

ChaosKITs  
Karlsruhe Institute of Technology

# Inhaltsverzeichnis

2.8	Min-Cost-Max-Flow . . . . .	7
2.9	Maximal Cardinatlity Bipartite Mat- ching . . . . .	8
2.10	TSP . . . . .	8
2.11	Bitonic TSP . . . . .	9
<b>3</b>	<b>Geometrie</b>	<b>9</b>
3.1	Closest Pair . . . . .	9
3.2	Geraden . . . . .	9
3.3	Konvexe Hülle . . . . .	10
3.4	Formeln - std::complex . . . . .	10
<b>4</b>	<b>Mathe</b>	<b>12</b>
4.1	ggT, kgV, erweiterter euklidischer Al- gorithmus . . . . .	12
4.1.1	Multiplikatives Inverses von $x$ in $\mathbb{Z}/n\mathbb{Z}$ . . . . .	12
4.2	Mod-Exponent über $\mathbb{F}_p$ . . . . .	12
4.3	LGS über $\mathbb{F}_p$ . . . . .	13
4.4	Chinesischer Restsatz . . . . .	13
4.5	Primzahlsieb von ERATOSTHENES . . . .	13
4.6	MILLER-RABIN-Primzahltest . . . . .	14
4.7	Binomialkoeffizienten . . . . .	14
4.8	Maximales Teilfeld . . . . .	14
4.9	Polynome & FFT . . . . .	14
4.10	Kombinatorik . . . . .	15

4.10.1	Berühmte Zahlen . . . . .	15
4.10.2	Verschiedenes . . . . .	15
4.11	Satz von SPRAGUE-GRUNDY . . . . .	16
4.12	3D-Kugeln . . . . .	16
4.13	Big Integers . . . . .	16
<b>5</b>	<b>Strings</b>	<b>18</b>
5.1	KNUTH-MORRIS-PRATT-Algorithmus . .	18
5.2	AHO-CORASICK-Automat . . . . .	19
5.3	LEVENSHTEIN-Distanz . . . . .	19
5.4	Trie . . . . .	19
5.5	Suffix-Array . . . . .	20
5.6	Longest Common Substring . . . . .	20
5.7	Longest Common Subsequence . . . .	20
<b>6</b>	<b>Java</b>	<b>21</b>
6.1	Introduction . . . . .	21
6.2	BigInteger . . . . .	21
<b>7</b>	<b>Sonstiges</b>	<b>21</b>
7.1	2-SAT . . . . .	21
7.2	Zeileneingabe . . . . .	21
7.3	Bit Operations . . . . .	21
7.4	Josephus-Problem . . . . .	22
7.5	Gemischtes . . . . .	22
7.6	Sonstiges . . . . .	22

# Datenstrukturen

## 1.1 Union-Find

```

1 // Laufzeit: O(n*alpha(n))
2 // "height" ist obere Schranke für die Höhe der Bäume. Sobald
3 // Pfadkompression angewendet wurde, ist die genaue Höhe nicht mehr
4 // effizient berechenbar.
5 vector<int> parent // Initialisiere mit Index im Array.
6 vector<int> height; // Initialisiere mit 0.
7
8 int findSet(int n) { // Pfadkompression
9     if (parent[n] != n) parent[n] = findSet(parent[n]);
10    return parent[n];
11 }
12
13 void linkSets(int a, int b) { // Union by rank.
14     if (height[a] < height[b]) parent[a] = b;
15     else if (height[b] < height[a]) parent[b] = a;
16     else {
17         parent[a] = b;
18         height[b]++;
19     }
20 }
21
22 void unionSets(int a, int b) { // Diese Funktion aufrufen.
23     if (findSet(a) != findSet(b)) linkSets(findSet(a), findSet(b));
24 }

```

## 1.2 Segmentbaum

```

1 // Laufzeit: init: O(n), query: O(log n), update: O(log n)
2 // Berechnet das Maximum im Array.
3 int a[MAX_N], m[4 * MAX_N];
4
5 int query(int x, int y, int k = 0, int X = 0, int Y = MAX_N - 1) {
6     if (x <= X && Y <= y) return m[k];
7     if (y < X || Y < x) return -1000000000; // Ein "neutrales" Element.
8     int M = (X + Y) / 2;
9     return max(query(x, y, 2*k+1, X, M), query(x, y, 2*k+2, M+1, Y));
10 }
11
12 void update(int i, int v, int k = 0, int X = 0, int Y = MAX_N - 1) {
13     if (i < X || Y < i) return;
14     if (X == Y) { m[k] = v; a[i] = v; return; }
15     int M = (X + Y) / 2;
16     update(i, v, 2 * k + 1, X, M);
17     update(i, v, 2 * k + 2, M + 1, Y);
18     m[k] = max(m[2 * k + 1], m[2 * k + 2]);
19 }
20
21 void init(int k = 0, int X = 0, int Y = MAX_N - 1) {
22     if (X == Y) { m[k] = a[X]; return; }

```

```

23     int M = (X + Y) / 2;
24     init(2 * k + 1, X, M);
25     init(2 * k + 2, M + 1, Y);
26     m[k] = max(m[2 * k + 1], m[2 * k + 2]);
27 }

```

Mit update() können ganze Intervalle geändert werden. Dazu: Offset in den inneren Knoten des Baums speichern.

## 1.3 Fenwick Tree

```

1 vector<int> FT; // Fenwick-Tree
2 int n;
3
4 // Addiert val zum Element an Index i. O(log(n)).
5 void updateFT(int i, int val) {
6     i++; while(i <= n) { FT[i] += val; i += (i & (-i)); }
7 }
8
9 // Baut Baum auf. O(n*log(n)).
10 void buildFenwickTree(vector<int>& a) {
11     n = a.size();
12     FT.assign(n+1, 0);
13     for(int i = 0; i < n; i++) updateFT(i, a[i]);
14 }
15
16 // Präfix-Summe über das Intervall [0..i]. O(log(n)).
17 int prefix_sum(int i) {
18     int sum = 0; i++;
19     while(i > 0) { sum += FT[i]; i -= (i & (-i)); }
20     return sum;
21 }

```

## 1.4 Range Minimum Query

```

1 vector<int> data(RMQ_SIZE);
2 vector<vector<int>> rmq(floor(log2(RMQ_SIZE))+1, vector<int>(RMQ_SIZE));
3
4 // Baut Struktur auf. O(n*log(n))
5 void initRMQ() {
6     for(int i = 0, s = 1, ss = 1; s <= RMQ_SIZE; ss=s, s*=2, i++) {
7         for(int l = 0; l + s <= RMQ_SIZE; l++) {
8             if(i == 0) rmq[0][l] = 1;
9             else {
10                 int r = l + ss;
11                 rmq[i][l] = (data[rmq[i-1][l]] <= data[rmq[i-1][r]]) ?
12                     rmq[i-1][l] : rmq[i-1][r];
13             }
14         }
15     }
16 }
17
18 // Gibt den Index des Minimums im Intervall [l,r] zurück. O(1).
19 int queryRMQ(int l, int r) {

```

```

17 if(l >= r) return l;
18 int s = floor(log2(r-l)); r = r - (1 << s);
19 return (data[rmq[s][l]] <= data[rmq[s][r]] ? rmq[s][l] : rmq[s][r]);
20 }

```

## 1.5 STL-Tree

```

1 #include <bits/stdc++.h>
2 #include <ext/pb_ds/assoc_container.hpp>
3 #include <ext/pb_ds/tree_policy.hpp>
4 using namespace std; using namespace __gnu_pbds;
5 typedef tree<int, null_type, less<int>, rb_tree_tag,
6     tree_order_statistics_node_update> Tree;
7
8 int main() {
9     Tree X;
10    for (int i = 1; i <= 16; i <= 1) X.insert(i); // {1, 2, 4, 8, 16}
11    cout << *X.find_by_order(3) << endl; // => 8
12    cout << X.order_of_key(10) << endl; // => 4 = min i, mit X[i] >= 10
13    return 0;
14 }

```

## 2 Graphen

### 2.1 Minimale Spannbäume

**Schnitteigenschaft** Für jeden Schnitt  $C$  im Graphen gilt: Gibt es eine Kante  $e$ , die echt leichter ist als alle anderen Schnittkanten, so gehört diese zu allen minimalen Spannbäumen. ( $\Rightarrow$  Die leichteste Kante in einem Schnitt kann in einem minimalen Spannbaum verwendet werden.)

**Kreiseigenschaft** Für jeden Kreis  $K$  im Graphen gilt: Die schwerste Kante auf dem Kreis ist nicht Teil des minimalen Spannbaums.

#### 2.1.1 Kruskal

```

1 //Takes a Graph g (EdgeList!!!) with N nodes and computes the MST and
  //Cost of it. Runtime:  $O(|E| \cdot \log(|E|))$ 
2 //Requires UnionFind-Datastructure!!!
3 pair<graph,int> buildMST(int N, graph& g) {
4     UnionFind uf(N);
5     graph mst; int mst_cost = 0; int M = g.size();
6     sort(g.begin(), g.end());
7     for(int i = 0; i < M; i++) {
8         int u = g[i].second.first, v = g[i].second.second;
9         if(uf.findSet(u) != uf.findSet(v)) {

```

```

10         mst.push_back(g[i]); mst_cost += g[i].first;
11         uf.unionSets(u,v);
12     }
13 }
14 return make_pair(mst,mst_cost);
15 }

```

## 2.2 Kürzeste Wege

### 2.2.1 Algorithmus von DIJKSTRA

Kürzeste Pfade in Graphen ohne negative Kanten.

```

1 // Laufzeit:  $O((|E|+|V|) \cdot \log |V|)$ 
2 void dijkstra(int start) {
3     priority_queue<ii, vector<ii>, greater<ii>> > pq;
4     vector<int> dist(NUM_VERTICES, INF), parent(NUM_VERTICES, -1);
5
6     dist[start] = 0;
7     pq.push(ii(0, start));
8
9     while (!pq.empty()) {
10        ii front = pq.top(); pq.pop();
11        int curNode = front.second, curDist = front.first;
12
13        if (curDist > dist[curNode]) continue;
14
15        for (auto n : adjlist[curNode]) {
16            int nextNode = n.first, nextDist = curDist + n.second;
17            if (nextDist < dist[nextNode]) {
18                dist[nextNode] = nextDist; parent[nextNode] = curNode;
19                pq.push(ii(nextDist, nextNode));
20            }
21        }
22    }
23 }

```

### 2.2.2 BELLMAN-FORD-Algorithmus

Kürzestes Pfade in Graphen mit negativen Kanten. Erkennt negative Zyklen.

```

1 // Laufzeit:  $O(|V| \cdot |E|)$ 
2 struct edge {
3     int from; int to; int cost;
4     edge () {}
5     edge (int from, int to, int cost) : from(from), to(to), cost(cost) {}
6 };
7
8 vector<edge> edges; // Kanten einfügen!
9 vector<int> dist, parent;
10
11 void bellmannFord() {

```

```

12 dist.assign(NUM_VERTICES, INF); dist[0] = 0;
13 parent.assign(NUM_VERTICES, -1);
14 for (int i = 0; i < NUM_VERTICES - 1; i++) {
15     for (int j = 0; j < (int)edges.size(); j++) {
16         if (dist[edges[j].from] + edges[j].cost < dist[edges[j].to]) {
17             dist[edges[j].to] = dist[edges[j].from] + edges[j].cost;
18             parent[edges[j].to] = edges[j].from;
19         }
20     }
21 }
22
23 // "dist" und "parent" sind korrekte kürzeste Pfade.
24 // Folgende Zeilen prüfen nur negative Kreise.
25 for (int j = 0; j < (int)edges.size(); j++) {
26     if (dist[edges[j].from] + edges[j].cost < dist[edges[j].to]) {
27         // Negativer Kreis gefunden.
28     }
29 }
30 }

