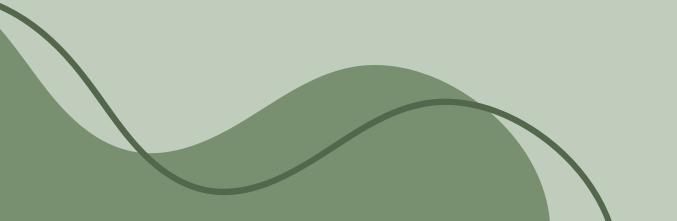


# ONEHEALTH



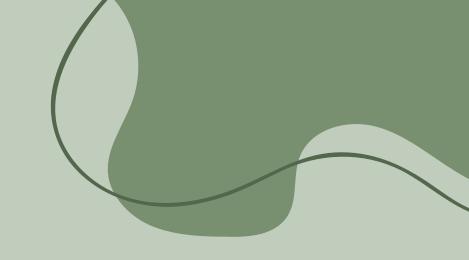
Comparaison entre méthodes de Machine Learning et Deep Learning pour prédire l'indice de qualité de l'air à partir de données météo



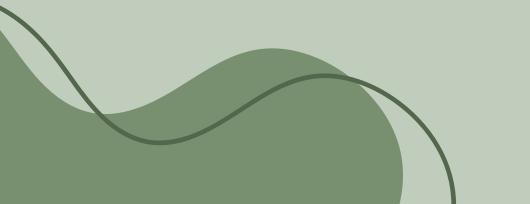




### SOMMAIRE



- 1. présentation du jeu de données
- 2. modèle ARIMA
- 3. modèle Random Forest
- 4. modèle LSTM
- 5. comparaison des méthodes







# PRÉSENTATION DU JEU DE DONNÉES

- données temporelles (année, mois, jour, heure)
- 12 stations à Pékin
- 6 facteurs météorologiques (température, pluviométrie...)
- 6 facteurs de pollution (concentrations en CO, O3...)
- Indice de Qualité de l'Air (6 modalités)





#### DES MÉTHODES DE PRÉVISION ADAPTÉES AUX SÉRIES TEMPORELLES

- ARIMA: un modèle d'apprentissage statistique pour l'étude des séries temporelles
- Les forêts aléatoires: ensemble d'arbres de décision est robuste aux relations non linéaires et peut capturer des interactions complexes dans les séries temporelles avec des variables exogènes
- Réseaux neuronaux récurrents: capturent efficacement les motifs locaux dans les séries temporelles et sont bien adaptés à l'extraction d'informations à partir de données séquentielles





#### TRAITEMENT INITIAL DES DONNÉES

- Import et réorganisation du jeu de données
- Imputation des données avec la méthode MissRanger

Calcul des indices de qualité de qualité de l'air







#### AutoRegressive Integrated Moving Average

$$X_t = c + \sum_{i=1}^p arphi_i X_{t-i} + arepsilon_t$$

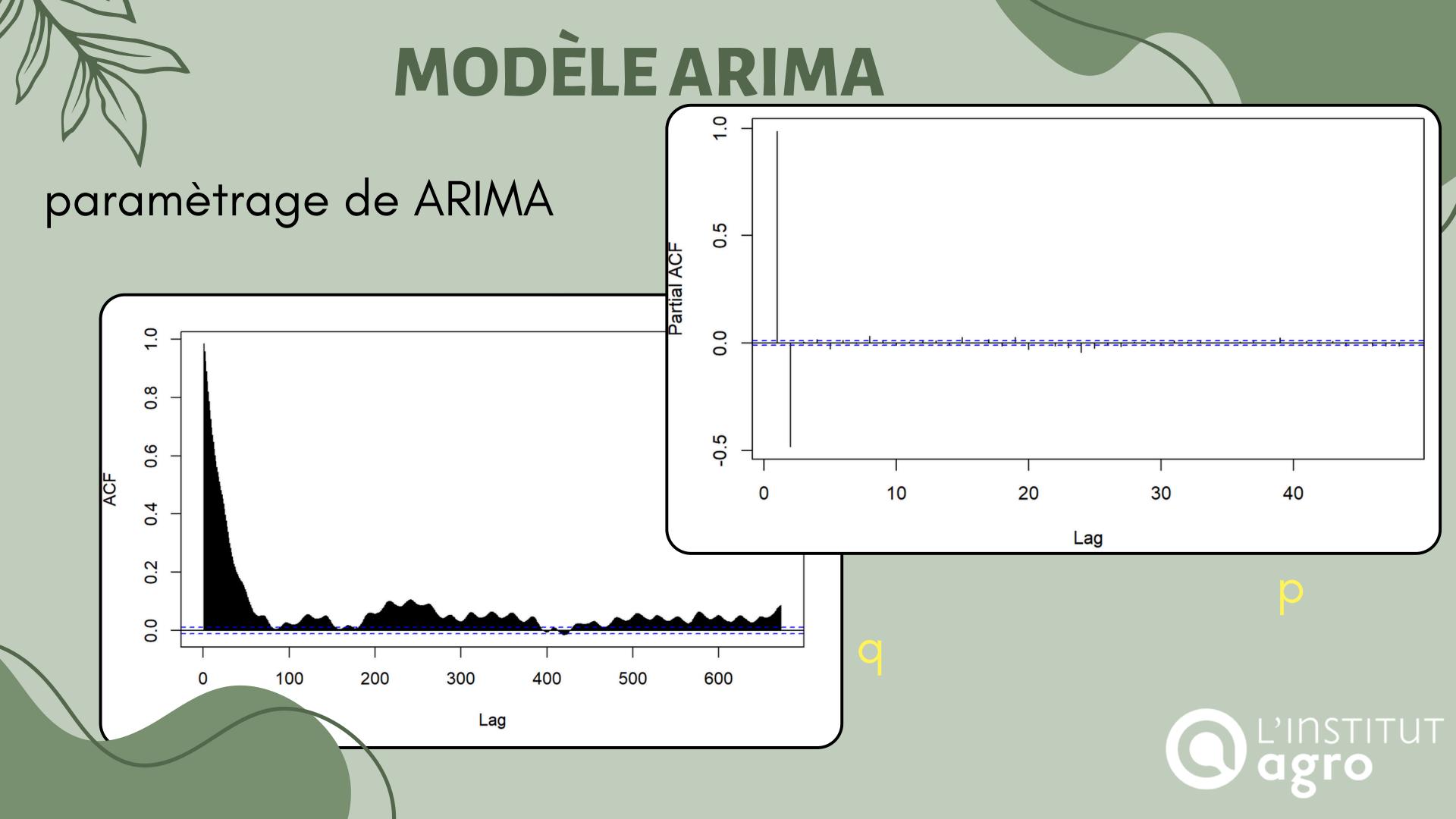
$$X_t = \mu + arepsilon_t + \sum_{i=1}^q heta_i arepsilon_{t-i}$$

$$X_{t} - lpha_{1} X_{t-1} - \dots - lpha_{p'} X_{t-p'} = arepsilon_{t} + heta_{1} arepsilon_{t-1} + \dots + heta_{q} arepsilon_{t-q},$$

$$\left(1-\sum_{i=1}^{p'}lpha_iL^i
ight)X_t=\left(1+\sum_{i=1}^q heta_iL^i
ight)arepsilon_t$$

