#### RÉPUBLIQUE DU SÉNÉGAL



Un Peuple - Un But - Une Foi

#### Ministère de l'Économie, du Plan et de la Coopération



Agence Nationale de la Statistique et de la Démographie (ANSD)



École nationale de la Statistique et de l'Analyse économique Pierre Ndiaye (ENSAE)



#### PROJET STATISTIQUES SOUS R

# TP4 : Récupération des codes Admin 3 du Bénin et du Sénégal

Rédigé par :

Mame Balla BOUSSO Ameth FAYE EDIMA Biyenda Hildegarde Papa Amadou NIANG

Sous la supervision de : M. Aboubacar HEMA ANALYSTE DE RECHERCHE CHEZ IFPRI

Elèves ingénieurs statisticiens économistes

Année scolaire : 2024/2025

#### Introduction

Ce document présente le processus de fusion des bases de données afin de récupérer les codes admin 3 pour chaque commune enquêtée dans la base EHCVM.

Nous travaillons sur deux pays : le **Bénin** et le **Sénégal**.

L'approche utilisée pour le Bénin est basée sur un nettoyage simple et une fusion directe, tandis que pour le Sénégal, nous proposons une démarche interactive permettant d'associer les communes en comparant leur similarité textuelle.

#### Librairies Utilisées

Nous utilisons les librairies suivantes :

- **dplyr** : pour la manipulation des données (filtrage, transformation, fusion, etc.).
- **stringi** et **stringr** : pour le traitement et la manipulation des chaînes de caractères (nettoyage, remplacement, etc.).
- sf: pour la manipulation des données spatiales (lecture des shapefiles, analyses géographiques).
- haven : pour la lecture des fichiers de données au format Stata (.dta).
- labelled : pour convertir les variables possédant des labels en facteurs.
- readxl: pour la lecture des fichiers Excel.

```
library(dplyr)
library(stringi)
library(stringr)
library(sf)
library(haven)
library(labelled)
library(readxl)
```

#### I: Le Bénin

#### Présentation du processus pour le Bénin

Pour le Bénin, nous disposons de trois sources de données : 1. **Shapefile** : Contient les limites administratives (communes). 2. **Fichier Excel** : Renferme des informations complémentaires, notamment les codes admin. 3. **Base EHCVM (Stata)** : Contient les données des enquêtes individuelles.

**Objectif** : Fusionner ces sources pour associer à chaque commune de la base EHCVM le code admin extrait des données géographiques.

#### Étape 1 : Chargement et préparation des données

Nous commençons par charger l'ensemble des données.

```
# Chargement des données du Bénin

# Shapefile des communes
data_BEN <- st_read("data/Benin/shapefiles/geoBoundaries-BEN-ADM2.shp")</pre>
```

#### Étape 2 : Nettoyage des noms de communes

Pour assurer une correspondance correcte entre les bases, nous normalisons les noms en : - Remplaçant les caractères accentués (É, E, é, e) par leur équivalent non accentué. - Convertissant tous les noms en minuscules.

```
# Remplacer les caractères accentués par leur équivalent sans accent
data$commune <- gsub("[ÉÈéè]", "e", data$commune)
data <- data %>% mutate(commune = tolower(commune))

# Pour le shapefile, on met en minuscule le nom des communes
data_BEN <- data_BEN %>% mutate(shapeName = tolower(shapeName))
data_BEN_Pcode <- data_BEN_Pcode %>% mutate(ADM2_FR = tolower(ADM2_FR))
```

#### Étape 3 : Fusion des données géographiques

Nous fusionnons le shapefile avec le fichier Excel afin d'associer les informations complémentaires (codes admin) aux limites géographiques.

```
data BEN fin <- merge (data BEN, data BEN Pcode, by.x = "shapeName", by.y = "ADM2 F
```