```

### 2.2.3 FLOYD-WARSHALL-Algorithmus

```

1 // Laufzeit:  $O(|V|^3)$ 
2 // Initialisiere mat: mat[i][i] = 0, mat[i][j] = INF falls i & j nicht
  adjazent, Länge sonst.
3 void floydWarshall() {
4     for (k = 0; k < MAX_V; k++) {
5         for (i = 0; i < MAX_V; i++) {
6             for (j = 0; j < MAX_V; j++) {
7                 if (mat[i][k] != INF && mat[k][j] != INF && mat[i][k] + mat[k][j]
                    < mat[i][j]) {
8                     mat[i][j] = mat[i][k] + mat[k][j];
9                 }
10            }
11        }
12    }
13 }

```

- Evtl. überschreibt die Eingabe die Nullen auf der Hauptdiagonalen. Nur negative Werte sollten die Nullen überschreiben.
- Von parallelen Kanten sollte nur die günstigste gespeichert werden.
- Knoten  $i$  liegt genau dann auf einem negativen Kreis, wenn  $\text{dist}[i][i] < 0$  ist.
- Ein  $u$ - $v$ -Pfad existiert nicht, wenn  $\text{dist}[u][v] == \text{INF}$ .
- Gibt es einen Knoten  $c$ , sodass  $\text{dist}[u][c] != \text{INF} \ \&\& \ \text{dist}[c][v] != \text{INF} \ \&\& \ \text{dist}[c][c] < 0$ , wird der  $u$ - $v$ -Pfad beliebig kurz.

## 2.3 Strongly Connected Components (TARJANS-Algorithmus)

```

1 // Laufzeit:  $O(|V|+|E|)$ 
2 int counter, sccCounter;
3 vector<bool> visited, inStack;
4 vector< vector<int> > adjlist;
5 vector<int> d, low, sccs;
6 stack<int> s;
7
8 void visit(int v) {
9     visited[v] = true;
10    d[v] = counter; low[v] = counter; counter++;
11    inStack[v] = true; s.push(v);
12
13    for (int i = 0; i < (int)adjlist[v].size(); i++) {
14        int u = adjlist[v][i];
15        if (!visited[u]) {
16            visit(u);
17            low[v] = min(low[v], low[u]);
18        } else if (inStack[u]) {
19            low[v] = min(low[v], low[u]);
20        }
21    }
22
23    if (d[v] == low[v]) {
24        int u;
25        do {
26            u = s.top(); s.pop(); inStack[u] = false;
27            sccs[u] = sccCounter;
28        } while (u != v);
29        sccCounter++;
30    }
31 }
32
33 void scc() {
34     // Initialisiere adjlist!
35     visited.clear(); visited.assign(NUM_VERTICES, false);
36     d.clear(); d.resize(NUM_VERTICES);
37     low.clear(); low.resize(NUM_VERTICES);
38     inStack.clear(); inStack.assign(NUM_VERTICES, false);
39     sccs.clear(); sccs.resize(NUM_VERTICES);
40
41     counter = 0;
42     sccCounter = 0;
43     for (i = 0; i < NUM_VERTICES; i++) {
44         if (!visited[i]) {
45             visit(i);
46         }
47     }
48     // sccCounter ist Anzahl der starkem Zusammenhangskomponenten.
49     // sccs enthält den Index der SCC für jeden Knoten.
50 }

```

## 2.4 Artikulationspunkte und Brücken

```

1 vector< vector<int> > adjlist;
2 vector<int> low;
3 vector<int> d;
4 vector<bool> isArtPoint;
5 vector< vector<int> > bridges; //nur fuer Bruecken
6 int counter = 0;
7
8 void visit(int v, int parent) {
9     d[v] = low[v] = ++counter;
10    int numVisits = 0, maxlow = 0;
11
12    for (vector<int>::iterator vit = adjlist[v].begin(); vit != adjlist[v].
13        end(); vit++) {
14        if (d[*vit] == 0) {
15            numVisits++;
16            visit(*vit, v);
17            if (low[*vit] > maxlow) {
18                maxlow = low[*vit];
19            }
20
21            if (low[*vit] > d[v]) { //nur fuer Bruecken, evtl. parent
22                betrachten!
23                bridges[v].push_back(*vit);
24                bridges[*vit].push_back(v);
25            }
26
27            low[v] = min(low[v], low[*vit]);
28        } else {
29            if (d[*vit] < low[v]) {
30                low[v] = d[*vit];
31            }
32        }
33
34        if (parent == -1) {
35            if (numVisits > 1) isArtPoint[v] = true;
36        } else {
37            if (maxlow >= d[v]) isArtPoint[v] = true;
38        }
39    }
40
41    void findArticulationPoints() {
42        low.clear(); low.resize(adjlist.size());
43        d.clear(); d.assign(adjlist.size(), 0);
44        isArtPoint.clear(); isArtPoint.assign(adjlist.size(), false);
45        bridges.clear(); isBridge.resize(adjlist.size()); //nur fuer Bruecken
46        for (int v = 0; v < (int)adjlist.size(); v++) {
47            if (d[v] == 0) visit(v, -1);
48        }
49    }

```

## 2.5 Eulertouren

- Zyklus existiert, wenn jeder Knoten geraden Grad hat (ungerichtet), bzw. bei jedem Knoten Ein- und Ausgangsgrad übereinstimmen (gerichtet).
- Pfad existiert, wenn alle bis auf (maximal) zwei Knoten geraden Grad haben (ungerichtet), bzw. bei allen Knoten bis auf zwei Ein- und Ausgangsgrad übereinstimmen, wobei einer eine Ausgangskante mehr hat (Startknoten) und einer eine Eingangskante mehr hat (Endknoten).
- Je nach Aufgabenstellung überprüfen, wie isolierte Punkte interpretiert werden sollen.
- Der Code unten läuft in Linearzeit. Wenn das nicht notwendig ist (oder bestimmte Sortierungen verlangt werden), gehts mit einem set einfacher.

```

1 VISIT(v):
2   forall e=(v,w) in E
3   delete e from E
4   VISIT(w)
5   print e

```

```

1 // Laufzeit: O(|V|+|E|)
2 vector< vector<int> > adjlist;
3 vector< vector<int> > otherIdx;
4 vector<int> cycle;
5 vector<int> validIdx;
6
7 void swapEdges(int n, int a, int b) { // Vertauscht Kanten mit Indizes a
8     und b von Knoten n.
9     int neighA = adjlist[n][a];
10    int neighB = adjlist[n][b];
11    int idxNeighA = otherIdx[n][a];
12    int idxNeighB = otherIdx[n][b];
13    swap(adjlist[n][a], adjlist[n][b]);
14    swap(otherIdx[n][a], otherIdx[n][b]);
15    otherIdx[neighA][idxNeighA] = b;
16    otherIdx[neighB][idxNeighB] = a;
17 }
18 void removeEdge(int n, int i) { // Entfernt Kante i von Knoten n (und die
19     zugehörige Rückwärtskante).
20     int other = adjlist[n][i];
21     if (other == n) { //Schlingen.
22         validIdx[n]++;
23         return;
24     }
25     int otherIndex = otherIdx[n][i];
26     validIdx[n]++;
27     if (otherIndex != validIdx[other]) {
28         swapEdges(other, otherIndex, validIdx[other]);
29     }
30     validIdx[other]++;

```

```

30 }
31
32 // Findet Eulerzyklus an Knoten n startend.
33 // Teste vorher, dass Graph zusammenhängend ist! Was ist mit isolierten
    Knoten?
34 // Teste vorher, ob Eulerzyklus überhaupt existiert!
35 void euler(int n) {
36     while (validIdx[n] < (int)adjlist[n].size()) {
37         int nn = adjlist[n][validIdx[n]];
38         removeEdge(n, validIdx[n]);
39         euler(nn);
40     }
41     cycle.push_back(n); // Zyklus am Ende in cycle (umgekehrte Reihenfolge)
42 }

```

- Die Ausgabe erfolgt in falscher Reihenfolge.
- Algorithmus schlägt nicht fehl, falls kein Eulerzyklus existiert. Die Existenz muss separat geprüft werden.

## 2.6 Lowest Common Ancestor

```

1 //RMQ muss hinzugefuegt werden!
2 vector<int> visited(2*MAX_N), first(MAX_N, 2*MAX_N), depth(2*MAX_N);
3 vector<vector<int>> graph(MAX_N);
4
5 //Runtime: O(n)
6 void initLCA(int gi, int d, int &c) {
7     visited[c] = gi, depth[c] = d, first[gi] = min(c, first[gi]), c++;
8     for(int gn : graph[gi]) {
9         initLCA(gn, d+1, c);
10        visited[c] = gi, depth[c] = d, c++;
11    }
12 }
13 //[a, b]
14 //Runtime: O(1)
15 int getLCA(int a, int b) {
16     return visited[queryRMQ(min(first[a], first[b]), max(first[a], first[b]
17     ))];
18 }
19 //=> int c = 0; initLCA(0,0,c); initRMQ(); done! [rmq on depth]

```

## 2.7 Max-Flow

### 2.7.1 Capacity Scaling

Gut bei dünn besetzten Graphen.

```

1 // Ford Fulkerson mit Capacity Scaling.
2 // Laufzeit: O(|E|^2*log(C))

```

```

3 struct MaxFlow { // Muss mit new erstellt werden!
4     static const int MAX_N = 500; // #Knoten, kein Einfluss auf die
        Laufzeit.
5     struct edge { int dest, rev; ll capacity, flow; };
6     vector<edge> adjlist[MAX_N];
7     int visited[MAX_N] = {0}, target, dfsCounter = 0;
8     ll capacity;
9
10    bool dfs(int x) {
11        if (x == target) return 1;
12        if (visited[x] == dfsCounter) return 0;
13        visited[x] = dfsCounter;
14        for (edge &e : adjlist[x]) {
15            if (e.capacity >= capacity && dfs(e.dest)) {
16                e.capacity -= capacity; adjlist[e.dest][e.rev].capacity +=
                    capacity;
17                e.flow += capacity; adjlist[e.dest][e.rev].flow -= capacity;
18                return 1;
19            }
20        }
21        return 0;
22    }
23
24    void addEdge(int u, int v, ll c) {
25        adjlist[u].push_back(edge {v, (int)adjlist[v].size(), c, 0});
26        adjlist[v].push_back(edge {u, (int)adjlist[u].size() - 1, 0, 0});
27    }
28
29    ll maxFlow(int s, int t) {
30        capacity = 1L << 62;
31        target = t;
32        ll flow = 0L;
33        while (capacity) {
34            while (dfsCounter++, dfs(s)) {
35                flow += capacity;
36            }
37            capacity /= 2;
38        }
39        return flow;
40    }
41 };

```

### 2.7.2 Push Relabel

Gut bei sehr dicht besetzten Graphen.

```

1 // Laufzeit: O(|V|^3)
2 struct PushRelabel {
3     ll capacities[MAX_V][MAX_V], flow[MAX_V][MAX_V], excess[MAX_V];
4     int height[MAX_V], list[MAX_V - 2], seen[MAX_V], n;
5
6     PushRelabel(int n) {
7         this->n = n;

