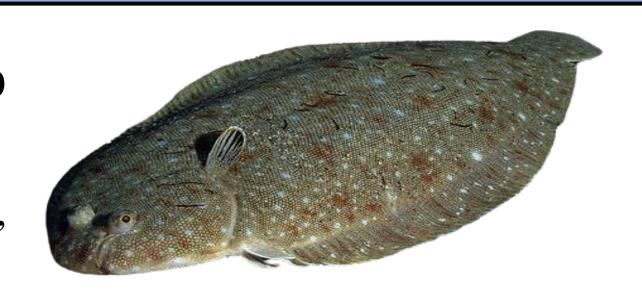
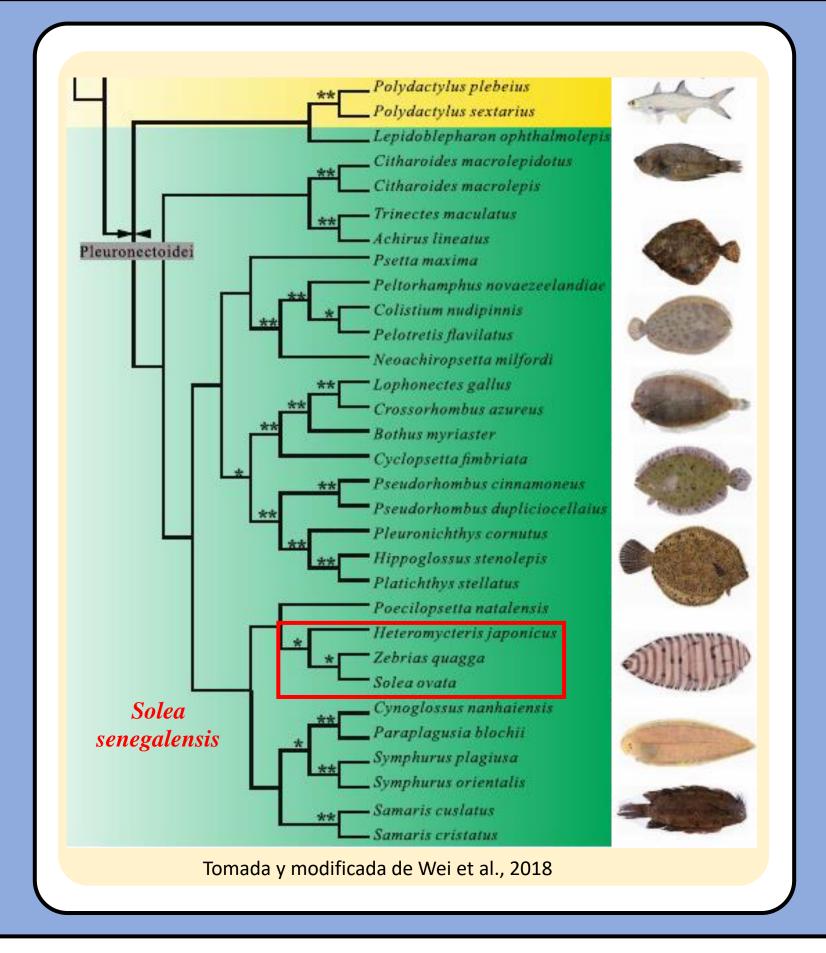
## Caracterización de las regiones centroméricas del lenguado senegalés (*Solea senegalensis*, Kaup 1858)

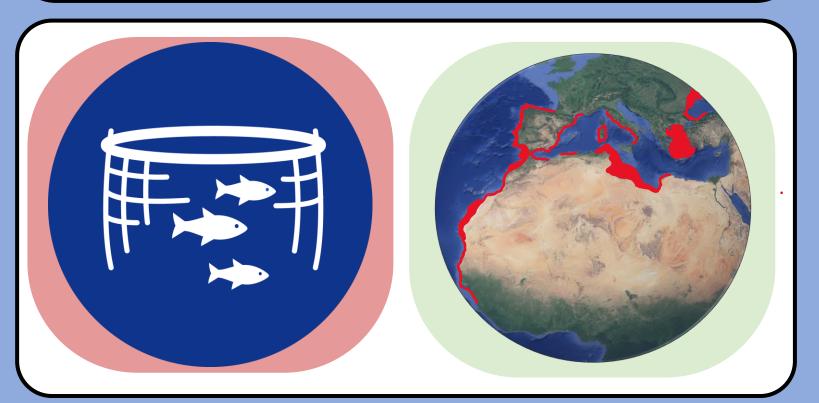
Aaron Gálvez Salido, Roberto de la Herrán, Francisca Robles, Carmelo Ruiz Rejón, Rafael Navajas-Pérez