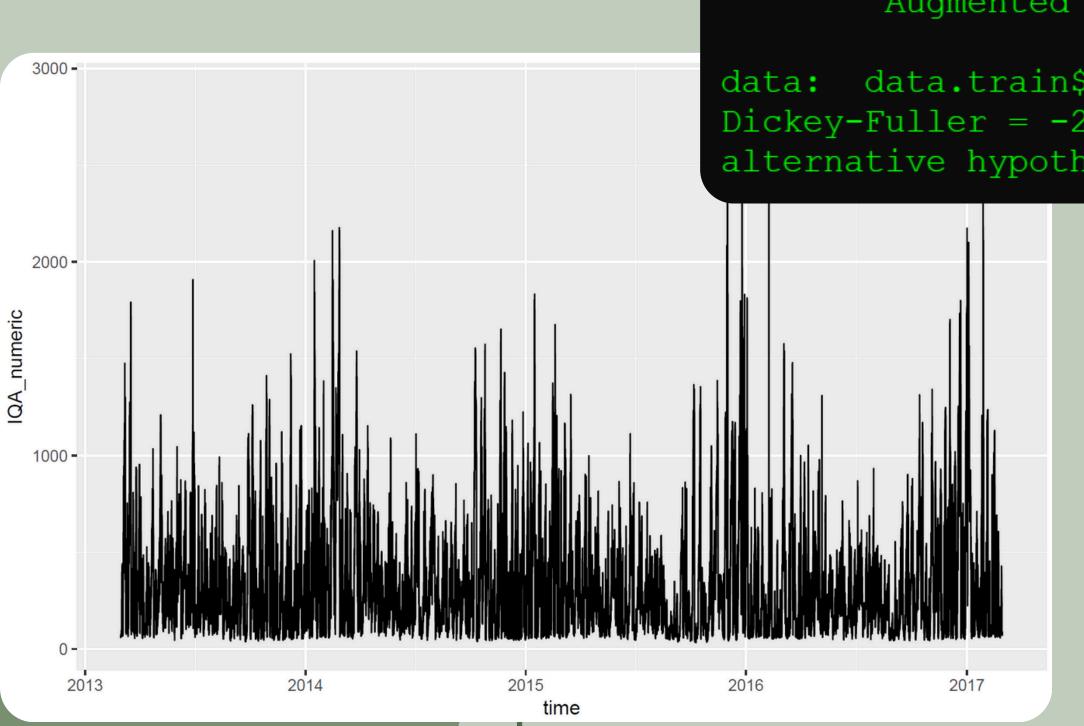
$$\left(1-\sum_{i=1}^p arphi_i L^i
ight)(1-L)^d X_t = \delta + \left(1+\sum_{i=1}^q heta_i L^i
ight)arepsilon_t$$







paramètrage de ARIMA



Augmented Dickey-Fuller Test

data: data.train\$IQA\_numeric
Dickey-Fuller = -20.667, Lag order = 31, p-value = 0.01
alternative hypothesis: stationary