```

```

8  memset(capacities, 0L, sizeof(capacities)); memset(flow, 0L, sizeof(
9  flow));
10 memset(excess, 0L, sizeof(excess)); memset(height, 0, sizeof(height))
11 ;
12 memset(list, 0, sizeof(list)); memset(seen, 0, sizeof(seen));
13 }
14 inline void addEdge(int u, int v, ll c) { capacities[u][v] += c; }
15 void push(int u, int v) {
16     ll send = min(excess[u], capacities[u][v] - flow[u][v]);
17     flow[u][v] += send; flow[v][u] -= send;
18     excess[u] -= send; excess[v] += send;
19 }
20
21 void relabel(int u) {
22     int minHeight = INT_MAX / 2;
23     for (int v = 0; v < n; v++) {
24         if (capacities[u][v] - flow[u][v] > 0) {
25             minHeight = min(minHeight, height[v]);
26             height[u] = minHeight + 1;
27         }
28     }
29 void discharge(int u) {
30     while (excess[u] > 0) {
31         if (seen[u] < n) {
32             int v = seen[u];
33             if (capacities[u][v] - flow[u][v] > 0 && height[u] > height[v])
34                 push(u, v);
35             else seen[u]++;
36         } else {
37             relabel(u);
38             seen[u] = 0;
39         }
40     }
41 void moveToFront(int u) {
42     int temp = list[u];
43     for (int i = u; i > 0; i--)
44         list[i] = list[i - 1];
45     list[0] = temp;
46 }
47 ll maxFlow(int source, int target) {
48     for (int i = 0, p = 0; i < n; i++) if (i != source && i != target)
49         list[p++] = i;
50
51     height[source] = n;
52     excess[source] = LLONG_MAX / 2;
53     for (int i = 0; i < n; i++) push(source, i);
54
55     int p = 0;
56     while (p < n - 2) {
57         int u = list[p], oldHeight = height[u];
58         discharge(u);
59         if (height[u] > oldHeight) {

```

```

59         moveToFront(p);
60         p = 0;
61         } else p++;
62     }
63
64     ll maxflow = 0L;
65     for (int i = 0; i < n; i++) maxflow += flow[source][i];
66     return maxflow;
67 }
68 };

```

### 2.7.3 Anwendungen

- **Maximum Edge Disjoint Paths**

Finde die maximale Anzahl Pfade von  $s$  nach  $t$ , die keine Kante teilen.

1. Setze  $s$  als Quelle,  $t$  als Senke und die Kapazität jeder Kante auf 1.
2. Der maximale Fluss entspricht der unterschiedlichen Pfade ohne gemeinsame Kanten.

- **Maximum Independent Paths**

Finde die maximale Anzahl Pfade von  $s$  nach  $t$ , die keinen Knoten teilen.

1. Setze  $s$  als Quelle,  $t$  als Senke und die Kapazität jeder Kante *und jedes Knotens* auf 1.
2. Der maximale Fluss entspricht der unterschiedlichen Pfade ohne gemeinsame Knoten.

- **Min-Cut**

Der maximale Fluss ist gleich dem minimalen Schnitt. Bei Quelle  $s$  und Senke  $t$ , partitioniere in  $S$  und  $T$ . Zu  $S$  gehören alle Knoten, die im Residualgraphen von  $s$  aus erreichbar sind (Rückwärtskanten beachten).

### 2.8 Min-Cost-Max-Flow

```

1  typedef long long ll;
2  static const ll flowlimit = 1LL << 60; // Should be bigger than the max
3  flow.
4  struct MinCostFlow { // Should be initialized with new.
5      static const int maxn = 400; // Should be bigger than the #vertices.
6      static const int maxm = 5000; // #edges.
7      struct edge { int node; int next; ll flow; ll value; } edges[maxm <<
8      1];
9      int graph[maxn], queue[maxn], pre[maxn], con[maxn], n, m, source,
10     target, top;
11     bool inqueue[maxn];
12     ll maxflow, mincost, dis[maxn];

```

```

11 MinCostFlow() { memset(graph, -1, sizeof(graph)); top = 0; }
12
13 inline int inverse(int x) { return 1 + ((x >> 1) << 2) - x; }
14
15 // Directed edge from u to v, capacity c, weight w.
16 inline int addedge(int u, int v, int c, int w) {
17     edges[top].value = w; edges[top].flow = c; edges[top].node = v;
18     edges[top].next = graph[u]; graph[u] = top++;
19     edges[top].value = -w; edges[top].flow = 0; edges[top].node = u;
20     edges[top].next = graph[v]; graph[v] = top++;
21     return top - 2;
22 }
23
24 bool SPFA() {
25     int point, node, now, head = 0, tail = 1;
26     memset(pre, -1, sizeof(pre));
27     memset(inqueue, 0, sizeof(inqueue));
28     memset(dis, 0x7F, sizeof(dis));
29     dis[source] = 0; queue[0] = source;
30     pre[source] = source; inqueue[source] = true;
31
32     while (head != tail) {
33         now = queue[head++];
34         point = graph[now];
35         inqueue[now] = false;
36         head %= maxn;
37
38         while (point != -1) {
39             node = edges[point].node;
40             if (edges[point].flow > 0 && dis[node] > dis[now] + edges[point].
41                 value) {
42                 dis[node] = dis[now] + edges[point].value;
43                 pre[node] = now; con[node] = point;
44                 if (!inqueue[node]) {
45                     inqueue[node] = true; queue[tail++] = node;
46                     tail %= maxn;
47                 }
48             }
49             point = edges[point].next;
50         }
51         return pre[target] != -1;
52     }
53
54     void extend() {
55         ll w = flowlimit;
56         for (int u = target; pre[u] != u; u = pre[u]) {
57             w = min(w, edges[con[u]].flow);
58         }
59         maxflow += w;
60         mincost += dis[target] * w;
61         for (int u = target; pre[u] != u; u = pre[u]) {
62             edges[con[u]].flow -= w;
63             edges[inverse(con[u])].flow += w;
64         }

```

```

65     }
66
67     void mincostflow() {
68         maxflow = 0;
69         mincost = 0;
70         while (SPFA()) {
71             extend();
72         }
73     }
74 };

```

## 2.9 Maximal Cardinality Bipartite Matching

```

1 // Laufzeit: O(n*(|V|+|E|))
2 vector< vector<int> > adjlist; // Gerichtete Kanten, von links nach
3   rechts.
4 vector<int> pairs; // Zu jedem Knoten der gematchte Knoten rechts, oder
5   -1.
6 vector<bool> visited;
7
8 bool dfs(int v) {
9     if (visited[v]) return false;
10    visited[v] = true;
11    for (auto w : adjlist[v]) if (pairs[w] < 0 || dfs(pairs[w])) {
12        pairs[w] = v; pairs[v] = w; return true;
13    }
14    return false;
15 }
16
17 // n = #Knoten links (0..n-1), m = #Knoten rechts
18 int kuhn(int n, int m) {
19     pairs.assign(n + m, -1);
20     int ans = 0;
21     // Greedy Matching. Optionale Beschleunigung.
22     for (int i = 0; i < n; i++) for (auto w : adjlist[i]) if (pairs[w] ==
23         -1) {
24         pairs[i] = w; pairs[w] = i; ans++; break;
25     }
26     for (int i = 0; i < n; i++) if (pairs[i] == -1) {
27         visited.assign(n + m, false);
28         ans += dfs(i);
29     }
30     return ans; // Größe des Matchings.

```

## 2.10 TSP

```

1 // Laufzeit: O(n^2*2^n)
2 vector<vector<int>> dist; // Entfernung zwischen je zwei Punkten.
3 vector<int> TSP() {

```



```

4  int n = dist.size(), m = 1 << n;
5  vector<vector<ii>> dp(n, vector<ii>(m, ii(INF, -1)));
6
7  for(int c = 0; c < n; c++) dp[c][m-1].first = dist[c][0], dp[c][m-1].
   second = 0;
8
9  for(int v = m - 2; v >= 0; v--) {
10     for(int c = n - 1; c >= 0; c--) {
11         for(int g = 0; g < n; g++) {
12             if(g != c && !((1 << g) & v)) {
13                 if((dp[g][v | (1 << g)].first + dist[c][g]) < dp[c][v].first)
14                     {
15                         dp[c][v].first = dp[g][v | (1 << g)].first + dist[c][g];
16                         dp[c][v].second = g;
17                     }
18             }
19         }
20     }
21     vector<int> res; res.push_back(0); int v = 0;
22     while(res.back() != 0 || res.size() == 1) {
23         res.push_back(dp[res.back()][v | (1 << res.back())].second);
24     }
25     return res; // Enthält Knoten 0 zweimal. An erster und letzter Position
26 }

```

## 2.11 Bitonic TSP

```

1  // Laufzeit: O(|V|^2)
2  vector< vector<double> > dp; // Initialisiere mit -1
3  vector< vector<double> > dist; // Initialisiere mit Entfernungen zwischen
   Punkten.
4  vector<int> lr, rl; // Links-nach-rechts und rechts-nach-links Pfade.
5  int n; // #Knoten
6
7  // get(0, 0) gibt die Länge der kürzesten bitonischen Route.
8  double get(int p1, int p2) {
9      int v = max(p1, p2) + 1;
10     if (v == n - 1) return dist[p1][v] + dist[v][p2];
11     if (dp[p1][p2] > -0.5) return dp[p1][p2];
12     double tryLR = dist[p1][v] + get(v, p2), tryRL = dist[v][p2] + get(p1,
   v);
13     if (tryLR < tryRL) lr.push_back(v); // Baut die Pfade auf. Fügt v zu rl
   hinzu, falls beide gleich teuer.
14     else rl.push_back(v); // Ändere das, falls nötig.
15     return min(tryLR, tryRL);
16 }

```

## 3 Geometrie

### 3.1 Closest Pair

```

1  double squaredDist(point a, point b) {
2      return (a.first-b.first) * (a.first-b.first) + (a.second-b.second) * (a
   .second-b.second);
3  }
4
5  bool compY(point a, point b) {
6      if (a.second == b.second) return a.first < b.first;
7      return a.second < b.second;
8  }
9
10 double shortestDist(vector<point> &points) {
11     //check that points.size() > 1 and that ALL POINTS ARE DIFFERENT
12     set<point, bool>(&points, compY) status(points.begin(), points.end());
13     sort(points.begin(), points.end());
14     double opt = 1e30, sqrtOpt = 1e15;
15     auto left = points.begin(), right = points.begin();
16     status.insert(*right); right++;
17
18     while (right != points.end()) {
19         if (fabs(left->first - right->first) >= sqrtOpt) {
20             status.erase(*left++);
21         } else {
22             auto lower = status.lower_bound(point(-1e20, right->second -
   sqrtOpt));
23             auto upper = status.upper_bound(point(-1e20, right->second +
   sqrtOpt));
24             while (lower != upper) {
25                 double cand = squaredDist(*right, *lower);
26                 if (cand < opt) {
27                     opt = cand;
28                     sqrtOpt = sqrt(opt);
29                 }
30                 ++lower;
31             }
32             status.insert(*right++);
33         }
34     }
35     return sqrtOpt;
36 }

```

### 3.2 Geraden

```

1  struct pt { //complex<double> does not work here, because we need to set
   pt.x and pt.y
2      double x, y;
3      pt() {};
4      pt(double x, double y) : x(x), y(y) {};
5  };
6
7  struct line {
8      double a, b, c; //a*x+b*y+c, b=0 ==> vertical line, b=1 ==> otherwise
9  };

