# Specyfikacja funkcjonalna

#### 1. Opis ogólny

# 1.1. Nazwa programu

Program nazywa się VaccOpt.

### 1.2. Poruszany problem

Program będzie optymalizował proces zakupu szczepionek przez hipotetyczne apteki.

Każda z aptek będących pod opieką GM ma podpisany kontrakt z każdym dystrybutorem szczepionek leczniczych.

Program napisany przeze mnie (jako członka ZA) ma za zadanie korzystając z danych zawartych w pliku dostarczonym przez GM ma znaleźć konfigurację, w której nastąpi minimalizacja kosztów sprzedaży szczepionek przy jednoczesnym zapewnieniu dostaw do wszystkich aptek.

# 1.3. Użytkownik docelowy

Przyjmując konwencję zadania użytkownikiem docelowym jest GM. Właściwym użytkownikiem docelowym naszego programu jest prowadzący zajęć laboratoryjnych.

# 2. Ogólna funkcjonalność

#### 2.1. Korzystanie z programu

Program wykonany jest w formie aplikacji działającej w terminalu. Do włączenia go wymagane jest posiadanie kompilatora Java.

# 2.2. Uruchamianie programu

Aby włączyć program należy przejść w terminalu do katalogu zawierającego pilk wykonywalny  ${\bf VaccOpt.jar}$  i włączyć go wpisując komendę  ${\it java-jar}$   ${\it VaccOpt.jar}$  nazwa ${\it Pliku}''$ , gdzie nazwa ${\it Pliku}$  to nazwa pliku z danymi. W przypadku wywołania bezargumentów program domyślnie przyjmuje korzyta z pliku  ${\it dane.txt.}$ 

# 2.3. Możliwości programu

Program jest w stanie sprawdzić, czy przekazane mu *dane* zgadzają się z ustalonymi dyrektywami, na ich podstawie zoptymalizować, czyli w tym wypadku zminimalizować koszty zaopatrzenia

w pełni wszystkich aptek. Efektem końcowym działania programu jest wygenerowanie pliku result.txt.

#### 3. Format danych i struktura plików

# 3.1. Słownik

GM - grupa menadżerska

ZA - zespół analityków

Klucz, ID - element unikatowy dla każdej apteki oraz dystrybutora

dane - w domyśle odpowiednio sformatowany plik dostarczony przez GM lub jego zawartość

GUI - graphical user interface, czyli interfejs graficzny widziany przez użytkownika

# 3.2. Struktura katalogów

Cały kod tworzący program będzie znajdował się w w katalogu src, tam też będzie plik main.java. Wszystkie testy znajdować się będą w katalogu test. Przykładowe dane będą znajdowały się w katalogu nadrzędnym dlasrc i test. Plik wyjściowy będzie generowany w tym samym folderze.

# 3.3. Przechowywanie danych w programie

Sam program znajduje się w repozytorium Wydziału Elektrycznego Politechniki Warszawskiej.

W programie informacje pobrane z danych będą przechowywane postaci tablic kluczy, z którymi będą powiązane pozostałe informacje dotyczące aptek i dystybutorów. Jedna tablica zawierać będzie klucze aptek, druga klucze dystrybutorów.

#### 3.4. Dane wejściowe

Dane wejściowe znajdują się domyślnie w pliku dane.txt. Muszą zgadzać się one z przyjętym formatowaniem. Należy pamiętać, aby każda apteka i dystrybutor mieli ID. Dane w pliku muszą być oddzielone od siebie separatorem ", a nazwy aptek i dystrybutorów nie mogą zawierać tego znaku. Każda z aptek musi mieć połączenie z każdym z dystrybutorów. Wszystke liczby zawarte w pliku muszą być liczbami dodatnimi, a zapotrzebowanie na szczepionki jak i ich dostępna ilość muszą być liczbami całkowitymi. Przykładowy plik wejściowy:

```
# Producenci szczepionek (id | nazwa | dzienna produkcja)
   0 | BioTech 2.0 | 900
   1 | Eko Polska 2020 | 1300
   2 | Post-Covid Sp. z o.o. | 1100
   # Apteki (id | nazwa | dzienne zapotrzebowanie)
   0 | CentMedEko Centrala | 450
   1 | CentMedEko 24h | 690
   2 | CentMedEko Nowogrodzka | 1200
   # Połączenia
                 (id prod | id apt | max liczba szczepionek | koszt sztuki)
           800 | 70.5
   0 | 1 |
           600
                 70
   0 | 2 |
           750 | 90.99
   1
     1 0
           900 | 100
   1 | 1 |
           600
                 80
   1 | 2 |
           450
                 70
   2 | 0 |
           900
                 80
   2 | 1 |
           900
                 90
   2 | 2 | 300 | 100
3.5. Dane wyjściowe
   Dane wyjściowe znajdować się będą w pliku result.txt w poniższy
   sposób:
                    -> CentMedEko Centrala [Koszt = 300 * 70.5 = 21150 zł]
   BioTech 2.0
   Eko Polska 2020 -> CentMedEko Centrala [Koszt = 150 * 100 = 15000 zł]
   /*
```

pozostałe ustalone połączenia pomiędzy producentami a aptekami

# 4. Scenariusz działania programu

4.1. Scenariusz ogólny

\*/

- 4.1.1. Włączenie programu
- 4.1.2. Sprawdzenie, czy podany plik jest odpowiednio sformatowany
- 4.1.3. Wyliczenie namniejszego możliwego kosztu
- 4.1.4. Zapisanie danych do pliku wyjściowego
- 4.1.5. Koniec działania programu

Opłaty całkowite: 36150 zł

4.2. Scenariusz szczegółowy

- i. Włączenie programu podając mu za argmunet własny plik z danymi, lub nie podając żadnego (wtedy pobierany jest plik domyślny)
- ii. Sprawdzenie przez program, czy plik jest odpowiednio sformatowany. Podanie informacji o błędzie jeżeli taki nie jest.
- iii. Zapisanie danych przez program w postaci tablic.
- iv. Sprawdzenie, w której konfiguracji dla każdej z aptek będzie najkorzystniej kupić szczepionki.
- v. Optymalizacja tego procesu.
- vi. Sprawdzenie, czy można utworzyć plik wyjściowy i w przy pozytywnym rozpatrzeniu tego warunku utworzenie go. W przeciwnym wypadku komunikat błędu.
- vii. Zapisanie wyniku w poprawnym formacie do pliku result.txt
- viii. Zakończenie działania programu

#### 5. Testowanie

# I Ogólny przebieg testowania

Do testów kodu użyty zostanie JUnit 4. Testy będą miały na celu sprawdzenie jak się zachowuje program w wypadku podania nieprawidłowego pliku przez GM i czy zostanie zwrócona prawidłowa informacja o błędzie. Testy będą miały również sprawdzić, czy program zwraca prawidłowe dane i czy poprawnie tworzy nowe pliki wyjściowe.