#### **Étape 4 : Fusion finale avec la base EHCVM**

Enfin, nous associons les données géographiques (avec le code admin) aux enregistrements de la base EHCVM.

```
2 1005 1
2 1005 1
## 1 BEN
            2021
                                            1 Transition, ~ Trans~ alibori
            2021
                                      5
## 2 BEN
                                            2 Transition, ~ Trans~ alibori
## 3 BEN
                                     5
            2021
                    2 1005
                                            3 Transition, ~ Trans~ alibori
## 4 BEN
            2021
                    2 1005
                                    5
                                           4 Transition, ~ Trans~ alibori
                                      5
                    2 1005
                                            5 Transition, ~ Trans~ alibori
## 5 BEN
            2021
                                1
## 6 BEN
            2021
                    2 1005
                                1
                                      5
                                            8 Transition, ~ Trans~ alibori
## # i 67 more variables: commune <chr>, arrondissement <fct>, milieu <fct>,
## # hhweight <dbl>, resid <fct>, sexe <fct>, age <dbl>, lien <fct>,
     mstat <fct>, religion <fct>, ethnie <fct>, nation <fct>, agemar <dbl>,
## # ea <chr>, em <chr>, ej <chr>, mal30j <fct>, aff30j <fct>, arrmal <dbl>,
## # durarr <fct>, con30j <fct>, hos12m <fct>, couvmal <dbl>, moustiq <dbl>,
## # handit <fct>, handig <fct>, serviceconsult <fct>, persconsult <fct>,
     alfa <dbl>, alfa2 <dbl>, scol <dbl>, educ scol <fct>, educ hi <fct>, ...
```

Si, dans la base EHCVM, une commune est identifiée sous le nom "cotonou", la procédure ci-dessus permettra de lui associer le code admin présent dans le shapefile fusionné.

### II: Le Sénégal

#### Présentation du processus pour le Sénégal

Pour le Sénégal, les noms de communes dans les différentes sources peuvent présenter des variations (abréviations, accents, fautes d'orthographe).

**Objectif** : Proposer une démarche interactive afin d'associer chaque commune du shapefile à celle de la base EHCVM en s'appuyant sur un score de similarité calculé sur la base de la distance de Levenshtein.

## Étape 1 : Définition des fonctions de nettoyage et de similarité

**1.1 Fonction de nettoyage des noms de communes** Cette fonction transforme les noms en minuscules, retire les préfixes inutiles (par exemple «COM.»), enlève les accents et supprime les espaces pour faciliter la comparaison.

```
nettoyage_commune <- function(x) {
    x %>%
    tolower() %>%
    str_replace_all("^(com\\.?\\s*|com\\s+|commune\\s*(de)?\\s*)", "") %>%
    stri_trans_general("Latin-ASCII") %>%
    str_replace_all("[''\'^`]", "") %>%
    str_replace_all("[^[:alnum:]]+", " ") %>%
    str_squish() %>%
    str_replace_all(" ", "")
}

# Exemple d'utilisation
exemple_commune <- "COM. SénéGalKèmo"
cat("Avant nettoyage : ", exemple_commune, "\n")</pre>
```

## Avant nettoyage : COM. SénéGalKèmo

```
cat("Après nettoyage : ", nettoyage_commune(exemple_commune), "\n")
## Après nettoyage : senegalkemo
```

**1.2 Fonction de calcul de la distance de Levenshtein** Cette fonction calcule la distance minimale (nombre d'opérations) nécessaire pour transformer une chaîne en une autre.

```
levenshtein distance <- function(s, t) {</pre>
  s chars <- unlist(strsplit(s, split = ""))</pre>
  t chars <- unlist(strsplit(t, split = ""))</pre>
  m <- length(s chars)
  n <- length(t chars)</pre>
  d \leftarrow matrix(0, nrow = m + 1, ncol = n + 1)
  for(i in 1:(m + 1)) { d[i, 1] <- i - 1 }
  for (j in 1: (n + 1)) \{ d[1, j] < -j - 1 \}
  for(i in 1:m) {
    for (j in 1:n) {
      cost \leftarrow ifelse(s chars[i] == t chars[j], 0, 1)
      d[i + 1, j + 1] \leftarrow min(d[i, j + 1] + 1,
                                d[i + 1, j] + 1,
                                d[i, j] + cost)
    }
  return(d[m + 1, n + 1])
# Exemple d'utilisation
s1 <- "chat"
s2 <- "chats"
cat ("Distance de Levenshtein entre '", s1, "' et '", s2, "' : ",
    levenshtein distance(s1, s2), "\n", sep = "")
```