```

```

10
11 line pointsToLine(pt p1, pt p2) {
12     line l;
13     if (fabs(p1.x - p2.x) < EPSILON) {
14         l.a = 1; l.b = 0.0; l.c = -p1.x;
15     } else {
16         l.a = -(double)(p1.y - p2.y) / (p1.x - p2.x);
17         l.b = 1.0;
18         l.c = -(double)(l.a * p1.x) - p1.y;
19     }
20     return l;
21 }
22
23 bool areParallel(line l1, line l2) {
24     return (fabs(l1.a - l2.a) < EPSILON) && (fabs(l1.b - l2.b) < EPSILON);
25 }
26
27 bool areSame(line l1, line l2) {
28     return areParallel(l1, l2) && (fabs(l1.c - l2.c) < EPSILON);
29 }
30
31 bool areIntersect(line l1, line l2, pt &p) {
32     if (areParallel(l1, l2)) return false;
33     p.x = (l2.b * l1.c - l1.b * l2.c) / (l2.a * l1.b - l1.a * l2.b);
34     if (fabs(l1.b) > EPSILON) p.y = -(l1.a * p.x + l1.c);
35     else p.y = -(l2.a * p.x + l2.c);
36     return true;
37 }

```

### 3.3 Konvexe Hülle

```

1 // Laufzeit: O(n*log(n))
2 typedef pair<ll, ll> pt;
3
4 // >0 => PAB dreht gegen den Uhrzeigersinn.
5 // <0 => PAB dreht im Uhrzeigersinn.
6 // =0 => PAB sind kollinear.
7 ll cross(const pt p, const pt a, const pt b) {
8     return (a.first - p.first) * (b.second - p.second) -
9           (a.second - p.second) * (b.first - p.first);
10 }
11
12 // Punkte auf der konvexen Hülle, gegen den Uhrzeigersinn sortiert.
13 // Kollineare Punkte sind nicht enthalten. Entferne "=" im CCW-Test um
14 // sie aufzunehmen.
15 // Achtung: Der erste und letzte Punkt im Ergebnis sind gleich.
16 // Achtung: Alle Punkte müssen verschieden sein.
17 vector<pt> convexHull(vector<pt> p){
18     int n = p.size(), k = 0;
19     vector<pt> h(2 * n);
20     sort(p.begin(), p.end());
21     // Untere Hülle.
22     for (int i = 0; i < n; i++) {

```

```

22     while (k >= 2 && cross(h[k - 2], h[k - 1], p[i]) <= 0.0) k--;
23     h[k++] = p[i];
24 }
25 // Obere Hülle.
26 for (int i = n - 2, t = k + 1; i >= 0; i--) {
27     while (k >= t && cross(h[k - 2], h[k - 1], p[i]) <= 0.0) k--;
28     h[k++] = p[i];
29 }
30 h.resize(k);
31 return h;
32 }

```

### 3.4 Formeln - std::complex

```

1 // Komplexe Zahlen als Darstellung für Punkte.
2 // Wenn immer möglich complex<int> verwenden. Achtung: Funktionen wie abs
3 // () geben dann int zurück.
4 typedef pt complex<double>;
5
6 // Winkel zwischen Punkt und x-Achse in [0, 2 * PI), Winkel zwischen a
7 // und b.
8 double angle = arg (a), angle_a_b = arg (a - b);
9
10 // Punkt rotiert um Winkel theta.
11 pt a_rotated = a * exp (pt (0, theta));
12
13 // Mittelpunkt des Dreiecks abc.
14 pt centroid = (a + b + c) / 3.0;
15
16 // Skalarprodukt.
17 double dot(pt a, pt b) {
18     return real(conj(a) * b);
19 }
20
21 // Kreuzprodukt, 0, falls kollinear.
22 double cross(pt a, pt b) {
23     return imag(conj(a) * b);
24 }
25
26 // Flächeninhalt eines Dreiecks bei bekannten Eckpunkten.
27 double areaOfTriangle(pt a, pt b, pt c) {
28     return abs(cross(b - a, c - a)) / 2.0;
29 }
30
31 // Flächeninhalt eines Dreiecks bei bekannten Seitenlängen.
32 double areaOfTriangle(double a, double b, double c) {
33     double s = (a + b + c) / 2;
34     return sqrt(s * (s-a) * (s-b) * (s-c));
35 }
36
37 // Sind die Dreiecke a1, b1, c1, and a2, b2, c2 ähnlich?
38 // Erste Zeile testet Ähnlichkeit mit gleicher Orientierung,
39 // zweite Zeile testet Ähnlichkeit mit unterschiedlicher Orientierung

```

```

38 bool similar (pt a1, pt b1, pt c1, pt a2, pt b2, pt c2) {
39     return (
40         (b2 - a2) * (c1 - a1) == (b1 - a1) * (c2 - a2) ||
41         (b2 - a2) * (conj (c1) - conj (a1)) == (conj (b1) - conj (a1)) * (c2
42             - a2)
43     );
44 }
45 // -1 => gegen den Uhrzeigersinn, 0 => kollinear, 1 => im Uhrzeigersinn.
46 // Einschränken der Rückgabe auf [-1,1] ist sicherer gegen Overflows.
47 double orientation(pt a, pt b, pt c) {
48     double orien = cross(b - a, c - a);
49     if (abs(orien) < EPSILON) return 0; // Might need large EPSILON: ~1e-6
50     return orien < 0 ? -1 : 1;
51 }
52 // Test auf Streckenschnitt zwischen a-b und c-d.
53 bool lineSegmentIntersection(pt a, pt b, pt c, pt d) {
54     if (orientation(a, b, c) == 0 && orientation(a, b, d) == 0) { // Falls
55         kollinear.
56         double dist = abs(a - b);
57         return (abs(a - c) <= dist && abs(b - c) <= dist) || (abs(a - d) <=
58             dist && abs(b - d) <= dist);
59     }
60     return orientation(a, b, c) * orientation(a, b, d) <= 0 && orientation(
61         c, d, a) * orientation(c, d, b) <= 0;
62 }
63 // Berechnet die Schnittpunkte der Strecken a-b und c-d.
64 // Enthält entweder keinen Punkt, den einzigen Schnittpunkt oder die
65 // Endpunkte der Schnittstrecke.
66 // Achtung: operator<, min, max müssen selbst geschrieben werden!
67 vector<pt> lineSegmentIntersection(pt a, pt b, pt c, pt d) {
68     vector<pt> result;
69     if (orientation(a, b, c) == 0 && orientation(a, b, d) == 0 &&
70         orientation(c, d, a) == 0 && orientation(c, d, b) == 0) {
71         pt minAB = min(a, b), maxAB = max(a, b), minCD = min(c, d), maxCD =
72             max(c, d);
73         if (minAB < minCD && maxAB < minCD) return result;
74         if (minCD < minAB && maxCD < minAB) return result;
75         pt start = max(minAB, minCD), end = min(maxAB, maxCD);
76         result.push_back(start);
77         if (start != end) result.push_back(end);
78         return result;
79     }
80     double x1 = real(b) - real(a), y1 = imag(b) - imag(a);
81     double x2 = real(d) - real(c), y2 = imag(d) - imag(c);
82     double u1 = (-y1 * (real(a) - real(c)) + x1 * (imag(a) - imag(c))) / (-
83         x2 * y1 + x1 * y2);
84     double u2 = (x2 * (imag(a) - imag(c)) - y2 * (real(a) - real(c))) / (-
85         x2 * y1 + x1 * y2);
86     if (u1 >= 0 && u1 <= 1 && u2 >= 0 && u2 <= 1) {
87         double x = real(a) + u2 * x1, y = imag(a) + u2 * y1;
88         result.push_back(pt(x, y));
89     }
90 }

```

```

85     return result;
86 }
87 // Entfernung von Punkt p zur Geraden durch a-b.
88 double distToLine(pt a, pt b, pt p) {
89     return abs(cross(p - a, b - a)) / abs(b - a);
90 }
91 // Liegt p auf der Geraden a-b?
92 bool pointOnLine(pt a, pt b, pt p) {
93     return orientation(a, b, p) == 0;
94 }
95 // Liegt p auf der Strecke a-b?
96 bool pointOnLineSegment(pt a, pt b, pt p) {
97     if (orientation(a, b, p) != 0) return false;
98     return real(p) >= min(real(a), real(b)) && real(p) <= max(real(a), real
99         (b)) &&
100         imag(p) >= min(imag(a), imag(b)) && imag(p) <= max(imag(a), imag(b)
101             );
102 }
103 // Entfernung von Punkt p zur Strecke a-b.
104 double distToSegment(pt a, pt b, pt p) {
105     if (a == b) return abs(p - a);
106     double segLength = abs(a - b);
107     double u = ((real(p) - real(a)) * (real(b) - real(a)) +
108         (imag(p) - imag(a)) * (imag(b) - imag(a))) /
109         (segLength * segLength);
110     pt projection(real(a) + u * (real(b) - real(a)), imag(a) + u * (imag(
111         b) - imag(a)));
112     double projectionDist = abs(p - projection);
113     if (!pointOnLineSegment(a, b, projection)) projectionDist = 1e30;
114     return min(projectionDist, min(abs(p - a), abs(p - b)));
115 }
116 // Kürzeste Entfernung zwischen den Strecken a-b und c-d.
117 double distBetweenSegments(pt a, pt b, pt c, pt d) {
118     if (lineSegmentIntersection(a, b, c, d)) return 0.0;
119     double result = distToSegment(a, b, c);
120     result = min(result, distToSegment(a, b, d));
121     result = min(result, distToSegment(c, d, a));
122     result = min(result, distToSegment(c, d, b));
123     return result;
124 }
125 // Liegt d in der gleichen Ebene wie a, b, und c?
126 bool isCoplanar(pt a, pt b, pt c, pt d) {
127     return abs((b - a) * (c - a) * (d - a)) < EPSILON;
128 }
129 // Berechnet den Flächeninhalt eines Polygons (nicht selbstschneidend).
130 double areaOfPolygon(vector<pt> &polygon) { // Jeder Eckpunkt nur einmal
131     im Vektor.
132     double res = 0; int n = polygon.size();
133     for (int i = 0; i < n; i++)

```

```

136     res += real(polygon[i]) * imag(polygon[(i + 1) % n]) - real(polygon[(
137         i + 1) % n]) * imag(polygon[i]);
137     return 0.5 * res; // Positiv, wenn Punkte gegen den Uhrzeigersinn
138         gegeben sind. Sonst negativ.
138 }
139
140 // Testet, ob sich zwei Rechtecke (p1, p2) und (p3, p4) schneiden (
141     jeweils gegenüberliegende Ecken).
141 bool rectIntersection(pt p1, pt p2, pt p3, pt p4) {
142     double minx12 = min(real(p1), real(p2)), maxx12 = max(real(p1), real(p2
143         ));
143     double minx34 = min(real(p3), real(p4)), maxx34 = max(real(p3), real(p4
144         ));
144     double miny12 = min(imag(p1), imag(p2)), maxy12 = max(imag(p1), imag(p2
145         ));
145     double miny34 = min(imag(p3), imag(p4)), maxy34 = max(imag(p3), imag(p4
146         ));
146     return (maxx12 >= minx34) && (maxx34 >= minx12) && (maxy12 >= miny34)
147         && (maxy34 >= miny12);
147 }
148
149 // Testet, ob ein Punkt im Polygon liegt (beliebige Polygone).
150 bool pointInPolygon(pt p, vector<pt> &polygon) { // Jeder Eckpunkt nur
151     einmal im Vektor.
151     pt rayEnd = p + pt(1, 1000000);
152     int counter = 0, n = polygon.size();
153     for (int i = 0; i < n; i++) {
154         pt start = polygon[i], end = polygon[(i + 1) % n];
155         if (lineSegmentIntersection(p, rayEnd, start, end)) counter++;
156     }
157     return counter & 1;
158 }

```

## 4 Mathe

### 4.1 ggT, kgV, erweiterter euklidischer Algorithmus

```

1 // Laufzeiten: O(log(a) + log(b))
2 ll gcd(ll a, ll b) {
3     return b == 0 ? a : gcd(b, a % b);
4 }
5
6 ll lcm(ll a, ll b) {
7     return a * (b / gcd(a, b)); // Klammern gegen Overflow.
8 }

```

```

1 // Accepted in Aufgabe mit Forderung: |X|+|Y| minimal (primaer) und X<=Y
2 // Hab aber keinen Beweis dafuer :)
3 ll x, y, d; // a * x + b * y = d = ggT(a,b)
4 void extendedEuclid(ll a, ll b) {

```

```

5     if (!b) {
6         x = 1; y = 0; d = a; return;
7     }
8     extendedEuclid(b, a % b);
9     ll x1 = y; ll y1 = x - (a / b) * y;
10    x = x1; y = y1;
11 }

```

#### 4.1.1 Multiplikatives Inverses von $x$ in $\mathbb{Z}/n\mathbb{Z}$

Sei  $0 \leq x < n$ . Definiere  $d := \gcd(x, n)$ .