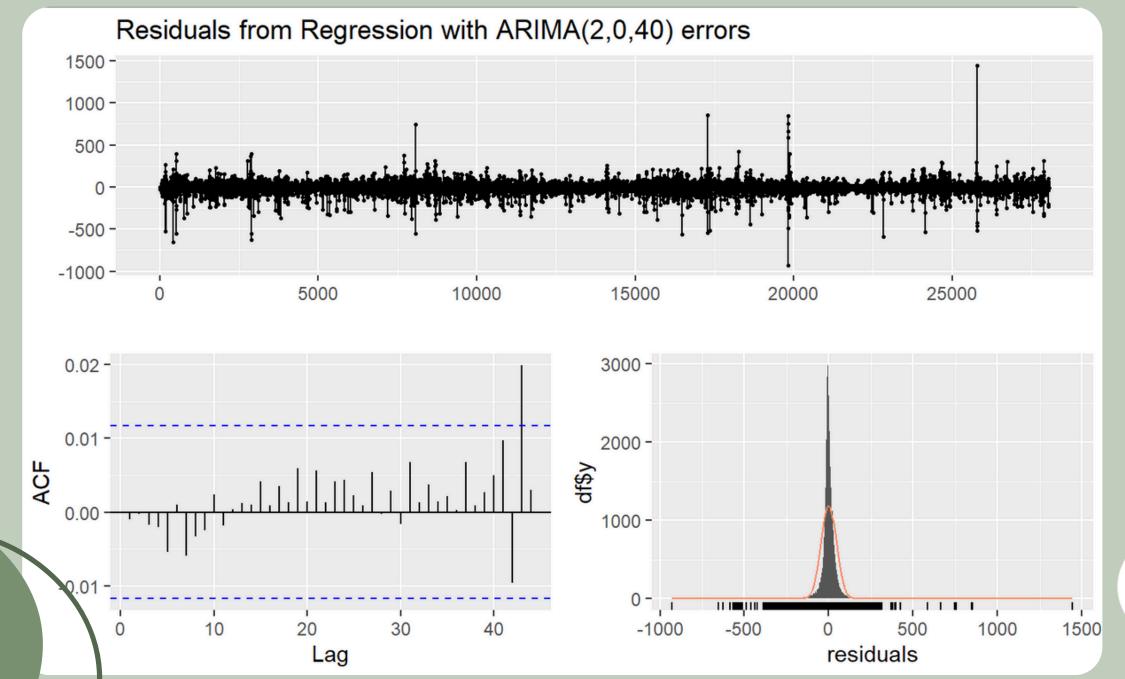


#### MODELEARMA

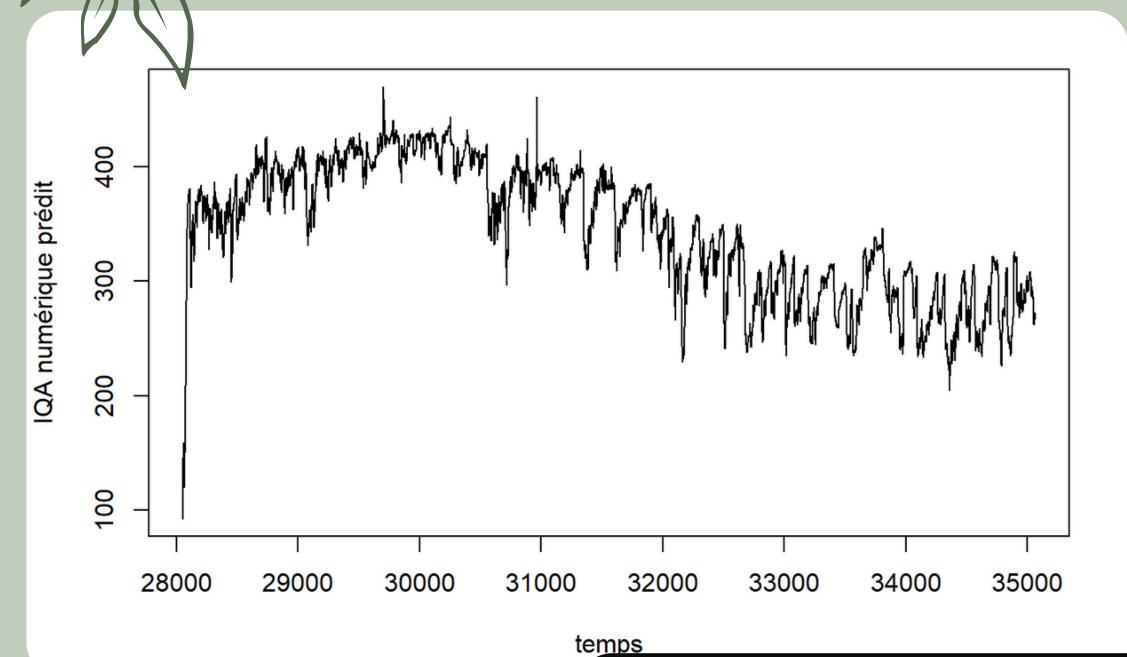
Ljung-Box test

data: Residuals from Regression with ARIMA(2,0,40) errors  $Q^* = 34.274$ , df = 3, p-value = 1.735e-07

