -> B. C	0.6

### بخش عملي

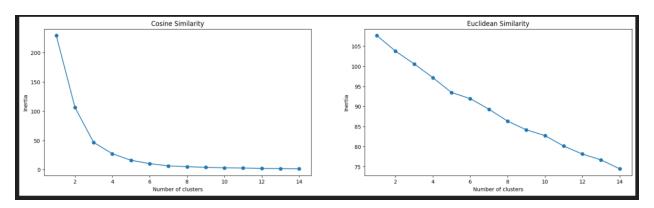
ماتريس ها شباهت:



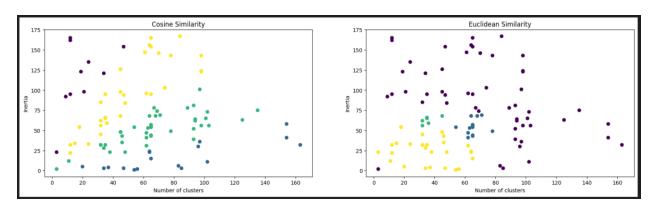
# کیوان ایپچی حق – ۹۸۳۱۰۷۳

```
- Cosine Similarity Matrix:
[[1.
            0.99985238 0.99604997 ... 0.94266984 0.72007789 0.68925746]
[0.99985238 1.
                 0.99742859 ... 0.94826473 0.73189397 0.70160425]
 [0.99604997 0.99742859 1.
                                ... 0.96857935 0.77884743 0.75086792]
[0.94266984 0.94826473 0.96857935 ... 1.
                                          0.91036648 0.89153278]
[0.72007789 0.73189397 0.77884743 ... 0.91036648 1.
                                                        0.99905616]
[0.68925746\ 0.70160425\ 0.75086792\ \dots\ 0.89153278\ 0.99905616\ 1.
- Euclidean Similarity Matrix:
[[1. 0.30901699 0.01998777 ... 0.03834375 0.02563238 0.02203387]
[0.30901699 1.
                 0.02088896 ... 0.04096782 0.02536864 0.02123245]
[0.01998777 0.02088896 1. ... 0.02429415 0.01349853 0.01086892]
[0.03834375 0.04096782 0.02429415 ... 1.
                                              0.02942488 0.01806962]
 [0.02563238 0.02536864 0.01349853 ... 0.02942488 1.
 [0.02203387 0.02123245 0.01086892 ... 0.01806962 0.03333333 1.
```

#### نمو دار Elbow:



#### دسته بندی:



همچنین تصاویر در نوت بوک موجود هستند.