## Distance de Levenshtein entre 'chat' et 'chats' : 1

**1.3 Fonction de calcul de la similarité normalisée** Cette fonction utilise la distance de Levenshtein pour calculer un score de similarité entre 0 et 1.

```
similarity <- function(s, t) {
   d <- levenshtein_distance(s, t)
   max_len <- max(nchar(s), nchar(t))
   if(max_len == 0) return(1)
   return(1 - d / max_len)
}

# Exemple d'utilisation
cat("Similarité entre '", s1, "' et '", s2, "' : ",
   similarity(s1, s2), "\n", sep = "")</pre>
```

## Similarité entre 'chat' et 'chats' : 0.8

**1.4 Fonction pour calculer la matrice de similarité** Cette fonction construit une matrice dans laquelle chaque case correspond au score de similarité entre un nom issu du shapefile et un nom de la base EHCVM.

```
compute_similarity_matrix <- function(shape_communes, ehcvm_communes, sim_func = s
   sim_matrix <- matrix(0, nrow = length(shape_communes), ncol = length(ehcvm communes)</pre>
```

```
rownames (sim matrix) <- shape communes</pre>
  colnames(sim matrix) <- ehcvm communes</pre>
  for (i in seq along(shape communes)) {
    for (j in seq along(ehcvm communes)) {
      sim matrix[i, j] <- sim func(shape communes[i], ehcvm communes[j])</pre>
  return(sim matrix)
# Exemple d'utilisation
exemple shape <- c("ruffisque", "pikine")</pre>
exemple ehcvm <- c("ruffisque", "pikine", "dakar")</pre>
exemple matrix <- compute similarity matrix (exemple shape, exemple ehcvm)
print(exemple matrix)
              ruffisque
                          pikine
## ruffisque 1.0000000 0.2222222 0.0000000
## pikine
            0.2222222 1.0000000 0.1666667
```

#### Étape 2 : Fusion interactive des bases

La fonction ci-dessous propose une méthode interactive qui calcule la similarité entre les noms de communes et vous permet de valider ou d'ajuster manuellement les correspondances lorsque le score de similarité est faible.