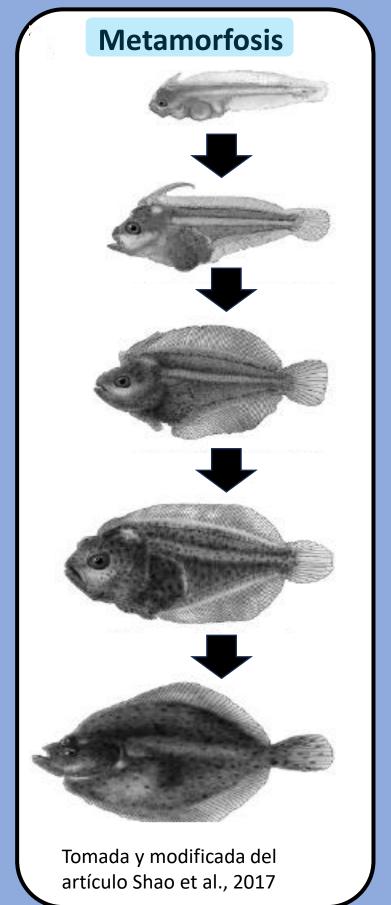




## Introducción

- Encuadre taxonómico: especie perteneciente a la infra clase Teleostei y al orden Pleuronectiformes
- **Distribución:** esta especie se puede encontrar desde el mar Mediterráneo hasta las costas Africanas del Atlántico oriental y vive en los fondos arenosos o fangosos
- Interés principal: Producción intensiva en piscifactorías para la alimentación humana
- Peculiaridad biológica: como todos los peces planos, durante el desarrollo de las larvas, se produce el proceso único entre los vertebrados de pérdida de la simetría craneal





## **Material y Métodos**

Se realizó un análisis bioinformático desde dos aproximaciones diferentes:

- Estudio de clusterización mediante **RepeatExplorer2** de lecturas de Illumina para detección de secuencias repetidas en tándem
- Estudio de la composición en elementos móviles con RepeatMasker usando el ensamblaje del genoma

Las secuencias detectadas mediante los análisis anteriores se mapearon sobre los cromosomas del ensamblaje con **BLASTn** para obtener las coordenadas y se representaron con un script en Python para realizar Ideogramas. Para comprobar la estructura secundaria de las secuencias de ADN satélite centromérico se utilizó **RNAfold**. Tambien se hicieron análisis más precisos mediante dotplots y **Tandem Repeat Finder** en los cromosomas 7 y 8 para caracterizar la región centromérica.

Resultados: Caracterización de las regiones centroméricas de los cromosomas 7 y 8

22,000,000

25,000,000

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

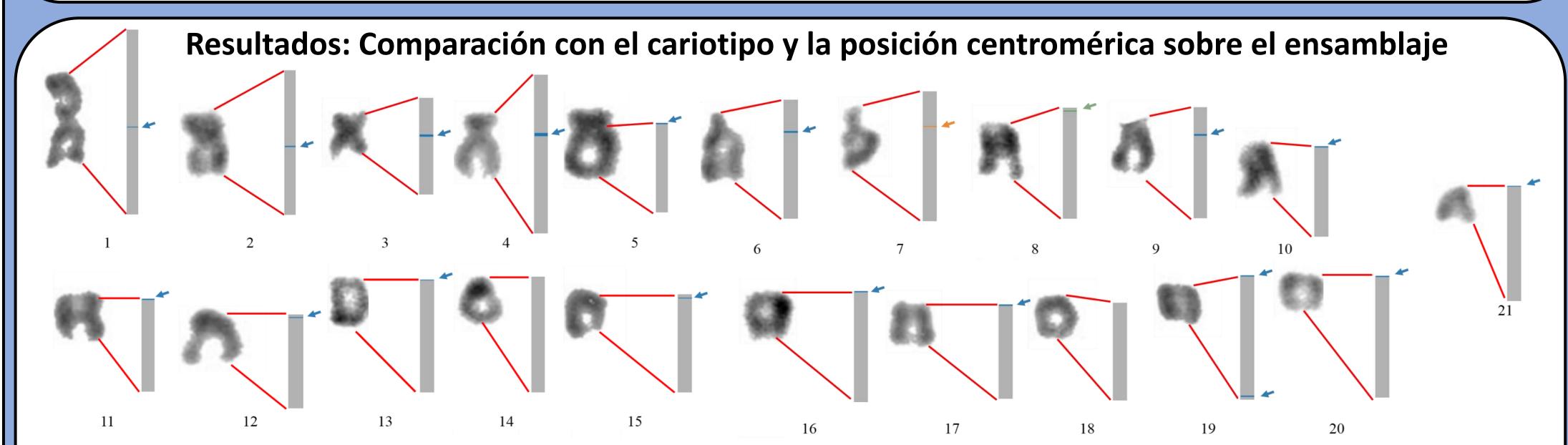
1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12

1,105,12



Cromosomas modificados del cariotipo de Vega et al., 2002. Los cromosomas del cariotipo están a escala entre sí y los ideogramas de cada uno también. Las flechas azules indican las posiciones donde se ha detectado PvuII, la flecha naranja indica la posición de la secuencia rep87 y la flecha verde indica la posición de la secuencia rep120.

**Conclusión:** Los centrómeros de *S. senegalensis* están ocupados principalmente por secuencias de ADN satélite: las regiones centroméricas de los cromosomas del 1 al 6, del 9 al 13, del 15 al 17, 20 y 21 estarían ocupadas por la familia de ADN satélite Pvull, las del cromosoma 7 por la familia rep87 y la del cromosoma 8 por la familia rep120. Además, las posiciones sobre el ensamblaje se corresponden salvo algunas excepciones con el la morfología cromosómica que se observa en el cariotipo.

Grupo BIO-200: Genética Molecular Contacto: aarongalvez@correo.ugr.es