Falls  $d = 1$ :

- Erweiterter euklidischer Algorithmus liefert  $\alpha$  und  $\beta$  mit  $\alpha x + \beta n = 1$ .
- Nach Kongruenz gilt  $\alpha x + \beta n \equiv \alpha x \equiv 1 \pmod{n}$ .
- $x^{-1} := \alpha \pmod{n}$

Falls  $d \neq 1$ : Es existiert kein  $x^{-1}$ .

```

1 // Laufzeit: O(log(n) + log(p))
2 ll multInv(ll n, ll p) { // Berechnet das multiplikative Inverse von n in
3     F_p.
4     extendedEuclid(n, p); // Implementierung von oben.
5     x += ((x / p) + 1) * p;
6     return x % p;
7 }

```

#### 4.2 Mod-Exponent über $\mathbb{F}_p$

```

1 // Laufzeit: O(log(b))
2 ll mult_mod(ll a, ll b, ll n) {
3     if(a == 0 || b == 0) return 0;
4     if(b == 1) return a % n;
5
6     if(b % 2 == 1) return (a + mult_mod(a, b-1, n)) % n;
7     else return mult_mod((a + a) % n, b / 2, n);
8 }
9
10 // Laufzeit: O(log(b))
11 ll pow_mod(ll a, ll b, ll n) {
12     if(b == 0) return 1;
13     if(b == 1) return a % n;
14
15     if(b % 2 == 1) return mult_mod(pow_mod(a, b-1, n), a, n);
16     else return pow_mod(mult_mod(a, a, n), b / 2, n);
17 }

```

### 4.3 LGS über $\mathbb{F}_p$

```

1 // Laufzeit: O(n^3)
2 void normalLine(ll n, ll line, ll p) { // Normalisiert Zeile line.
3     ll factor = multInv(mat[line][line], p); // Implementierung von oben.
4     for (ll i = 0; i <= n; i++) {
5         mat[line][i] *= factor;
6         mat[line][i] %= p;
7     }
8 }
9
10 void takeAll(ll n, ll line, ll p) { // Zieht Vielfaches von line von
11     // allen anderen Zeilen ab.
12     for (ll i = 0; i < n; i++) {
13         if (i == line) continue;
14         ll diff = mat[i][line];
15         for (ll j = 0; j <= n; j++) {
16             mat[i][j] -= (diff * mat[line][j]) % p;
17             while (mat[i][j] < 0) {
18                 mat[i][j] += p;
19             }
20         }
21     }
22 }
23 void gauss(ll n, ll p) { // nx(n+1)-Matrix, Koerper F_p.
24     for (ll line = 0; line < n; line++) {
25         normalLine(n, line, p);
26         takeAll(n, line, p);
27     }
28 }

```

### 4.4 Chinesischer Restsatz

- Extrem anfällig gegen Overflows. Evtl. häufig 128-Bit Integer verwenden.
- Direkte Formel für zwei Kongruenzen  $x \equiv a \pmod n, x \equiv b \pmod m$ :

$$x \equiv a - y * n * \frac{a-b}{d} \pmod{\frac{mn}{d}} \quad \text{mit} \quad d := \text{ggT}(n, m) = yn + zm$$

Formel kann auch für nicht teilerfremde Moduli verwendet werden.

- Sind die Moduli nicht teilerfremd, existiert genau dann eine Lösung, wenn  $a_i \equiv a_j \pmod{\text{gcd}(m_i, m_j)}$ . In diesem Fall sind keine Faktoren auf der linken Seite erlaubt.

```

1 // Laufzeit: O(n * log(n)), n := Anzahl der Kongruenzen
2 // Nur für teilerfremde Moduli.
3 // Berechnet das kleinste, nicht negative x, das die Kongruenzen simultan
  löst.

```

```

4 // Alle Lösungen sind kongruent zum kgV der Moduli (Produkt, falls alle
  teilerfremd sind).
5 struct ChineseRemainder {
6     typedef __int128 lll;
7     vector<lll> lhs, rhs, module, inv;
8     lll M; // Produkt über die Moduli. Kann leicht überlaufen.
9
10    ll g(vector<lll> &vec) {
11        lll res = 0;
12        for (int i = 0; i < (int)vec.size(); i++) {
13            res += (vec[i] * inv[i]) % M;
14            res %= M;
15        }
16        return res;
17    }
18
19    // Fügt Kongruenz l * x = r (mod m) hinzu.
20    void addEquation(ll l, ll r, ll m) {
21        lhs.push_back(l);
22        rhs.push_back(r);
23        module.push_back(m);
24    }
25
26    // Löst das System.
27    ll solve() {
28        M = accumulate(module.begin(), module.end(), lll(1), multiplies<lll>
29            >());
30        inv.resize(lhs.size());
31        for (int i = 0; i < (int)lhs.size(); i++) {
32            lll x = (M / module[i]) % module[i];
33            inv[i] = (multInvers(x, module[i]) * (M / module[i]));
34        }
35        return (multInvers(g(lhs), M) * g(rhs)) % M;
36    };

```

### 4.5 Primzahlsieb von ERATOSTHENES

```

1 // Laufzeit: O(n * log log n)
2 #define N 1000000001 // Bis 10^8 in unter 64MB Speicher.
3 bitset<N / 2> isPrime;
4
5 inline bool check(int x) { // Diese Methode zum Lookup verwenden.
6     if (x < 2) return false;
7     else if (x == 2) return true;
8     else if (!(x & 1)) return false;
9     else return !isPrime[x / 2];
10 }
11
12 inline int primeSieve(int n) { // Gibt die Anzahl der Primzahlen <= n zur
13     // ück.
14     int counter = 1;
15     for (int i = 3; i <= min(N, n); i += 2) {

```

```

15     if (!isPrime[i / 2]) {
16         for (int j = 3 * i; j <= min(N, n); j += 2 * i) isPrime[j / 2] = 1;
17         counter++;
18     }
19 }
20 return counter;
21 }

```

## 4.6 MILLER-RABIN-Primzahltest

```

1 // Theoretisch: n < 318,665,857,834,031,151,167,461 (> 10^23)
2 // Praktisch: n <= 10^18 (long long)
3 // Laufzeit: O(log n)
4 bool isPrime(ll n) {
5     if(n == 2) return true;
6     if(n < 2 || n % 2 == 0) return false;
7     ll d=n-1,j=0;
8     while(d % 2 == 0) d >>= 1, j++;
9     for(int a = 2; a <= min((ll)37, n-1); a++) {
10         ll v = pow_mod(a, d, n);
11         if(v == 1 || v == n-1) continue;
12         for(int i = 1; i <= j; i++) {
13             v = mult_mod(v, v, n);
14             if(v == n-1 || v <= 1) break;
15         }
16         if(v != n-1) return false;
17     }
18     return true;
19 }

```

## 4.7 Binomialkoeffizienten

Vorberechnen, wenn häufig benötigt.

```

1 // Laufzeit: O(k)
2 ll calc_binom(ll n, ll k) {
3     ll r = 1, d;
4     if (k > n) return 0;
5     for (d = 1; d <= k; d++) {
6         r *= n--;
7         r /= d;
8     }
9     return r;
10 }

```

## 4.8 Maximales Teilfeld

```

1 // N := Länge des Feldes.
2 // Laufzeit: O(N)
3 int maxStart = 1, maxLen = 0, curStart = 1, len = 0;
4 double maxValue = 0, sum = 0;
5 for (int pos = 0; pos < N; pos++) {
6     sum += values[pos];
7     len++;
8     if (sum > maxValue) { // Neues Maximum.
9         maxValue = sum; maxStart = curStart; maxLen = len;
10    }
11    if (sum < 0) { // Alles zurücksetzen.
12        curStart = pos + 2; len = 0; sum = 0;
13    }
14 }
15 // maxSum := maximaler Wert, maxStart := Startposition, maxLen := Länge
    // der Sequenz

```

Obiger Code findet kein maximales Teilfeld, das über das Ende hinausgeht. Dazu:

1. Finde maximales Teilfeld, das nicht übers Ende geht.
2. Berechne minimales Teilfeld, das nicht über den Rand geht (analog).
3. Nimm Maximum aus gefundenem Maximalen und Allem ohne dem Minimalen.

## 4.9 Polynome & FFT

Multipliziert Polynome  $A$  und  $B$ .