Model df: 42. Total lags used: 45





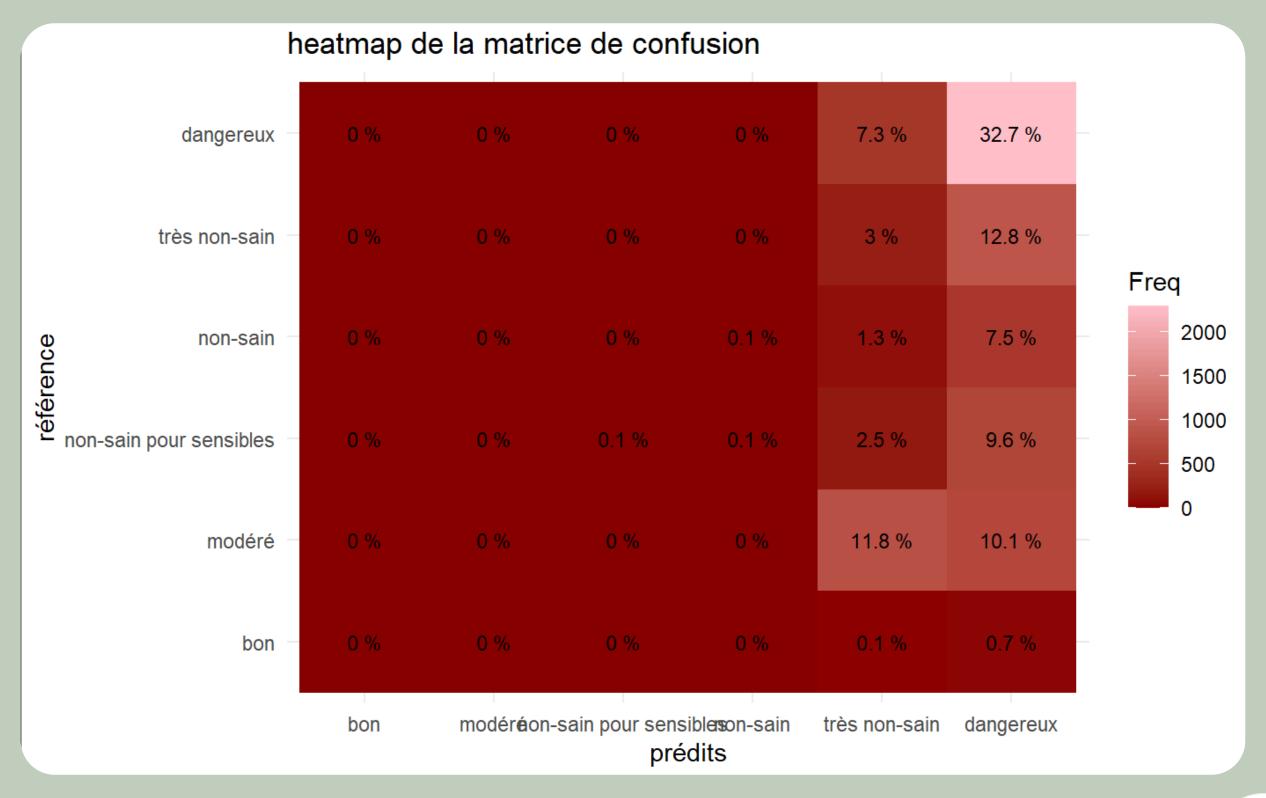


[1] "-----accuracy par plage de temps-

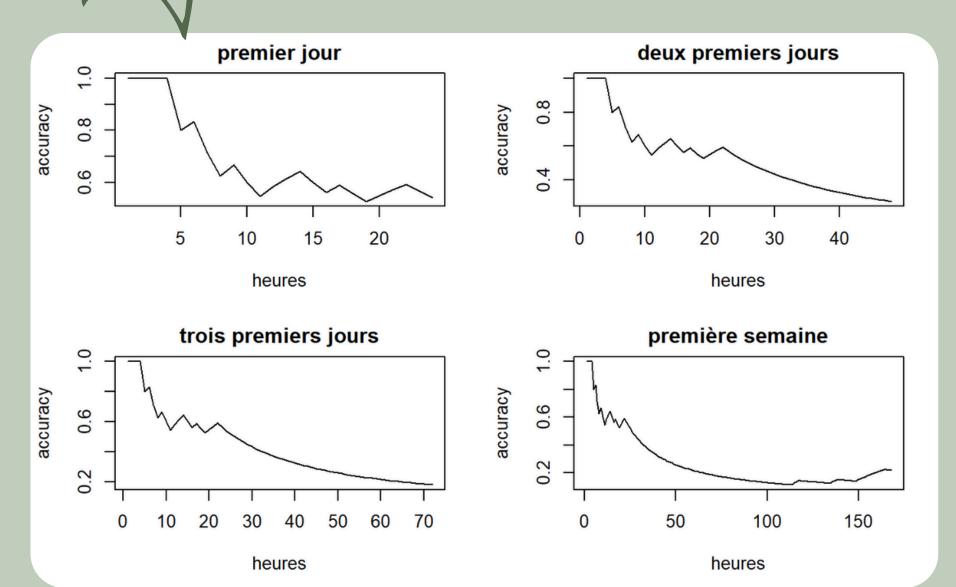
accuracy 24h: 54.2 % accuracy 48h: 27.1 % accuracy 72h: 18.1 % accuracy 168h: 22 % accuracy globale: 36 %

