# Raport

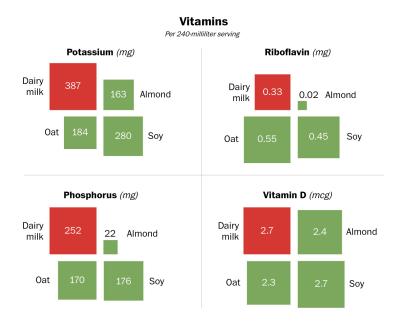
### Natalia Gajda

#### 2 kwietnia 2024

## 1 Wizualizacja źródłowa

Data wizualizacji źródłowej: 21 marca 2024

Link do źródła: https://www.washingtonpost.com/wellness/interactive/2024/dairy-vs-plant-milk/?itid=sf\_wellbeing\_food\_article\_list Wizualizacja:

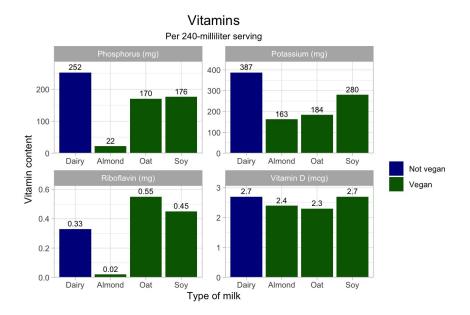


# 2 Elementy do poprawy

Poprawy wymaga sam sposób wizualizacji - porównanie wielkości za pomocą pól kwadratów. Poza tym, o ile kolor zielony może kojarzyć się z weganizmem

(na wykresie porównywane są zawartości witamin w mlekach wegańskich i nie), to zestawienie go z kolorem czerwonym sugeruje podział na rzeczy dobre, i złe. Zatem dobór kolorów również jest element do poprawy. Przy wykresie brakuje także legendy i choć to, czemu na wykresie mamy różne koloty wynikać to z samego artykuły, to po spojrzeniu na samo zdjęcie nie każdy czytelnik będzie wiedział o co chodzi.

### 3 Poprawiona wizualizacja oraz kod



```
library(dplyr)
library(ggplot2)
library(grid)

theme_set(theme_light())

vitamins <- rep(c("Potassium", "Riboflavin", "Phosphorus", "Vitamin_D"),
each = 4)
milk <- rep(c("Dairy", "Almond", "Oat", "Soy"), times = 4)
mgpotassium <- c(387, 163, 184, 280)
mgryboflavin <- c(0.33, 0.02, 0.55, 0.45)
mgphosphorus <- c(252, 22, 170, 176)
mcgvitamnd <- c(2.7, 2.4, 2.3, 2.7)</pre>
```

```
all <- c(mgpotassium, mgryboflavin, mgphosphorus, mcgvitamnd)
df <- data.frame(vitamin = vitamins, milk kind = milk, mg = all)
\mathbf{df} \leftarrow \mathbf{df} \%\%
  mutate(vegan = case when(milk kind == "Dairy" ~ "Not_vegan",
                                TRUE ~ "Vegan"))
titles <- c("Phosphorus"="Phosphorus_(mg)", "Potassium"="Potassium_(mg)",
"Riboflavin"="Riboflavin \( (mg) \)", "Vitamin \( D'' = "Vitamin \( D \) (mcg) \)")
df %>%
  group by (vitamin) %%
  ggplot (aes (x = factor (milk kind, levels = c("Dairy", "Almond", "Oat", "Soy")),
  y = mg, fill = vegan) +
  geom col() +
  geom text(aes(label = mg), vjust = -0.5, size = 3) +
  facet wrap(~vitamin, scales = "free", labeller = labeller(vitamin = titles))+
  scale y continuous (expand = expansion (mult = \mathbf{c}(0, 0.14))) +
  \mathbf{scale\_fill\_manual}(\,\mathrm{values}\,=\,\mathbf{c}(\,\mathrm{"Not\_vegan}\,\mathrm{"}\,=\,\mathrm{"darkblue}\,\mathrm{"}\,\,,\,\,\mathrm{"Vegan}\,\mathrm{"}\,=\,\mathrm{"darkgreen}\,\mathrm{"})
  ) +
  theme(legend.position = "right", plot.title=element text(size = 15, hjust=0.5)
  labs(title = "Vitamins", subtitle = "Per_240-milliliter_serving", fill = "",
  x = "Type_of_milk", y = "Vitamin_content")
```

### 4 Uzasadnienie

Przedstawioną wyżej wizualizację uważam za lepszą, ponieważ wysokości słupków zdecydowanie lepiej pokazują różnice w wartościach. Dodatkowo odczyt ułatwiają oczywiście napisy nad słupkami. W wykresie oryginalnym również to było, lecz przez małe pola kwadratów niektóre napisy się na nich nie mieściły, co wyglądało niechlujnie. Kolory na powyższym wykresie nie sugerują również konkretnego podziału (tak jak wcześniej, dobre/złe), lecz zdecydowanie zaznaczają pewną różnicę (owa różnica wyjaśniona jest na legendzie) między porównywanymi produktami.