**Note :** Cette fonction utilise readline () pour récupérer des réponses en temps réel. Elle est idéale pour une exécution interactive (par exemple dans RStudio) mais nécessitera des adaptations pour un rendu non-interactif.

```
merge bases commune interactive <- function (data SEN, data, threshold = 0.8,
                                              top n = 5) {
  # Extraction et nettoyage des noms de communes
  shape_communes <- data_SEN$ADM3_FR_clean</pre>
  ehcvm communes <- unique (data$commune clean)
  # Calcul de la matrice de similarité
  cat("Calcul des scores de similarité...\n")
  sim matrix <- compute similarity matrix(shape communes, ehcvm communes)</pre>
  # Séparation en deux groupes :
  # Groupe A : score maximum >= threshold (correspondances automatiques)
  # Groupe B : score maximum < threshold (à valider manuellement)
  groupA indices <- which (apply (sim matrix, 1, max) >= threshold)
  groupB indices <- setdiff(seq along(shape communes), groupA indices)</pre>
  # --- Groupe A : correspondances automatiques ---
  cat("\n=== Groupe A : Correspondances automatiques (score >= ",
      threshold*100, "%) ===\n'', sep = "")
  auto mapping <- data.frame(</pre>
    shape commune = shape communes[groupA indices],
    ehcvm commune = sapply(groupA indices, function(i) {
      candidates <- ehcvm communes[order(sim matrix[i, ], decreasing = TRUE)]</pre>
```

```
return(candidates[1])
  }),
  score = sapply(groupA indices, function(i) max(sim matrix[i, ])),
  stringsAsFactors = FALSE
print(auto mapping)
rep auto <- readline (prompt = "\nValidez-vous toutes ces correspondances
                      automatiques ? (o/n) : ")
if(tolower(rep auto) == "o") {
  mapping A <- auto mapping
} else {
  cat("\nEntrez les indices (dans la liste ci-dessus) des communes à modifier,
      séparés par une virgule\n(ou appuyez sur Entrée pour conserver celles non
      modifiées) : ")
  modif <- readline()</pre>
  mapping A <- auto mapping # on part de la proposition automatique
  if (nchar(trimws(modif)) > 0) {
    modif indices <- as.numeric(unlist(strsplit(modif, ",")))</pre>
    if(any(is.na(modif indices)) || any(modif indices < 1) ||</pre>
       any (modif indices > nrow (auto mapping))) {
      cat("Indices invalides. Aucune modification ne sera effectuée pour
          le Groupe A.\n")
    } else {
      for(mi in modif indices) {
        current shape <- auto mapping$shape commune[mi]</pre>
        i <- which (shape communes == current shape) [1]
        candidate order <- order(sim matrix[i, ], decreasing = TRUE)</pre>
        candidates <- ehcvm communes[candidate order]</pre>
        candidate scores <- sim matrix[i, candidate order]</pre>
        n candidates <- min(top n, length(candidates))</pre>
        cat(sprintf("\nPour la commune '%s', voici les %d
                     meilleures correspondances :\n",
                     current shape, n candidates))
        for (k in 1:n candidates) {
          cat(sprintf(" %d: '%s' (score = %.2f) \n", k,
                       candidates[k], candidate scores[k]))
        rep choice <- as.numeric(readline(prompt = "Choisissez le</pre>
                                            numéro correspondant (ou 0 pour aucune
                                             correspondance) : "))
        if(!is.na(rep choice) && rep choice >= 1 && rep choice <= n candidates)
          mapping A$ehcvm commune[mi] <- candidates[rep choice]</pre>
          mapping A$score[mi] <- candidate scores[rep choice]</pre>
        } else {
          mapping A$ehcvm commune[mi] <- NA
          mapping A$score[mi] <- NA
          cat ("Aucune correspondance validée pour cette commune. \n")
        }
      }
    }
  }
```

```
# --- Groupe B : correspondances à valider manuellement ---
cat("\n=== Groupe B : Correspondances à valider manuellement (score < ",
    threshold*100, "%) ===\n'', sep = "")
manual_mapping <- data.frame(</pre>
  shape commune = character(0),
  ehcvm commune = character(0),
  score = numeric(0),
  stringsAsFactors = FALSE
if (length (groupB indices) > 0) {
  for (i in groupB indices) {
    current shape <- shape communes[i]</pre>
    candidate order <- order(sim matrix[i, ], decreasing = TRUE)</pre>
    candidates <- ehcvm communes[candidate order]</pre>
    candidate scores <- sim matrix[i, candidate order]</pre>
    n candidates <- min(top n, length(candidates))</pre>
    cat(sprintf("\nPour la commune '%s' (meilleur score = %.2f),
                 voici les %d meilleures correspondances :\n",
                 current shape, candidate scores[1], n candidates))
    for (k in 1:n candidates) {
      cat(sprintf(" %d: '%s' (score = %.2f)\n", k, candidates[k],
                   candidate scores[k]))
    rep choice <- as.numeric(readline(prompt = "Choisissez le numéro
                                        correspondant (ou 0 pour aucune
                                        correspondance) : "))
    if(!is.na(rep choice) && rep choice >= 1 && rep choice <= n candidates) {</pre>
      manual mapping <- rbind(manual mapping, data.frame(</pre>
        shape commune = current shape,
        ehcvm commune = candidates[rep choice],
        score = candidate scores[rep choice],
        stringsAsFactors = FALSE
      ))
    } else {
      manual mapping <- rbind(manual mapping, data.frame(</pre>
        shape commune = current shape,
        ehcvm commune = NA,
        score = NA,
        stringsAsFactors = FALSE
      ) )
      cat ("Aucune correspondance validée pour cette commune. \n")
  }
# Combiner les mappings issus des deux groupes
full mapping <- rbind(mapping A, manual mapping)</pre>
cat("\nMapping final validé :\n")
print(full mapping)
```

```
if(nrow(full mapping) == 0 || all(is.na(full mapping$ehcvm commune))) {
  cat ("Aucune correspondance validée.\n")
  return (NA)
# Création de la clé de jointure dans data SEN
data SEN$join key <- sapply(data SEN$ADM3 FR clean, function(x) {
  idx <- which (full mapping$shape commune == x)
  if (length (idx) > 0) {
    return(full mapping$ehcvm commune[idx[1]])
  } else {
    return (NA)
})
data SEN valid <- data SEN[!is.na(data SEN$join key), ]
valid_ehcvm <- full_mapping$ehcvm_commune[!is.na(full_mapping$ehcvm_commune)]</pre>
data to merge <- data[data$commune clean %in% valid ehcvm, ]
if(nrow(data to merge) == 0) {
  cat ("Aucun enreqistrement de la base ehcvm ne correspond aux communes
      validées.\n")
  return (NA)
}
# Réalisation de la fusion finale
merged data <- merge (
  data to merge, data SEN valid,
  by.x = "commune clean", by.y = "join key",
  all.x = TRUE, suffixes = c(" ehcvm", " shp")
)
cat("\nFusion réalisée avec succès.\n")
return (merged data)
```