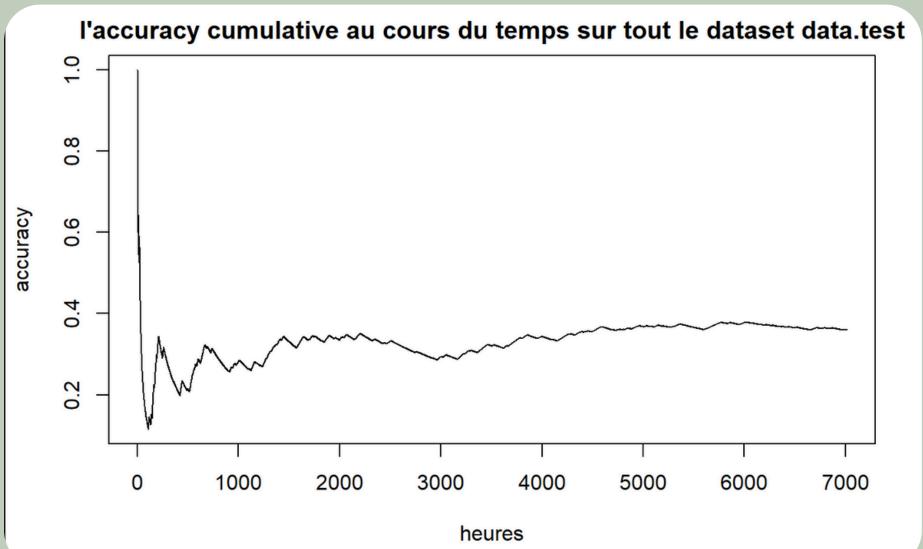












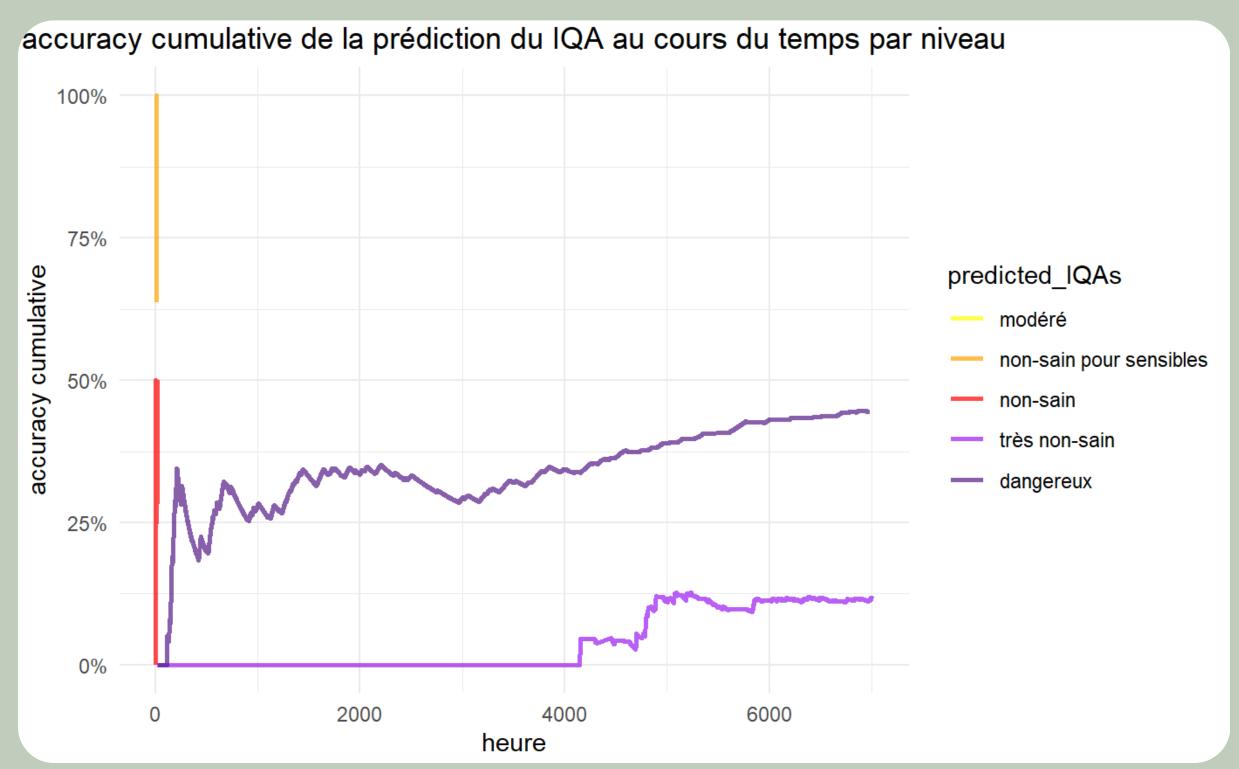




> head(predicted IQAs,72)										
[1]	modéré	non-sain pour sensibles	non-sain pour sensibles							
[4]	non-sain pour sensibles	non-sain	non-sain							
[7]	non-sain	non-sain	non-sain pour sensibles							
[10]	non-sain pour sensibles	non-sain pour sensibles	non-sain pour sensibles							
[13]	non-sain pour sensibles	non-sain pour sensibles	non-sain pour sensibles							
[16]	non-sain pour sensibles	non-sain	non-sain							
[19]	non-sain	non-sain	non-sain							
[22]	non-sain	très non-sain	très non-sain							
[25]	très non-sain	très non-sain	très non-sain							
[28]	très non-sain	très non-sain	très non-sain							
[31]	très non-sain	dangereux	dangereux							
[34]	dangereux	dangereux	dangereux							
[37]	dangereux	dangereux	dangereux							
[40]	dangereux	dangereux	dangereux							
[43]	dangereux	dangereux	dangereux							
[46]	dangereux	dangereux	dangereux							
[49]	dangereux	dangereux	dangereux							
[52]	dangereux	dangereux	dangereux							
[55]	dangereux	dangereux	dangereux							
[58]	dangereux	dangereux	dangereux							
[61]	dangereux	dangereux	dangereux							
[64]	dangereux	dangereux	très non-sain							