- $\deg(A * B) = \deg(A) + \deg(B)$
- Vektoren  $a$  und  $b$  müssen mindestens Größe  $\deg(A * B) + 1$  haben. Größe muss eine Zweierpotenz sein.
- Für ganzzahlige Koeffizienten: `(int)round(real(a[i]))`

```

1 // Laufzeit: O(n log(n)).
2 typedef complex<double> cplx; // Eigene Implementierung ist noch deutlich
    // schneller.
3 vector<cplx> fft(const vector<cplx> &a, bool inverse = 0) { // a.size()
    // muss eine Zweierpotenz sein!
4     int logn = 1, n = a.size();
5     vector<cplx> A(n);
6     while ((1 << logn) < n) logn++;
7     for (int i = 0; i < n; i++) {
8         int j = 0;
9         for (int k = 0; k < logn; k++) j = (j << 1) | ((i >> k) & 1);
10        A[j] = a[i];
11    }
12    for (int s = 2; s <= n; s <= 1) {
13        double angle = 2 * PI / s * (inverse ? -1 : 1);
14        cplx ws(cos(angle), sin(angle));

```



```

15 for (int j = 0; j < n; j+= s) {
16     cplx w = 1;
17     for (int k = 0; k < s / 2; k++) {
18         cplx u = A[j + k], t = A[j + s / 2 + k];
19         A[j + k] = u + w * t;
20         A[j + s / 2 + k] = u - w * t;
21         if (inverse) A[j + k] /= 2, A[j + s / 2 + k] /= 2;
22         w *= ws;
23     }
24 }
25 }
26 return A;
27 }
28
29 // Polynome: a[0] = a_0, a[1] = a_1, ... und b[0] = b_0, b[1] = b_1, ...
30 // Integer-Koeffizienten: Runde beim Auslesen der Koeffizienten: (int)
31 // round(a[i].real())
32 vector<cplx> a = {0,0,0,0,1,2,3,4}, b = {0,0,0,0,2,3,0,1};
33 a = fft(a); b = fft(b);
34 for (int i = 0; i < (int)a.size(); i++) a[i] *= b[i];
35 a = fft(a,1); // a = a * b

```

## 4.10 Kombinatorik

### 4.10.1 Berühmte Zahlen

FIBONACCI-Zahlen	$f(0) = 0$ $f(1) = 1$ $f(n+2) = f(n+1) + f(n)$	
CATALAN-Zahlen	$C_0 = 1$ $C_n = \sum_{k=0}^{n-1} C_k C_{n-1-k} = \frac{1}{n+1} \binom{2n}{n} = \frac{2(2n-1)}{n+1} \cdot C_{n-1}$	
EULER-Zahlen (I)	$\langle n \rangle = \langle n \rangle_{n-1} = 1$ $\langle n \rangle_k = (k+1) \langle n-1 \rangle_k + (n-k) \langle n-1 \rangle_{k-1}$	
EULER-Zahlen (II)	$\langle\langle n \rangle\rangle = 1$ $\langle\langle n \rangle\rangle = 0$ $\langle\langle n \rangle\rangle_k = (k+1) \langle\langle n-1 \rangle\rangle_k + (2n-k-1) \langle\langle n-1 \rangle\rangle_{k-1}$	
STIRLING-Zahlen (I)	$\begin{bmatrix} 0 \\ 0 \end{bmatrix} = 1$ $\begin{bmatrix} n \\ 0 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} 0 \\ n \end{bmatrix} = 0$ $\begin{bmatrix} n \\ k \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} n-1 \\ k-1 \end{bmatrix} + (n-1) \begin{bmatrix} n-1 \\ k \end{bmatrix}$	
STIRLING-Zahlen (II)	$\left\{ \begin{matrix} n \\ 1 \end{matrix} \right\} = \left\{ \begin{matrix} n \\ n \end{matrix} \right\} = 1$ $\left\{ \begin{matrix} n \\ k \end{matrix} \right\} = k \left\{ \begin{matrix} n-1 \\ k \end{matrix} \right\} + \left\{ \begin{matrix} n-1 \\ k-1 \end{matrix} \right\}$	
Integer-Partitions	$f(1,1) = 1$ $f(n,k) = 0$ für $k > n$ $f(n,k) = f(n-k,k) + f(n,k-1)$	

**Bemerkung 1**  $\begin{pmatrix} 0 & 1 \\ 1 & 1 \end{pmatrix}^n \cdot \begin{pmatrix} 0 \\ 1 \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} f_n \\ f_{n+1} \end{pmatrix}$

**Bemerkung 2 (ZECKENDORFS Theorem)** Jede positive natürliche Zahl kann eindeutig als Summe einer oder mehrerer verschiedener FIBONACCI-Zahlen geschrieben werden, sodass keine zwei aufeinanderfolgenden FIBONACCI-Zahlen in der Summe vorkommen.

Lösung: Greedy, nimm immer die größte FIBONACCI-Zahl, die noch hineinpasst.

**Bemerkung 3** • Die erste und dritte angegebene Formel sind relativ sicher gegen Overflows.

- Die erste Formel kann auch zur Berechnung der CATALAN-Zahlen bezüglich eines Moduls genutzt werden.

**Bemerkung 4** Die CATALAN-Zahlen geben an:  $C_n =$

- Anzahl der Binärbäume mit  $n$  nicht unterscheidbaren Knoten.
- Anzahl der validen Klammerausdrücke mit  $n$  Klammerpaaren.
- Anzahl der korrekten Klammerungen von  $n+1$  Faktoren.
- Anzahl der Möglichkeiten ein konvexes Polygon mit  $n+2$  Ecken in Dreiecke zu zerlegen.
- Anzahl der monotonen Pfade (zwischen gegenüberliegenden Ecken) in einem  $n \times n$ -Gitter, die nicht die Diagonale kreuzen.

**Bemerkung 5 (EULER-Zahlen 1. Ordnung)** Die Anzahl der Permutationen von  $\{1, \dots, n\}$  mit genau  $k$  Anstiegen.

Begründung: Für die  $n$ -te Zahl gibt es  $n$  mögliche Positionen zum Einfügen. Dabei wird entweder ein Anstieg in zwei gesplittet oder ein Anstieg um  $n$  ergänzt.

**Bemerkung 6 (EULER-Zahlen 2. Ordnung)** Die Anzahl der Permutationen von  $\{1, 1, \dots, n, n\}$  mit genau  $k$  Anstiegen.

**Bemerkung 7 (STIRLING-Zahlen 1. Ordnung)** Die Anzahl der Permutationen von  $\{1, \dots, n\}$  mit genau  $k$  Zyklen.

Begründung: Es gibt zwei Möglichkeiten für die  $n$ -te Zahl. Entweder sie bildet einen eigenen Zyklus, oder sie kann an jeder Position in jedem Zyklus einsortiert werden.

**Bemerkung 8 (STIRLING-Zahlen 2. Ordnung)** Die Anzahl der Möglichkeiten  $n$  Elemente in  $k$  nichtleere Teilmengen zu zerlegen.

Begründung: Es gibt  $k$  Möglichkeiten die  $n$  in eine  $n-1$ -Partition einzuordnen. Dazu kommt der Fall, dass die  $n$  in ihrer eigenen Teilmenge (alleine) steht.

**Bemerkung 9** Anzahl der Teilmengen von  $\mathbb{N}$ , die sich zu  $n$  aufaddieren mit maximalem Element  $\leq k$ .

### 4.10.2 Verschiedenes

Türme von Hanoi, minimale Schrittzahl:	$T_n = 2^n - 1$
#Regionen zwischen $n$ Geraden	$n(n+1)/2 + 1$
#Abgeschlossene Regionen zwischen $n$ Geraden	$(n^2 - 3n + 2)/2$
#Markierte, gewurzelte Bäume	$n^{n-1}$
#Markierte, nicht gewurzelte Bäume	$n^{n-2}$

## 4.11 Satz von SPRAGUE-GRUNDY

Weise jedem Zustand  $X$  wie folgt eine GRUNDY-Zahl  $g(X)$  zu:

$$g(X) := \min \{ \mathbb{Z}_0^+ \setminus \{g(Y) \mid Y \text{ von } X \text{ aus direkt erreichbar} \} \}$$

$X$  ist genau dann gewonnen, wenn  $g(X) > 0$  ist.

Wenn man  $k$  Spiele in den Zuständen  $X_1, \dots, X_k$  hat, dann ist die GRUNDY-Zahl des Gesamtzustandes  $g(X_1) \oplus \dots \oplus g(X_k)$ .

```
1 // Laufzeit: O(#game)
2 bool WinNimm(vector<int> game) {
3     int result = 0;
4     for(int s: game) result ^= s;
5     return s > 0;
6 }
```

## 4.12 3D-Kugeln

```
1 // Great Circle Distance mit Längen- und Breitengrad.
2 double gcDist(double pLat, double pLon, double qLat, double qLon, double
   radius) {
3     pLat *= PI / 180; pLon *= PI / 180; qLat *= PI / 180; qLon *= PI / 180;
4     return radius * acos(cos(pLat) * cos(pLon) * cos(qLat) * cos(qLon) +
5                           cos(pLat) * sin(pLon) * cos(qLat) * sin(qLon) +
6                           sin(pLat) * sin(qLat));
7 }
8
9 // Great Circle Distance mit kartesischen Koordinaten.
10 double gcDist(point p, point q) {
11     return acos(p.x * q.x + p.y * q.y + p.z * q.z);
12 }
13
14 // 3D Punkt in kartesischen Koordinaten.
15 struct point{
16     double x, y, z;
17     point() {}
18     point(double x, double y, double z) : x(x), y(y), z(z) {}
19     point(double lat, double lon) {
20         lat *= PI / 180.0; lon *= PI / 180.0;
21         x = cos(lat) * sin(lon); y = cos(lat) * cos(lon); z = sin(lat);
22     }
23 };
```

## 4.13 Big Integers

```
1 // Bislang keine Division. Multiplikation nach Schulmethode.
2 #define PLUS 0
```

```
3 #define MINUS 1
4 #define BASE 1000000000
5
6 struct bigint {
7     int sign;
8     vector<ll> digits;
9
10    // Initialisiert mit 0.
11    bigint(void) {
12        sign = PLUS;
13    }
14
15    // Initialisiert mit kleinem Wert.
16    bigint(ll value) {
17        if (value == 0) sign = PLUS;
18        else {
19            sign = value >= 0 ? PLUS : MINUS;
20            value = abs(value);
21            while (value) {
22                digits.push_back(value % BASE);
23                value /= BASE;
24            }
25        }
26    }
27
28    // Initialisiert mit C-String. Kann nicht mit Vorzeichen umgehen.
29    bigint(char *str, int length) {
30        int base = 1;
31        ll digit = 0;
32        for (int i = length - 1; i >= 0; i--) {
33            digit += base * (str[i] - '0');
34            if (base * 10 == BASE) {
35                digits.push_back(digit);
36                digit = 0;
37                base = 1;
38            } else base *= 10;
39        }
40        if (digit != 0) digits.push_back(digit);
41        sign = PLUS;
42    }
43
44    // Löscht führende Nullen und macht -0 zu 0.
45    void trim() {
46        while (digits.size() > 0 && digits[digits.size() - 1] == 0) digits.
47            pop_back();
48        if (digits.size() == 0 && sign == MINUS) sign = PLUS;
49    }
50
51    // Gibt die Zahl aus.
52    void print() {
53        if (digits.size() == 0) {
54            printf("0");
55            return;
56        }
57        if (sign == MINUS) printf("-");
```



```

57     printf("%lld", digits[digits.size() - 1]);
58     for (int i = digits.size() - 2; i >= 0; i--) {
59         printf("%09lld", digits[i]);
60     }
61 }
62 };
63
64 // Kleiner-oder-gleich-Vergleich.
65 bool operator<=(bigint &a, bigint &b) {
66     if (a.digits.size() == b.digits.size()) {
67         int idx = a.digits.size() - 1;
68         while (idx >= 0) {
69             if (a.digits[idx] < b.digits[idx]) return true;
70             else if (a.digits[idx] > b.digits[idx]) return false;
71             idx--;
72         }
73         return true;
74     }
75     return a.digits.size() < b.digits.size();
76 }
77
78 // Kleiner-Vergleich.
79 bool operator<(bigint &a, bigint &b) {
80     if (a.digits.size() == b.digits.size()) {
81         int idx = a.digits.size() - 1;
82         while (idx >= 0) {
83             if (a.digits[idx] < b.digits[idx]) return true;
84             else if (a.digits[idx] > b.digits[idx]) return false;
85             idx--;
86         }
87         return false;
88     }
89     return a.digits.size() < b.digits.size();
90 }
91
92 void sub(bigint *a, bigint *b, bigint *c);
93
94 // a+b=c. a, b, c dürfen gleich sein.
95 void add(bigint *a, bigint *b, bigint *c) {
96     if (a->sign == b->sign) c->sign = a->sign;
97     else {
98         if (a->sign == MINUS) {
99             a->sign ^= 1;
100             sub(b, a, c);
101             a->sign ^= 1;
102         } else {
103             b->sign ^= 1;
104             sub(a, b, c);
105             b->sign ^= 1;
106         }
107         return;
108     }
109
110     c->digits.resize(max(a->digits.size(), b->digits.size()));
111     ll carry = 0;