#### Étape 3 : Chargement et Préparation des Données pour le Sénégal

Nous chargeons ici le shapefile et la base EHCVM pour le Sénégal et appliquons le nettoyage aux noms de communes.

```
# Chargement du shapefile pour le Sénégal
data_SEN <- st_read("data/Senegal/shapefiles/sen_admbnda_adm3_anat_20240520.shp",

# Chargement de la base EHCVM (format Stata)
data <- read_dta("data/Senegal/ehcvm/ehcvm_individu_sen2021.dta")
data <- to_factor(data)

# Application du nettoyage sur le nom des communes
data <- data %>% mutate(commune clean = nettoyage commune(commune))
```

```
data SEN <- data SEN %>% mutate(ADM3 FR clean = nettoyage_commune(ADM3 FR))
```

#### Étape 4 : Lancement de la Fusion Interactive

Lancez la fusion interactive pour associer les communes entre la base EHCVM et le shapefile.

```
resultat_merge <- merge_bases_commune_interactive(data_SEN, data, threshold = 0.8,
# Affichage du résultat final
cat("\nRésultat de la fusion :\n")
print(resultat_merge)</pre>
```

#### Exemple:

Supposons que la base EHCVM contienne une commune nommée "pikine" et que, dans le shapefile, le nom soit légèrement différent (par exemple "Pikine" ou avec des variations d'orthographe). La procédure interactive, à travers le calcul de similarité et la validation manuelle, permettra de corriger et d'associer correctement ces entrées.

#### Conclusion

Nous avons présenté deux approches pour fusionner les bases de données dans le cadre de la récupération des codes admin 3 :

- Pour le **Bénin**, une méthode de nettoyage simple et de fusion directe.
- Pour le **Sénégal**, une méthode plus fine qui s'appuie sur un nettoyage approfondi, le calcul d'une similarité entre chaînes de caractères et une validation interactive.