[67]	très non-sain	très non-sain	très non-sain							
[70]	très non-sain	très non-sain	très non-sain							
6 Levels: bon modéré non-sain pour sensibles non-sain dangereux										





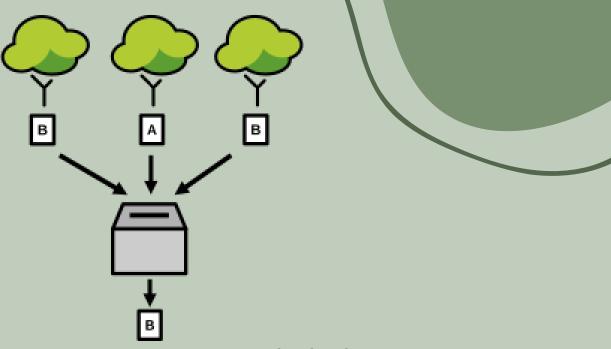






## MODÈLE RANDOM FOREST

- Produire plusieurs arbres de décision
- Choisir la réponse majoritaire
- Hyperparamètres :
  - ntree = nombre d'arbres
  - o mtry = nombre de variables à considérer pour chaque division
  - min.node.size = nombre minimal d'individus par noeud
  - max.depth = profondeur maximale des arbres
  - o splitrule = règle de partionnement
  - importance = méthode pour calculer importance des variables
- Classification ou régression







### ENTRAINEMENT ET PREDICTION

- Poids pour équilibrer les classes
- Modèle des forêts aléatoires
- Prédiction avec les données test
- Définition classe pour chaque individu

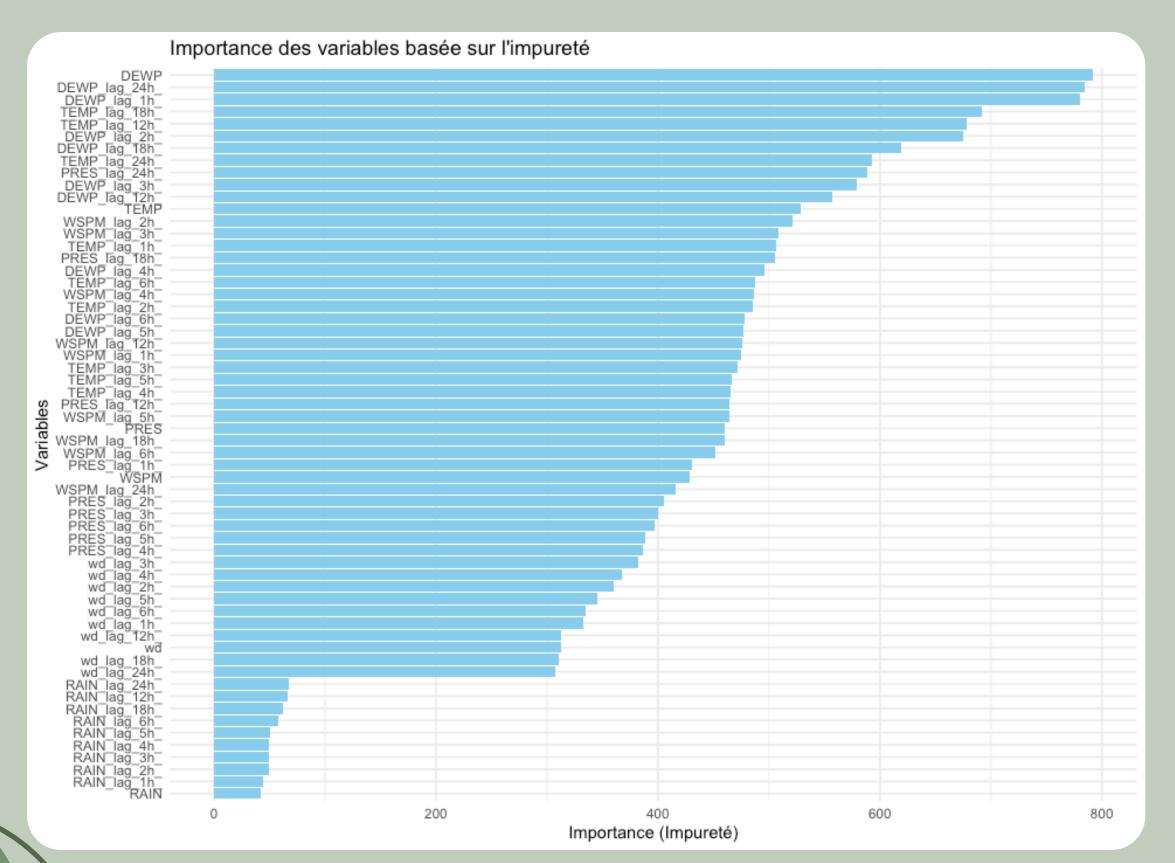
- Sortie ranger
- mtry et target.node.size
   => valeurs par défaut

Probability estimation Type: Number of trees: 500 Sample size: 336615 Number of independent variables: 60 Mtry: Target node size: 10 Variable importance mode: impurity Splitrule: gini 00B prediction error (Brier s.): 0.281381