```

```

112     int i = 0;
113     for (; i < (int)min(a->digits.size(), b->digits.size()); i++) {
114         ll sum = carry + a->digits[i] + b->digits[i];
115         c->digits[i] = sum % BASE;
116         carry = sum / BASE;
117     }
118     if (i < (int)a->digits.size()) {
119         for (; i < (int)a->digits.size(); i++) {
120             ll sum = carry + a->digits[i];
121             c->digits[i] = sum % BASE;
122             carry = sum / BASE;
123         }
124     } else {
125         for (; i < (int)b->digits.size(); i++) {
126             ll sum = carry + b->digits[i];
127             c->digits[i] = sum % BASE;
128             carry = sum / BASE;
129         }
130     }
131     if (carry) {
132         c->digits.push_back(carry);
133     }
134 }
135
136 // a-b=c. c darf a oder b sein. a und b müssen verschieden sein.
137 void sub(bigint *a, bigint *b, bigint *c) {
138     if (a->sign == MINUS || b->sign == MINUS) {
139         b->sign ^= 1;
140         add(a, b, c);
141         b->sign ^= 1;
142         return;
143     }
144
145     if (a < b) {
146         sub(b, a, c);
147         c->sign = MINUS;
148         c->trim();
149         return;
150     }
151
152     c->digits.resize(a->digits.size());
153     ll borrow = 0;
154     int i = 0;
155     for (; i < (int)b->digits.size(); i++) {
156         ll diff = a->digits[i] - borrow - b->digits[i];
157         if (a->digits[i] > 0) borrow = 0;
158         if (diff < 0) {
159             diff += BASE;
160             borrow = 1;
161         }
162         c->digits[i] = diff % BASE;
163     }
164     for (; i < (int)a->digits.size(); i++) {
165         ll diff = a->digits[i] - borrow;
166         if (a->digits[i] > 0) borrow = 0;

```

```

167     if (diff < 0) {
168         diff += BASE;
169         borrow = 1;
170     }
171     c->digits[i] = diff % BASE;
172 }
173 c->trim();
174 }
175
176 // Ziffernmultiplikation a*b=c. b und c dürfen gleich sein. a muss
    kleiner BASE sein.
177 void digitMul(ll a, bigint *b, bigint *c) {
178     if (a == 0) {
179         c->digits.clear();
180         c->sign = PLUS;
181         return;
182     }
183     c->digits.resize(b->digits.size());
184     ll carry = 0;
185     for (int i = 0; i < (int)b->digits.size(); i++) {
186         ll prod = carry + b->digits[i] * a;
187         c->digits[i] = prod % BASE;
188         carry = prod / BASE;
189     }
190     if (carry) c->digits.push_back(carry);
191     c->sign = (a > 0) ? b->sign : 1 ^ b->sign;
192     c->trim();
193 }
194
195 // Zifferndivision b/a=c. b und c dürfen gleich sein. a muss kleiner BASE
    sein.
196 void digitDiv(ll a, bigint *b, bigint *c) {
197     c->digits.resize(b->digits.size());
198     ll carry = 0;
199     for (int i = (int)b->digits.size() - 1; i >= 0; i--) {
200         ll quot = (carry * BASE + b->digits[i]) / a;
201         carry = carry * BASE + b->digits[i] - quot * a;
202         c->digits[i] = quot;
203     }
204     c->sign = b->sign ^ (a < 0);
205     c->trim();
206 }
207
208 // a*b=c. c darf weder a noch b sein. a und b dürfen gleich sein.
209 void mult(bigint *a, bigint *b, bigint *c) {
210     bigint row = *a;
211     bigint tmp;
212     c->digits.clear();
213     for (int i = 0; i < (int)b->digits.size(); i++) {
214         digitMul(b->digits[i], &row, &tmp);
215         add(&tmp, c, c);
216         row.digits.insert(row.digits.begin(), 0);
217     }
218     c->sign = a->sign != b->sign;
219     c->trim();

```

```

220 }
221
222 // Berechnet eine kleine Zehnerpotenz.
223 inline ll pow10(int n) {
224     ll res = 1;
225     for (int i = 0; i < n; i++) res *= 10;
226     return res;
227 }
228
229 // Berechnet eine große Zehnerpotenz.
230 void power10(ll e, bigint *out) {
231     out->digits.assign(e / 9 + 1, 0);
232     if (e % 9) out->digits[out->digits.size() - 1] = pow10(e % 9);
233     else out->digits[out->digits.size() - 1] = 1;
234 }
235
236 // Nimmt eine Zahl module einer Zehnerpotenz 10^e.
237 void mod10(int e, bigint *a) {
238     int idx = e / 9;
239     if ((int)a->digits.size() < idx + 1) return;
240     if (e % 9) {
241         a->digits.resize(idx + 1);
242         a->digits[idx] %= pow10(e % 9);
243     } else {
244         a->digits.resize(idx);
245     }
246     a->trim();
247 }

```

## 5 Strings

### 5.1 KNUTH-MORRIS-PRATT-Algorithmus

```

1 // Laufzeit: O(n + m), n = #Text, m = #Pattern
2 vector<int> kmp_preprocessing(string &sub) {
3     vector<int> b(sub.length() + 1);
4     b[0] = -1;
5     int i = 0, j = -1;
6     while (i < (int)sub.length()) {
7         while (j >= 0 && sub[i] != sub[j]) j = b[j];
8         i++; j++;
9         b[i] = j;
10    }
11    return b;
12 }
13
14 vector<int> kmp_search(string &s, string &sub) {
15     vector<int> pre = kmp_preprocessing(sub);
16     vector<int> result;
17     int i = 0, j = 0;
18     while (i < (int)s.length()) {
19         while (j >= 0 && s[i] != sub[j]) j = pre[j];

```

```

20     i++; j++;
21     if (j == (int)sub.length()) {
22         result.push_back(i - j);
23         j = pre[j];
24     }
25 }
26 return result;
27 }

```

## 5.2 AHO-CORASICK-Automat

```

1 // Laufzeit: O(n + m + z), n = Suchstringlänge, m = Summe der Patternlängen, z = #Matches
2 // Findet mehrere Patterns gleichzeitig in einem String.
3 // 1) Wurzel erstellen: vertex *automaton = new vertex();
4 // 2) Mit addString(automaton, s, idx); Patterns hinzufügen.
5 // 3) finishAutomaton(automaton) aufrufen.
6 // 4) Mit automaton = go(automaton, c) in nächsten Zustand wechseln.
7 // DANACH: Wenn patterns-Vektor nicht leer
8 // ist: Hier enden alle enthaltenen Patterns.
9 // ACHTUNG: Die Zahlenwerte der auftretenden Buchstaben müssen zusammenhängend sein und bei 0 beginnen!
9 struct vertex {
10     vertex *next[ALPHABET_SIZE], *failure;
11     char character;
12     vector<int> patterns; // Indizes der Patterns, die hier enden.
13     vertex() { for (int i = 0; i < ALPHABET_SIZE; i++) next[i] = NULL; }
14 };
15
16 void addString(vertex *v, string &pattern, int patternIdx) {
17     for (int i = 0; i < (int)pattern.length(); i++) {
18         if (!v->next[(int)pattern[i]]) {
19             vertex *w = new vertex();
20             w->character = pattern[i];
21             v->next[(int)pattern[i]] = w;
22         }
23         v = v->next[(int)pattern[i]];
24     }
25     v->patterns.push_back(patternIdx);
26 }
27
28 void finishAutomaton(vertex *v) {
29     for (int i = 0; i < ALPHABET_SIZE; i++)
30         if (!v->next[i]) v->next[i] = v;
31
32     queue<vertex*> q;
33     for (int i = 0; i < ALPHABET_SIZE; i++) {
34         if (v->next[i] != v) {
35             v->next[i]->failure = v;
36             q.push(v->next[i]);
37         }
38     }
39     while (!q.empty()) {
40         vertex *r = q.front(); q.pop();

```

```

40     for (int i = 0; i < ALPHABET_SIZE; i++) {
41         if (r->next[i]) {
42             q.push(r->next[i]);
43             vertex *f = r->failure;
44             while (!f->next[i]) f = f->failure;
45             r->next[i]->failure = f->next[i];
46             for (int j = 0; j < (int)f->next[i]->patterns.size(); j++) {
47                 r->next[i]->patterns.push_back(f->next[i]->patterns[j]);
48             }
49         }
50     }
51     vertex* go(vertex *v, char c) {
52         if (v->next[(int)c]) return v->next[(int)c];
53         else return go(v->failure, c);
54     }
55 }

```

## 5.3 LEVENSHTTEIN-Distanz

```

1 // Laufzeit: O(nm), Speicher: O(m), n = #s1, m = #s2
2 int levenshtein(string& s1, string& s2) {
3     int len1 = s1.size(), len2 = s2.size();
4     vector<int> col(len2 + 1), prevCol(len2 + 1);
5     for (int i = 0; i < len2 + 1; i++) prevCol[i] = i;
6     for (int i = 0; i < len1; i++) {
7         col[0] = i + 1;
8         for (int j = 0; j < len2; j++)
9             col[j+1] = min(min(prevCol[j+1] + 1, col[j] + 1), prevCol[j] + (s1[i]==s2[j] ? 0 : 1));
10        col.swap(prevCol);
11    }
12    return prevCol[len2];
13 }

```

## 5.4 Trie

```

1 // Implementierung für Kleinbuchstaben.
2 struct node {
3     node *e[26];
4     int c = 0; // Anzahl der Wörter, die an diesem node enden.
5     node() { for (int i = 0; i < 26; i++) e[i] = NULL; }
6 };
7
8 void insert(node *root, string &txt, int s) { // Laufzeit: O(|txt|)
9     if (s == (int)txt.size()) root->c++;
10    else {
11        int idx = (int)(txt[s] - 'a');
12        if (root->e[idx] == NULL) root->e[idx] = new node();
13        insert(root->e[idx], txt, s+1);
14    }
15 }
16

```

```

17 int contains(node *root, string &txt, int s) { // Laufzeit: O(|txt|)
18     if(s == txt.size()) return root->c;
19     int idx = (int)(txt[s] - 'a');
20     if(root->e[idx] != NULL) return contains(root->e[idx], txt, s + 1);
21     else return 0;
22 }