#### IMPORTANCE DES VARIABLES



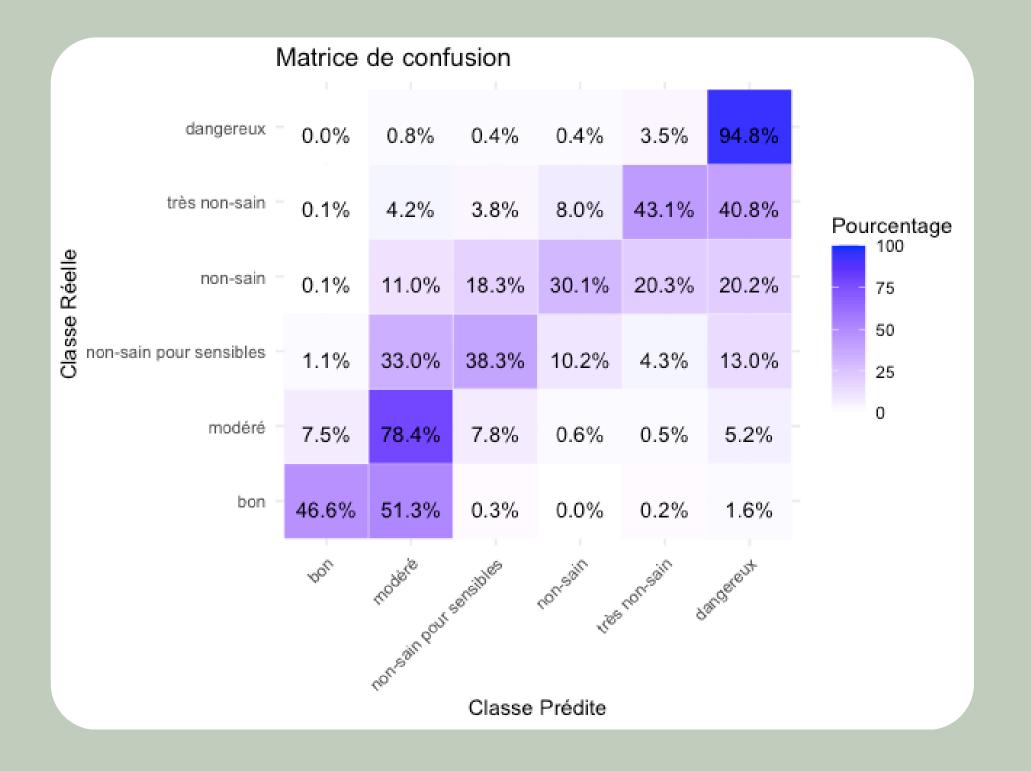




#### PERFORMANCE DE PREDICTION

Pourcentage =

Sensibilité

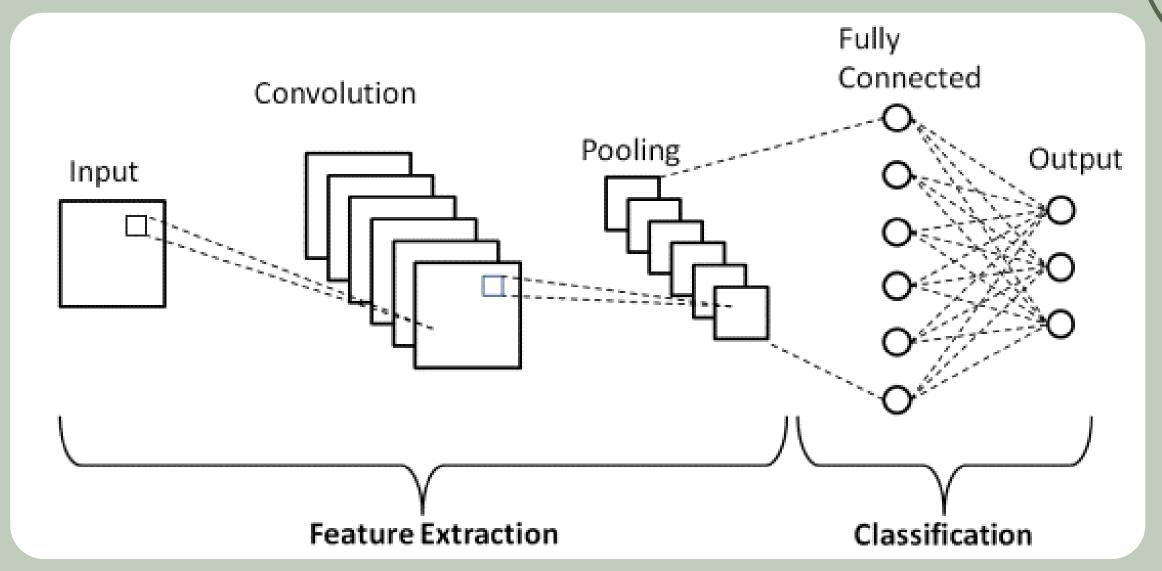


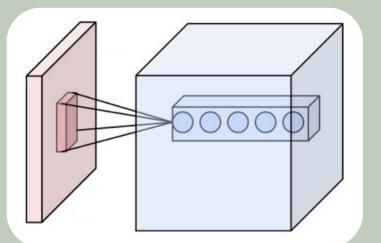


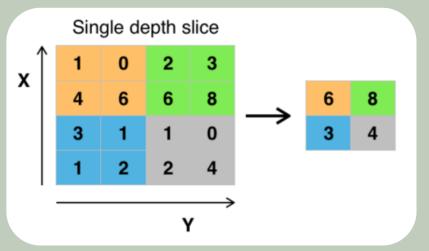


#### LES CNN

#### (CONVOLUTIONAL NEURON NETWORK)











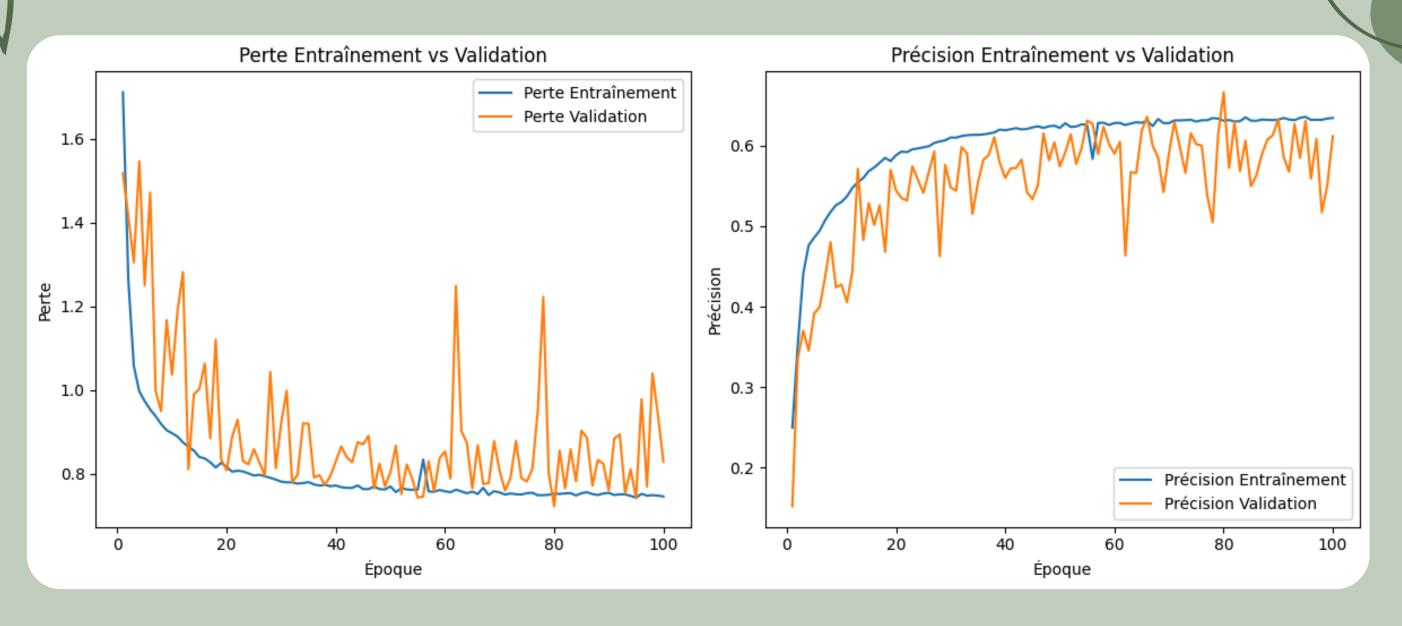
#### LES CNN EN PRATIQUE

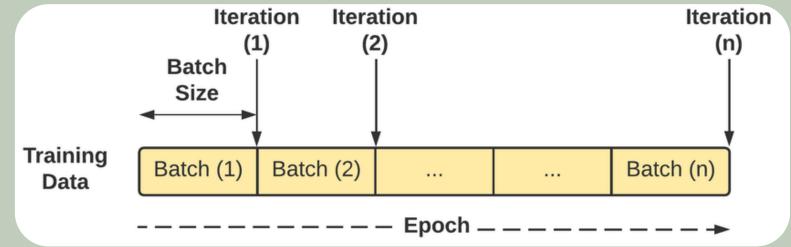
#### **AVEC PYTORCH**

```
class Conv1DModel(nn.Module): 2 usages
   def __init__(self, input_channels, num_classes):
       super(Conv1DModel, self).__init__()
       self.conv1 = nn.Conv1d(in_channels=input_channels, out_channels=64, kernel_size=3)
       self.conv2 = nn.Conv1d(in_channels=64, out_channels=64, kernel_size=3)
       self.relu = nn.ReLU()
       self.dropout = nn.Dropout(0.5)
       self.flatten = nn.Flatten()
       # Calculer la taille après les convolutions
       # Chaque convolution sans padding réduit la longueur de la séquence de (kernel_size - 1)
       # Après deux convolutions : sequence_length - 2*(3-1) = sequence_length - 4
       self.fc1 = nn.Linear(64 * (sequence_length - 4), out_features: 100)
       self.fc2 = nn.Linear( in_features: 100, num_classes)
   def forward(self, x):
       # x shape: (batch_size, sequence_length, n_features)
       x = x.permute(0, 2, 1) # (batch_size, n_features, sequence_length) pour Conv1D
       x = self.relu(self.conv1(x)) # (batch_size, 64, L1)
       x = self.relu(self.conv2(x)) # (batch_size, 64, L2)
                                      # (batch_size, 64 * L2)
       x = self.flatten(x)
       x = self.relu(self.fc1(x))
                                      # (batch_size, 100)
       x = self.dropout(x)
       x = self.fc2(x)
                                      # (batch_size, num_classes)
        return x
```