```

## 5.5 Suffix-Array

```

1 //longest common substring in one string (overlapping not excluded)
2 //contains suffix array
3 :-----
4
5 int cmp(string &s, vector<vector<int>> &v, int i, int vi, int u, int l) {
6     int vi2 = (vi + 1) % 2, u2 = u + i / 2, l2 = l + i / 2;
7     if(i == 1) return s[u] - s[l];
8     else if (v[vi2][u] != v[vi2][l]) return (v[vi2][u] - v[vi2][l]);
9     else { //beide groesser tiift nicht mehr ein, da ansonsten vorher schon
10         unterschied in Laenge
11         if(u2 >= s.length()) return -1;
12         else if(l2 >= s.length()) return 1;
13         else return v[vi2][u2] - v[vi2][l2];
14     }
15 }
16
17 string lcsb(string s) {
18     if(s.length() == 0) return "";
19     vector<int> a(s.length());
20     vector<vector<int>> v(2, vector<int>(s.length(), 0));
21     int vi = 0;
22     for(int k = 0; k < a.size(); k++) a[k] = k;
23     for(int i = 1; i <= s.length(); i *= 2, vi = (vi + 1) % 2) {
24         sort(a.begin(), a.end(), [&] (const int &u, const int &l) {
25             return cmp(s, v, i, vi, u, l) < 0;
26         });
27         v[vi][a[0]] = 0;
28         for(int z = 1; z < a.size(); z++) v[vi][a[z]] = v[vi][a[z-1]] + (cmp(
29             s, v, i, vi, a[z], a[z-1]) == 0 ? 0 : 1);
30     }
31     //
32     :-----
33
34 int r = 0, m=0, c=0;
35 for(int i = 0; i < a.size() - 1; i++) {
36     c = 0;
37     while(a[i]+c < s.length() && a[i+1]+c < s.length() && s[a[i]+c] == s[
38         a[i+1]+c]) c++;
39     if(c > m) r=i, m=c;
40 }
41 return m == 0 ? "" : s.substr(a[r], m);
42 }

```

## 5.6 Longest Common Substring

```

1 //longest common substring.
2 struct lcse {
3     int i = 0, s = 0;
4 };
5 string lcp(string s[2]) {
6     if(s[0].length() == 0 || s[1].length() == 0) return "";
7     vector<lcse> a(s[0].length()+s[1].length());
8     for(int k = 0; k < a.size(); k++) a[k].i=(k < s[0].length() ? k : k - s
9         [0].length()), a[k].s = (k < s[0].length() ? 0 : 1);
10    sort(a.begin(), a.end(), [&] (const lcse &u, const lcse &l) {
11        int ui = u.i, li = l.i;
12        while(ui < s[u.s].length() && li < s[l.s].length()) {
13            if(s[u.s][ui] < s[l.s][li]) return true;
14            else if(s[u.s][ui] > s[l.s][li]) return false;
15            ui++; li++;
16        }
17        return !(ui < s[u.s].length());
18    });
19    int r = 0, m=0, c=0;
20    for(int i = 0; i < a.size() - 1; i++) {
21        if(a[i].s == a[i+1].s) continue;
22        c = 0;
23        while(a[i].i+c < s[a[i].s].length() && a[i+1].i+c < s[a[i+1].s].
24            length() && s[a[i].s][a[i].i+c] == s[a[i+1].s][a[i+1].i+c]) c++;
25        if(c > m) r=i, m=c;
26    }
27    return m == 0 ? "" : s[a[r].s].substr(a[r].i, m);
28 }

```

## 5.7 Longest Common Subsequence

```

1 string lcsc(string &a, string &b) {
2     int m[a.length() + 1][b.length() + 1], x=0, y=0;
3     memset(m, 0, sizeof(m));
4     for(int y = a.length() - 1; y >= 0; y--) {
5         for(int x = b.length() - 1; x >= 0; x--) {
6             if(a[y] == b[x]) m[y][x] = 1 + m[y+1][x+1];
7             else m[y][x] = max(m[y+1][x], m[y][x+1]);
8         }
9     } //for length only: return m[0][0];
10    string res;
11    while(x < b.length() && y < a.length()) {
12        if(a[y] == b[x]) res += a[y++], x++;
13        else if(m[y][x+1] > m[y+1][x+1]) x++;
14        else y++;
15    }
16    return res;
17 }

```

## 6 Java

### 6.1 Introduction

- Compilen: `javac main.java`
- Ausführen: `java main < sample.in`
- Eingabe: Scanner ist sehr langsam. Bei großen Eingaben muss ein Buffered Reader verwendet werden.

```
1 Scanner in = new Scanner(System.in); // java.util.Scanner
2 String line = in.nextLine(); // Liest die nächste Zeile.
3 int num = in.nextInt(); // Liest das nächste Token als int.
4 double num2 = in.nextDouble(); // Liest das nächste Token als double
5 .
```

- Ausgabe:

```
1 // Ausgabe in StringBuilder schreiben und am Ende alles auf einmal
  // ausgeben. -> Viel schneller.
2 StringBuilder sb = new StringBuilder(); // java.lang.StringBuilder
3 sb.append("Hallo Welt");
4 System.out.print(sb.toString());
```

### 6.2 BigInteger

```
1 // Berechnet this +,*,/,- val.
2 BigInteger add(BigInteger val), multiply(BigInteger val), divide(
  BigInteger val), subtract(BigInteger val)
3
4 // Berechnet this^e.
5 BigInteger pow(BigInteger e)
6
7 // Bit-Operationen.
8 BigInteger and(BigInteger val), or(BigInteger val), xor(BigInteger val),
  not(), shiftLeft(int n), shiftRight(int n)
9
10 // Berechnet den ggT von abs(this) und abs(val).
11 BigInteger gcd(BigInteger val)
12
13 // Berechnet this mod m, this^-1 mod m, this^e mod m.
14 BigInteger mod(BigInteger m), modInverse(BigInteger m), modPow(BigInteger
  e, BigInteger m)
15
16 // Berechnet die nächste Zahl, die größer und wahrscheinlich prim ist.
17 BigInteger nextProbablePrime()
18
19 // Berechnet int/long/float/double-Wert. Ist die Zahl zu groß werden
  // die niedrigsten Bits konvertiert.
20 int intValue(), long longValue(), float floatValue(), double doubleValue
  ()
```

## 7 Sonstiges

### 7.1 2-SAT

1. Bedingungen in 2-CNF formulieren.
2. Implikationsgraph bauen,  $(a \vee b)$  wird zu  $\neg a \Rightarrow b$  und  $\neg b \Rightarrow a$ .
3. Finde die starken Zusammenhangskomponenten.
4. Genau dann lösbar, wenn keine Variable mit ihrer Negation in einer SCC liegt.

### 7.2 Zeileneingabe

```
1 vector<string> split(string &s, string delim) { // Zerlegt s anhand aller
  // Zeichen in delim.
2   vector<string> result; char *token;
3   token = strtok((char*)s.c_str(), (char*)delim.c_str());
4   while (token != NULL) {
5     result.push_back(string(token));
6     token = strtok(NULL, (char*)delim.c_str());
7   }
8   return result;
9 }
```

### 7.3 Bit Operations

```
1 // Bit an Position j auslesen.
2 (a & (1 << j)) != 0
3 // Bit an Position j setzen.
4 a |= (1 << j)
5 // Bit an Position j löschen.
6 a &= ~(1 << j)
7 // Bit an Position j umkehren.
8 a ^= (1 << j)
9 // Wert des niedrigsten gesetzten Bits.
10 (a & -a)
11 // Setzt alle Bits auf 1.
12 a = -1
13 // Setzt die ersten n Bits auf 1. Achtung: Overflows.
14 a = (1 << n) - 1
```

## 7.4 Josephus-Problem

$n$  Personen im Kreis, jeder  $k$ -te wird erschossen.

**Spezialfall  $k = 2$ :** Betrachte Binärdarstellung von  $n$ . Für  $n = 1b_1b_2b_3..b_n$  ist  $b_1b_2b_3..b_n1$  die Position des letzten Überlebenden. (Rotiere  $n$  um eine Stelle nach links)

```
1 int rotateLeft(int n) { // Gibt Index des letzten Überlebenden zurück, 1-basiert.
2     for (int i = 31; i >= 0; i--)
3         if (n & (1 << i)) {
4             n &= ~(1 << i);
5             break;
6         }
7     n <<= 1; n++; return n;
8 }
```

**Allgemein:** Sei  $F(n, k)$  die Position des letzten Überlebenden. Nummeriere die Personen mit  $0, 1, \dots, n-1$ . Nach Erschießen der  $k$ -ten Person, hat der Kreis noch Größe  $n-1$  und die Position des Überlebenden ist jetzt  $F(n-1, k)$ . Also:  $F(n, k) = (F(n-1, k) + k) \% n$ . Basisfall:  $F(1, k) = 0$ .

```
1 int josephus(int n, int k) { // Gibt Index des letzten Überlebenden zurück, 0-basiert.
2     if (n == 1) return 0;
3     return (josephus(n - 1, k) + k) % n;
4 }
```

Beachte bei der Ausgabe, dass die Personen im ersten Fall von  $1, \dots, n$  nummeriert sind, im zweiten Fall von  $0, \dots, n-1$ !

## 7.5 Gemischtes

- JOHNSONS *Reweighting Algorithmus*: Füge neue Quelle  $s$  hinzu, mit Kanten mit Gewicht 0 zu allen Knoten. Nutze BELLMANN-FORD zum Betsimmen der Entfernungen  $d[i]$  von  $s$  zu allen anderen Knoten. Stoppe, wenn es negative Zyklen gibt. Sonst ändere die gewichte von allen Kanten  $(u, v)$  im ursprünglichen Graphen zu  $d[u] + w[u, v] - d[v]$ . Dann sind alle Kantengewichte nichtnegativ, DIJKSTRA kann angewendet werden.
- Für ein System von Differenzbeschränkungen: Ändere alle Bedingungen in die Form  $a - b \leq c$ . Für jede Bedingung füge eine Kante  $(b, a)$  mit Gewicht  $c$  ein. Füge Quelle  $s$  hinzu, mit Kanten zu allen Knoten mit Gewicht 0. Nutze BELLMANN-FORD, um die kürzesten Pfade von  $s$  aus zu finden.  $d[v]$  ist mögliche Lösung für  $v$ .

- Min-Weight-Vertex-Cover im bipartiten Graph: Partitioniere in  $A, B$  und füge Kanten  $s \rightarrow A$  mit Gewicht  $w(A)$  und Kanten  $B \rightarrow t$  mit Gewicht  $w(B)$  hinzu. Füge Kanten mit Kapazität  $\infty$  von  $A$  nach  $B$  hinzu, wo im originalen Graphen Kanten waren. Max-Flow ist die Lösung.

Im Residualgraphen:

- Das Vertex-Cover sind die Knoten inzident zu den Brücken. *oder*
- Die Knoten in  $A$ , die *nicht* von  $s$  erreichbar sind und die Knoten in  $B$ , die von  $t$  erreichbar sind.

- Allgemeiner Graph: Das Komplement eines Vertex-Cover ist ein Independent Set.  $\Rightarrow$  Max Weight Independent Set ist Komplement von Min Weight Vertex Cover.
- Bipartiter Graph: Min Vertex Cover (kleinste Menge Kanten, die alle Knoten berühren) = Max Matching.
- Bipartites Matching mit Gewichten auf linken Knoten. Minimiere Matchinggewicht. Lösung: Sortiere Knoten links aufsteigend nach Gewicht, danach nutze normlen Algorithmus (KUHN, Seite 8)
- Tobi, cool down!

## 7.6 Sonstiges

```
1 // Alles-Header.
2 #include <bits/stdc++.h>
3
4 // Setzt das deutsche Tastaturlayout.
5 setxkbmap de
6
7 // Schnelle Ein-/Ausgabe mit cin/cout.
8 ios::sync_with_stdio(false);
9
10 // Set mit eigener Sortierfunktion. Typ muss nicht explizit angegeben werden.
11 set<point2, decltype(comp)> set1(comp);
12
13 // PI
14 #define PI (2*acos(0))
15
16 // STL-Debugging, Compiler flags.
17 -D_GLIBCXX_DEBUG
18 #define _GLIBCXX_DEBUG
19
20 // 128-Bit Integer. Muss zum Einlesen/Ausgeben in einen int oder long long gecastet werden.
21 __int128
```