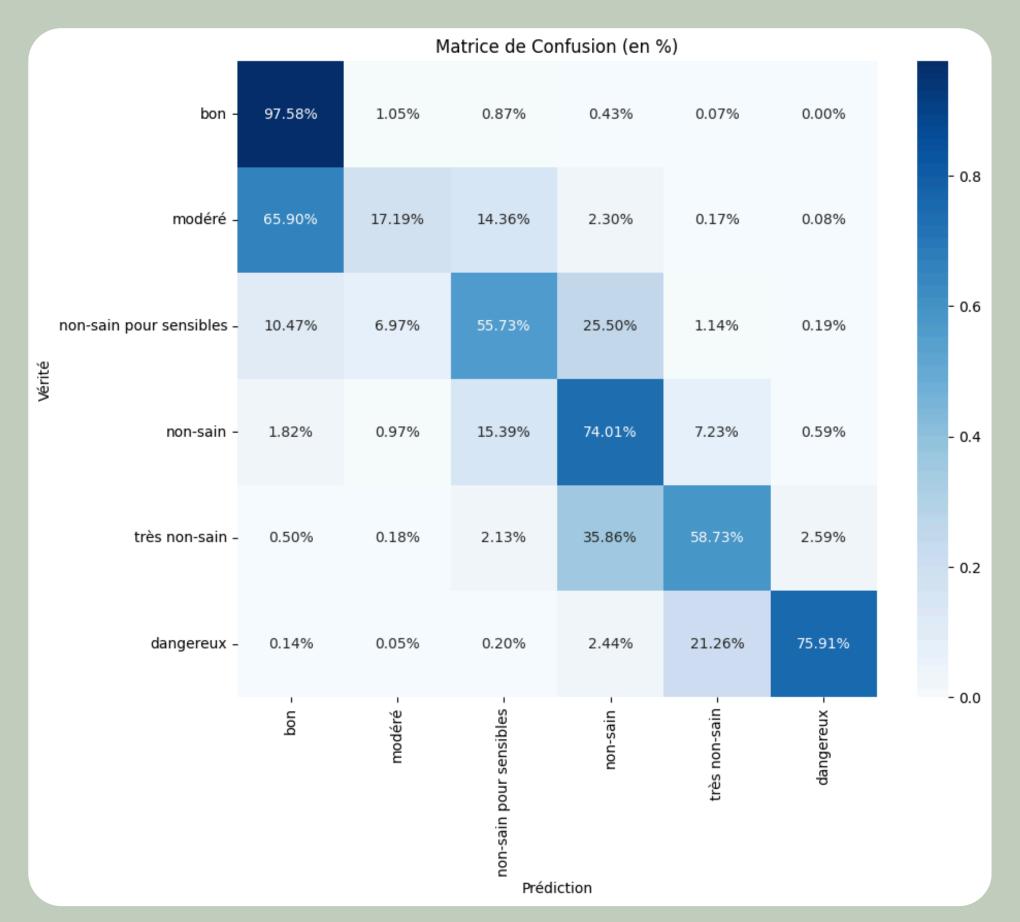
#### L'APPRENTISSAGE







### PERFORMANCES DE PRÉDICTION

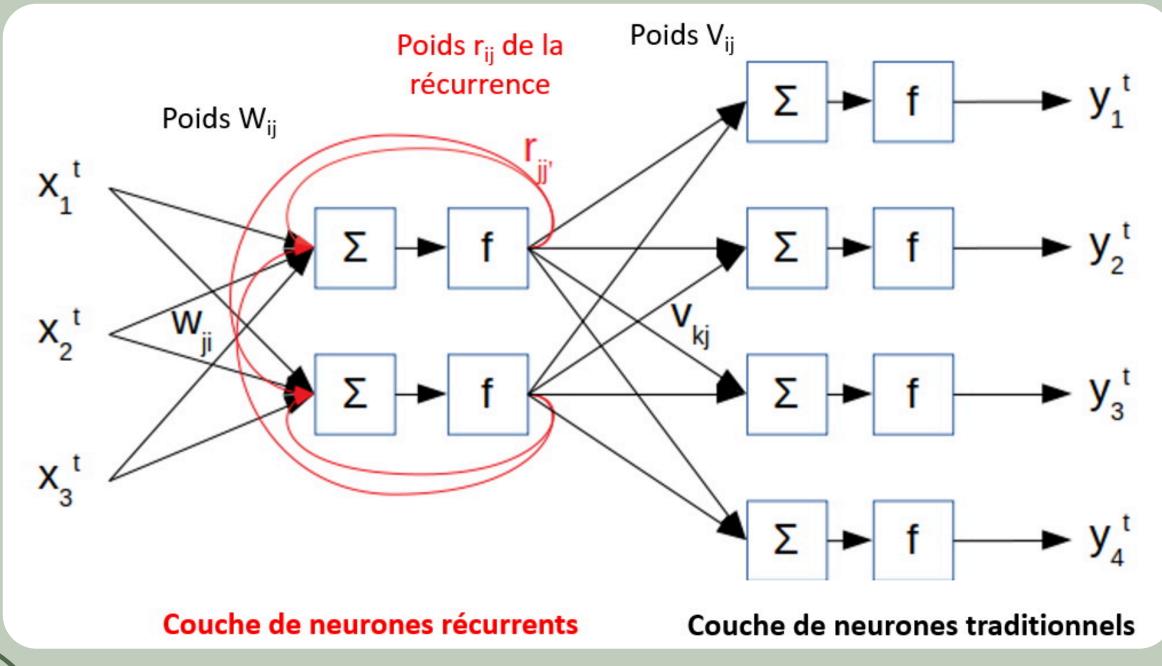






#### PISTE D'AMÉLIORATION: LES RNN

(RECURENT NEURON NETWORK)



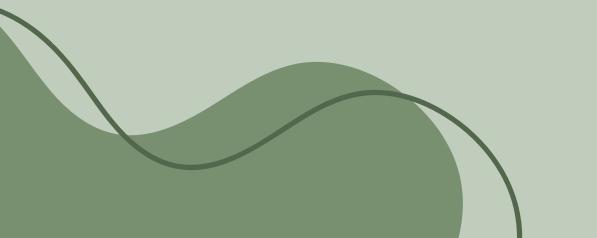


# COMPARAISON - CONCLUSION

	ACC	ACC/classe	F1 Score	Ressources necessaires	Nombre d'hyper- paramètres
ARIMA	36%	<ul> <li>bon: 0%</li> <li>modéré: 0%</li> <li>non-sain pour sensibles: 0%</li> <li>non-sain: 0.1%</li> <li>très non-sain: 3%</li> <li>dangereux: 32.7%</li> </ul>	<ul> <li>bon: NA</li> <li>modéré: 0.13%</li> <li>non-sain pour sensibles: 1.6%</li> <li>non-sain: 0.16%</li> <li>très non-sain: 14.5%</li> <li>dangereux: 57.6%</li> </ul>	1h	2 (p, q)
Random Forest	70%	<ul> <li>Bon: 0.72475</li> <li>Modéré: 0.8407</li> <li>Non-sain pour sensibles: 0.67107</li> <li>Non-sain: 0.63657</li> <li>Très non-sain: 0.69357</li> <li>Dangereux: 0.8879</li> </ul>	<ul> <li>Bon: 0.53559</li> <li>Modéré: 0.7002</li> <li>Non-sain pour sensibles: 0.44656</li> <li>Non-sain: 0.37445</li> <li>Très non-sain: 0.50758</li> <li>Dangereux: 0.8698</li> </ul>	FORET: 12 MIN PREDICTION: 2 MIN	6
Convolutional Neuron Network	60%	Classe bon: 0.2893 Classe modéré: 0.7921 Classe non-sain pour sensibles: 0.5593 Classe non-sain: 0.4049 Classe très non-sain: 0.4792 Classe 5 dangereux: 0.9848	Classe bon: 0.4463 Classe modéré: 0.2825 Classe non-sain pour sensibles: 0.5583 Classe non-sain: 0.5234 Classe très non-sain: 0.5272 Classe dangereux: 0.8573	3h sans GPU 30min avec GPU	4



# QUESTIONS?





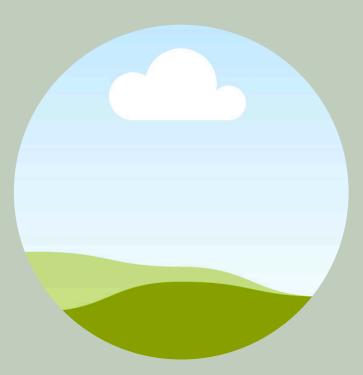


# MERCIPOUR VOTRE ÉCOUTE





### AUTEURS



Derya Kapisiz



Amélie Brejot



Achille Gausserès

